算法基础 笔记

原生生物

*顾乃杰老师算法基础课堂笔记 [以 * 开头的行代表动机与注释等, ** 开头的行代表补充内容]

目录

_	算法概念与数学基础		2
	§1.1 算法简介与分析		2
	§1.2 设计算法		3
	§1.3 渐进记号与递归		5
	§1.4 判断方法		7
	§1.5 摊还分析	•	8
=	排序与顺序统计		8
	§2.1 简单排序与希尔排序		9
	§2.2 堆排序		9
	§2.3 快速排序		11
	§2.4 线性时间排序		12
	§2.5 中位数与顺序统计		13
Ξ	算法设计基本策略		14
	§3.1 动态规划		14
	§3.2 更多例子		16
	§3.3 贪心算法		18
	§3.4 分治策略案例		26
	§3.5 快速傅里叶变换	•	21
四	数据结构		22
	§4.1 二分检索树		22
	§4.2 红黑树		24
	§4.3 动态顺序统计		27
	§4.4 斐波那契堆		28
	§4.5 分离集合	•	31
五	图论算法与串匹配		32
	§5.1 图的表示与遍历		32
	· §5.2 图论问题		34
	- §5.3 串匹配算法		37

一 算法概念与数学基础

定义: 输入-> 算法-> 输出

可计算问题 [computational problem]: 对输入输出要求的说明

问题的实例 [instance]: 某个求解需要的具体输入

(排序算法中,输入数组、输出排好的数组是问题,而一个具体的乱序数组则是实例)

正确性:要求对任何输入能正确给出输出(随机算法可能一定程度违反)

学习算法的意义:确定解决方式的正确性、选择容易实现的算法,比较时空复杂度

*算法效率比电脑速度更重要

§1.1 算法简介与分析

伪代码书写: 注重表达清楚, 不关注语言细节

约定:缩进表示块结构、循环结构与 C 类似解释、//代表注释、变量如无特殊说明表示局部变量

举例:插入排序 (就地 [in-place] 排序,需要的额外空间为 O(1),即常量)

```
def INTERSECTION-SORT(A):
    for (j <- 2) to length(A)
        key <- A[j]
        i <- j-1
        while (i > 0 and A[i] > key)
        A[i+1] <- A[i]
        i <- i - 1</pre>
```

A[i+1] <- key

*如何证明正确性?

可选方法:循环不变式 [loop invariant],保证初始化、迭代时均为真 (类似归纳),循环终止时能提供有用性质 (局限性:只能用于判断循环,无法判断分支等)

插入排序中不变式: A[1..j-1] 在循环后有序

- *现实: 理论证明几乎无法做到, 通过大量测试假定正确
- **关于正确性 [correctness]: 正确性指算法在程序规范下被认定为正确的判定,其中功能 [functiconal] 正确针对输入输出的行为,一般分为部分 [partial] 正确与完全 [total] 正确,前者指输出结果时结果正确,后者还额外要求必须能输出结果。

算法分析

含义: 预测算法需要的资源,通常关心时间 [computational time] 与内存空间 [memory],偶尔会涉及通信带宽、硬件使用等

为了统一评价,需要使用统一、简洁的计算模型

*对串行算法一般使用 RAM 模型 [Random-access machine],并行则为 PRAM 模型 [Parallel RAM]

RAM 模型特点:

1. 指令一条条执行 (不存在并发)

- 2. 包含常见算数指令、数据移动指令、控制指令, 且指令所需时间为常量
 - *按照真实计算机设定,不应滥用
 - *特殊情况:如一般指数运算不是常量时间,但 2^k 通过左移可常量时间
- 3. 数据类型有整数与浮点
 - *不关心精度
- 4. 假定数据字的规模存在范围,字长不能任意长
 - *不关心内存层次(高速缓存、虚拟内存)

影响运行时间的主要因素:

- 1. 输入规模
- 2. 输入数据的分布
 - *将算法运行时间描述成输入规模的函数
- 3. 算法实现所选用的底层数据结构
- *思考: RAM 模型中其他影响因素?
- *输入规模与运行时间如何严谨定义?

输入规模 [input size]:对许多问题为输入项的个数 (如排序),但有时 (如整数相乘)关心的是二进制表示的总位数,有时则用两个数表示更合适 (图的项点数与边数)

*必须描述清楚输入规模的量度

运行时间 [running time]: 执行的基本操作数或步数,与机器无关,一般假设每行伪代码恒定时间 *实际计算时,由于循环嵌套所需的步数不同,很可能较为复杂,于是需要二次抽象 [最终将系数抽象为独立于数据规模的常数,只关心量级]

最好/最坏运行时间:最快/最慢情况的运行时间 (插入排序的例子中,最好为 O(n),最坏为 $O(n^2)$) 平均运行时间:运行时间在所有输入下的期望值 (与数据的概率分布有关,一般默认均匀一致分布,插入排序的例子中为 $O(n^2)$)

*平均 vs 最坏:最好运行时间的参考意义不大,而平均运行时间往往非常难以计算,因此一般采取最坏运行时间 [事实上平均运行时间往往和最坏运行时间量级相同]。最坏运行时间给定了运行时间的上界,课程中主要讨论最坏,偶尔讨论平均。

§1.2 设计算法

分治、贪婪、动态规划、线性规划、回溯、分支定界……

分治 [divide-and-conquer] 法:分解 [Divide]、解决 [Conquer]、合并 [Combine] 举例:归并排序 (分解成子序列,对子序列排序后合成)

```
def MergeSort(A,p,r):
  if(p < r)
   q <- (p + r) / 2
  MergeSort(A,p,q)
  MergeSort(A,q+1,r)</pre>
```

```
Merge(A,p,q,r)
def Merge(A,p,q,r):
  n1 = q - p + 1;
  n2 = r - q
  Let L[1..n1+1],R[1..n2+1] be new arrays
  for i <- 1 to n1
    L[i] <- A[p+i-1]
  for j <- 1 to n2
    R[j] \leftarrow A[q+j]
  L[n1+1] <- R[n2+1] <- INFTY [监视哨]
  i <- j <- 1
  for k \leftarrow p to r
    if L[i] <= R[j]
      A[k] \leftarrow L[i]
      i++
    else
      A[k] \leftarrow R[j]
      j++
```

*采用无穷大作监视哨避免过多判断 (注意:一定要保证充分大)

*Merge 算法正确性: 迭代时子数组 A[p..k-1] 按从小到大的顺序包含 B[1..n1+1] 与 C[1..n2+1] 中的 k-p 个最小元素

分析基于分治法的算法: 递归式、递归方程

设 T(n) 是规模为 n 的运行时间 (当 n 在某个常数之下时可当作常数)

假设分解为 a 个子问题,每个的规模是原本 1/b,分解所需时间为 D(n),合并所需时间为 C(n),则总时间为:

$$T(n) = \begin{cases} \Theta(1) & n < c \\ aT(n/b) + D(n) + C(n) & otherwise. \end{cases}$$

对归并排序:
$$T(n) = \begin{cases} \Theta(1) & n < c \\ 2T(n/2) + \Theta(n) & otherwise. \end{cases}$$
, 事实上复杂度为 $\Theta(n \log n)$

思考:

- (1) 自底向上「buttom-up] 通过两两归并也可实现归并排序
- (2) 如何使数组 A[0..n-1] 循环左移 k 位?

法一: 颠倒 0 到 k-1、颠倒 k 到 n-1、颠倒 0 到 n-1 (约 3n 次内容读写)

法二: 思路: 把置换拆分成轮换进行 (约 n 次内容读写)

```
d <- gcd(n,k)
for i <- 0 to d-1
   x <- A[i]
   t <- i
   for j <- 1 to n/d-1</pre>
```

A[t] <- A[(t+k) t <- (t+k) mod n A[t] <- x

§1.3 渐进记号与递归

 $f(n) = \Theta(g(n))$ 代表存在正常数 C_1, C_2, n_0 使得 $n \ge n_0$ 时 $0 \le C_1 g(n) \le f(n) \le C_2 g(n)$ 。

- *即趋于无穷时**阶相同**, $g(n) = \Theta(f(n))$ 时亦有 $f(n) = \Theta(g(n))$
- *一般证明中可以取较粗糙的 C_1, C_2, n_0 , 不用解出精确的点
- f(n) = O(g(n)) 代表存在正常数 C, n_0 使得 $n \ge n_0$ 时 $0 \le f(n) \le Cg(n)$ 。
- *即趋于无穷时 f 的阶**不超过** g, $g(n) = \Theta(f(n))$ 时必有 g(n) = O(f(n))
- $f(n) = \Omega(g(n))$ 代表存在正常数 C, n_0 使得 $n \ge n_0$ 时 $0 \le Cg(n) \le f(n)$ 。
- *即趋于无穷时 g 的阶**不超过** f, $g(n) = \Theta(f(n))$ 时必有 $g(n) = \Omega(f(n))$
- f(n) = o(g(n)) 代表任意正常数 c 存在正常数 n_0 使得 $n \ge n_0$ 时 $0 \le f(n) < cg(n)$ 。
- $f(n) = \omega(g(n))$ 代表任意正常数 c 存在正常数 n_0 使得 $n \ge n_0$ 时 $0 \le cg(n) < f(n)$ 。
- *大小写区别在存在与任意,也可以理解为大写剔除 Θ
- *实际使用时,O(f(n)) 可以代表某个满足 g(n) = O(f(n)) 的 g(n),这样的匿名 [anonymous] 函数可以正常参与运算,但不应出现存在歧义的情况

渐进关系的性质:

- *五种关系都具有传递性
- $*\Theta, O, \Omega$ 具有自反性
- * Θ 与 Θ 、O 与 Ω 、o 与 ω 互相置换对称
- **不是任何两个函数都渐进可比,例如 n 与 $n^{1+\sin n}$,不存在 O 或 Ω 关系

上/下取整

取整性质: 对正整数 a,b,n, $\lceil \frac{\lceil n/a \rceil}{b} \rceil = \lceil \frac{n}{ab} \rceil$, $\lfloor \frac{\lfloor n/a \rfloor}{b} \rfloor = \lfloor \frac{n}{ab} \rfloor$

引理: f(x) 是连续单调上升函数,且整点处才取整值,则 $\lceil f(x) \rceil = \lceil f(\lceil x \rceil) \rceil$, $\lfloor f(x) \rfloor = \lfloor f(\lfloor x \rfloor) \rfloor$ 引理证明: 对第一个式子,若 $\lceil f(x) \rceil \neq \lceil f(\lceil x \rceil) \rceil$, 由单调增可知 $f(x) \leq f(\lceil x \rceil)$, 从而 $\lceil f(x) \rceil < \lceil f(\lceil x \rceil) \rceil$ 。由向上取整定义可知 $\lceil f(x) \rceil < f(\lceil x \rceil)$,而 $f(x) \leq \lceil f(x) \rceil$,从而 $\lceil f(x) \rceil$ 在 f(x) 与 $f(\lceil x \rceil)$ 之间。由连续定义知存在 x_0 使得 $f(x_0) = \lceil f(x) \rceil$,由条件知 x_0 必然为整数,但 $x \leq x_0 \leq \lceil x \rceil$,其由向上取整定义只能为 $\lceil x \rceil$,与 $\lceil f(x) \rceil < \lceil f(\lceil x \rceil) \rceil$ 矛盾。另一个式子同理。

定理证明: 取 $f(x) = \frac{x}{b}$, $x = \frac{n}{a}$ 即可。

其他数学:模、指数、对数、阶乘 (Stirling 公式)、函数迭代 ($f^{(n)}(x)$)

- *斐波那契 [Fibonacci] 数 $a_1 = a_2 = 1, a_n = a_{n-1} + a_{n-2}$,通项为 $\frac{1}{\sqrt{5}} \left[\left(\frac{1+\sqrt{5}}{2} \right)^n \left(\frac{1-\sqrt{5}}{2} \right)^n \right]$
- *思考: 服务器每隔 g 秒送包,拥有 k 个端口 (同时发 k 个),收到的服务器需要花 L 秒时间解压,自此每隔 g 秒给新服务器发送信息,时间与接受的服务器总数关系? (起初 1 对大兔子,大兔子每个隔 g 个月可生 k 对小兔子,小兔子需要 L 个月成熟,求第 n 个月的兔子对数?)[广义斐波那契数]

递归介绍

*递归可能分解为规模不等的子问题

求解递归方程的方法: 替代法 (猜测上界后证明)、递归树法 (转化成树,结点表示不同层次产生的代价,再采用边界求和)、主方法 (求解 T(n) = aT(n/b) + f(n), $a \ge 1, b > 1$, f(n) 是某给定函数 (并非对任何都可解))

**技术细节:

- 1. 假定自变量整数,忽略上下取整。
- 2. 对足够小的 n 假设 T(n) 为常数,忽略边界。 (一些特殊情况可能导致技术细节非常重要,上面两种条件仍然值得重视)
- 3. 有时会存在不等式情况,如 $T(n) \le 2T(n/2) + O(n)$,此时一般用 O 描述上界,反之对大于等于可 用 Ω 描述下界。

例:最大子数组问题 (给定数组,求和最大的连续子数组)

分治策略:找到数组中央位置,任何连续子数组必然在其左侧、右侧,或包含它。左侧与右侧可直接通过 递归,由此只需要找到包含中间位置的最大子数组后取最大值即可。

```
def find_max_crossing_subarray(A,low,mid,high):
  left_sum = -INFTY
  sum = 0
  for i = mid downto low
    sum += A[i]
    if (sum > left sum)
      left_sum = sum
      max_left = i
  right_sum = -INFTY
  sum = 0
  for i = mid -> low
    sum += A[i]
    if (sum > right sum)
      right_sum = sum
      max_right = i
  return (max_left, max_right, left_sum+right_sum)
```

整体算法: 利用上方的算法进行递归, low=high 即为终止条件。

可发现复杂度与归并排序相同,为 $\Theta(n \log n)$ 。

*算法改进 $(\Theta(n)$ 算法): 从左侧开始,找到第一个大于 0 的位置 **i1** 开始,依次求和 (sum+=A[j]), max1 记录目前的最大值,并记录当前的 j1。直到 sum<0 时中止,然后继续向右找到下一个大于 0 的 位置 i2, 清空 sum, 重复此过程, 在比较中得到 maxk 中的最大值即可 (证明思路: 反证, 若否则可以 拼接为更大)。

```
def find_max_subarray(A, low, high):
  now <- low
  sum <- 0
  max <- -INFTY
```

```
for now <- low to high
  if (sum > 0)
    sum += A[now]
    if (sum > max_now)
      j now <- now
      max_now <- sum
    if (sum <= 0 or now == high)</pre>
      if (max_now > max)
         i_max <- i_now</pre>
        j_max <- j_now</pre>
        max <- max now
      sum <- 0
  else if (A[now] > 0)
    max_now <- sum <- A[now]</pre>
    i_now <- j_now <- i
return (max,i_max,j_max)
```

§1.4 判断方法

替代法

包含两个步骤: 猜测解的形式、归纳常数 (直接替代) 并证明解正确 (要求易于猜得) 例: 针对 $T(n) = 2T(\lfloor n/2 \rfloor) + n$,先猜测解为 $T(n) = O(n \log n)$,选取常数 C > T(2) + 1 即可。 更复杂的例子: 求 $T(n) = 2T(\lfloor n/2 \rfloor + 17) + n$ 的解的上界。

解法 (平移的思路): 令 n=m+34,可发现 $T(m+34)=2T(\lfloor m/2\rfloor+34)+m+34$,由此 $T(m+34)+34=2(T(\lfloor m/2\rfloor+34)+34)+m$ 类似上一种情况可直接估算出上界。

- *猜测出渐近界未必能归纳成功,有时是因为归纳假设偏弱,可以尝试加强假设、调整低阶项、初等变换等,如 $T(n) = 2T(\lfloor n/2 \rfloor) + 1$,归纳假设 cn 无法继续,假设为 cn-2 即可。
- *不应将猜测无理由放大
- *变量代换: 对 $T(n) = 2T(|\sqrt{n}|) + \log n$,取 $m = \log n$ 可发现最终结果为 $O(\log n \log \log n)$ 。
- **弊端:猜测、证明都可能困难

递归树

每个结点代表相应子问题代价, 行和代表某层代价, 总和得总代价

*一般用来获得猜测解再替代,省略大部分细节。也可细化直接解出结果。

例: $T(n) = 3T(\lfloor n/4 \rfloor) + \Theta(n^2) \Longrightarrow T(n) = 3T(n/4) + cn^2$ 简化,接着画出递归树求得复杂度大约为 $\sum_{i=0}^{\infty} \frac{3^i}{16^i} cn^2 = c'n^2$,因此为 $\Theta(n^2)$ 量级。

代价不相同: T(n) = T(n/3) + T(2n/3) + O(n),作出递归树可发现每层的和为 cn,再由行数 (通过解方程可计算出层数具体值,不过估算中没有精确必要) 为 $O(\log n)$ 可知复杂度 $O(n\log n)$ 。同理,对于 $T(n) = T(n/4) + T(n/2) + n^2$,可类似算得结果为等比级数的 n^2 倍,仍为 n^2 量级。

*关键为求行和与总代价,需要上下行和的关联

主方法

主要适用范围: T(n) = aT(n/b) + f(n), 其中 $a \ge 1, b > 1$, f 渐近非负。

主定理 [The master theorem]: 若 $f(n) = O(n^{\log_b a - \varepsilon}), \varepsilon > 0$,则 $T(n) = \Theta(n^{\log_b a})$;若 $f(n) = O(n^{\log_b a} \log^k n)$,则 $T(n) = \Theta(n^{\log_b a} \log^{k+1} n)$;若 $f(n) = \Omega(n^{\log_b a - \varepsilon}), \varepsilon > 0$,且 $af(n/b) \leq cf(n)$,则 $T(n) = \Theta(f(n))$ 。

*三种情况存在间隙,可能无法判断 (如 $T(n) = 3T(n/3) + \log \log^2 n$),并不代表递归方程无解

§1.5 摊还分析

思路: 考虑一系列操作的可能的最坏情况的平均复杂度为

*不涉及概率问题,与平均复杂度分析不同

例: 栈操作

只有 PUSH 和 POP 时,视二者代价为 1,则操作的平均代价必然为 1。

在 PUSH 和 POP 上增添一个 MULTIPOP(k),一次允许弹出多个元素 (最多到栈底),其代价实际上为 min(s,k),其中 s 代表栈中元素。

*加入此操作后, n 次操作的平均代价?

虽然 MULTIPOP 的上限代价为 O(n),但由于最多入栈 n 次,出栈也最多 n 次,实际上平均代价仍为 O(1)。

例:二进制计数器

k 位二进制计数器,将每位的修改作为代价 1。在允许加法时,一次加法最高需要修改 k 位,但是 n 次的总代价可以估算为 $\frac{n}{2} + 2\frac{n}{4} + 3\frac{n}{8} + \cdots = O(n)$,于是平均代价仍为 O(1)。

核算法 [accounting method]

给每个操作赋**为摊还代价**,保证每次操作摊还代价的总和不小于实际代价 (而当某步摊还代价比实际代价 大时,将其称为**信用**,用来支付之后的差额)。

*栈操作的例子中,PUSH 的摊还代价为 2,其余全为 0;对二进制计数器,假设 0 到 1 操作 [置位]的摊还代价为 2,1 到 0 操作 [复位]的摊还代价为 0,由于每次增加恰好产生一次置位,而复位时每个为 1 的位都保留信用支付,因此可得到结论。

势能法 [potential method]

对每个状态定义**势函数** [映射到实数],一般初始状态为 0。将摊还代价定义为**代价 + 操作后的势-操作前的势**。

- *栈操作的例子中,势为栈中元素个数;对二进制计数器,势为数中 1 的个数。可发现得到的摊还代价与核算法中一致。
- *通过势能法分析,当二进制计数器计数器不是从零开始时,这样的定义仍然合理,于是 \mathbf{n} 个操作的实际代价为 $2n + b_n b_0$,b 为势函数。于是,充分大时平均复杂度仍然 O(1)。

二 排序与顺序统计

一些概念

稳定性:不论输入数据如何分布,关键字相同的数据对象 (如两个 3) 在整个过程中保持相对位置不变内排序/外排序:是/否在内存中进行

时间开销:通过比较次数与移动次数衡量

评价标准: 所需时间 [主要因素]、附加空间 [一般都不大,矛盾不突出]、实现复杂程度

§2.1 简单排序与希尔排序

直接插入、简单选择、冒泡

希尔排序: 调用直接插入,不稳定,复杂度更低。

*直接插入见第一章

简单选择: n-1 遍处理,第 i 遍将 a[i..n] 中的最小元与 a[i] 交换。比较次数 $O(n^2)$,移动次数最多 3(n-1),平均时间复杂度 $O(n^2)$ 。需要常数额外空间,就地排序。存在跨格跳跃,分析可发现不稳定。冒泡: 至多 n-1 遍处理,第 i 遍在 a[i..n] 中依次比较,相邻交换,某次发现没有需要交换时结束。比较次数 $O(n^2)$,移动次数亦为最多 $O(n^2)$,平均时间复杂度 $O(n^2)$ 。稳定就地排序。

希尔 [shell] 排序:又称缩小增量排序,看作有增量的子列进行插入排序,对位置间隔较大的结点进行比较以跨过较大距离。性能与增量序列有关,尽量避免序列中的值互为倍数,优于直接插入。

*最后一趟必须以 1 作为增量以保证正确

*由于几趟后接近分块有序,希尔排序的实际效率大大优于直接插入排序。复杂度分析非常困难,统计结论一般时间复杂度在 $O(n^{1.25})$ 左右,而空间效率也很高。虽然如此,其理论最有复杂度亦无法达到 $O(n\log n)$ 。

```
def ShellPass(A,d):
    for i <- d+1 to n
        if (A[i]<A[i-d])
        A[0] <- A[i]; j <- i-d;
        while (j>0 and A[0] < A[j])
        A[j+d] <- A[j]
        j <- j-d
        A[j+d] <- A[0]

def ShellSort(A,D):
    for i <- 1 to length(D)
        ShellPass(A,D[i])</pre>
```

§2.2 堆排序

堆 [heap] 排序:集中了归并排序与插入排序的优点,时间复杂度 $O(n \log n)$,空间复杂度 $\Theta(1)$ 。使用堆 [heap] 数据结构,不止可以用在堆排序中,还可以构造另一种有效的数据结构:优先队列。

**和内存的"堆"并不是同一个东西

(二叉) 堆定义: 树上每个结点对应数组中一个元素的完全二叉树,分为大根堆 [父结点大于等于其任何子结点] 与小根堆 [父结点小于等于其任何子结点],排序算法中使用大根堆。

*表示堆的数组 A 有两个属性:数组元素个数 [length] 与数组中属于堆的元素的个数 [heapsize],heapsize<=length,数组的第一个元素代表根结点。

下标 1 开始的数组中,由于其为完全二叉树,可各层顺序排列,A[i] 的父结点是 [i/2],左孩子 2i,右孩子 2i+1。

*[标准定义] 满 [full] 二叉树:每层均为满;完全 [complete] 二叉树:最后一层的结点都在左侧, 未必满;严格 [strict] 二叉树:每个结点的孩子都为零个或两个

*0 开始: A[i] 的父结点是 [(i-1)/2], 左孩子 2i+1, 右孩子 2i+2。

结点高度: 该结点到叶结点最长简单路径上边的数目 (堆的高度: 根结点的高度,为 $[\log_2(n+1)]$)。

基本操作

维护堆: 假定 A[i] 的左右子树都为大根堆,但 A[i] 有可能小于其孩子,则通过逐级下降使得下标为 i 的根结点子树重新遵循大根堆。

```
def MAX_HEAPIFY(A, i):
    l = LEFT(i)
    r = RIGHT(i)
    if l <= A.heap_size and A[l] > A[i]
        Largest = l
    else
        Largest = i
    if r <= A.heap_size and A[r] > A[Largest]
        Largest = r
    if (Largest != i)
        swap A[i], A[Largest]
        MAX_HEAPIFY(A, Largest)
```

*每次至少下移一层,时间复杂度 $O(\log n)$ 。

建堆: 从后往前进行转化,一半处开始即可。

```
def BUILD_MAX_HEAP(A):
    A.Heap_size <- A.length
    for i <- [A.length/2] downto 1
        MAX_HEAPIFY(A, i)</pre>
```

*求和估算可知时间复杂度 O(n)。

堆排序:建好堆后,每次将根结点[当前最大]与最后一个元素互换,堆长度减小1,然后调整堆。

```
def HEAPSORT(A):
   BUILD_MAX_HEAP(A);
for i <- length(A) downto 2
   swap A[1], A[i]
   A.Heap_size -= 1
   MAX_HEAPIFY(A, 1)</pre>
```

- 二叉堆的扩展:优先队列[并不是堆的基本操作!]
- *用来维护一组元素构成的集合 S 的数据结构,每个元素都有一个相关值,称**关键字** [key] 最大优先队列 [可用大根堆构造] 基本操作:
 - 1. insert(S,x) 插入元素进 S

- 2. maximum(S) 返回 S 中最大关键字元素
- 3. extract_max(S) 去掉并返回 S 中最大关键字元素
- 4. increase_key(S, x, k) 将 x 的关键字增加到 k [只允许增加]
- *最小优先队列类似相反

*大根堆实现时,最大关键字元素即为第一个元素 [复杂度 O(1)];删除最大值直接将最大值与最后一个元素交换,堆长度减小 1 并调整即可 [复杂度 $O(\log n)$];增大某元素值通过不断和父结点比较交换实现 [复杂度 $O(\log n)$];加入结点堆长度增加 1,先将末尾元素赋值为 $-\infty$ 再增大值到目标即可 [复杂度 $O(\log n)$]。

§2.3 快速排序

对于包含 n 的数的输入数组,时间复杂度最坏情况 $O(n^2)$,不稳定、就地,期望时间 $\Theta(n\log n)$ 且常数因子很小。

*分治思想

划分:划分为左右两个子数组与中间,使得左侧均小于等于中间,右侧均大于等于中间,中间下标 q 在划分中确定。

解决: 递归调用, 两边分别排序。

合并:由于子数组有序,合并直接已经排好。

```
def QUICKSORT(A, p, r):
    if (p < r)
        q = Partition(A, p, r)
        QUICKSORT(A, p, q-1)
        QUICKSORT(A, q+1, r)

def PARTITION(A, p, r):
    x <- A[r]
    i <- p - 1
    for j <- p to r-1
        if A[j] <= x
        i <- i + 1
            swap A[i], A[j]
    swap A[i+1], A[r]
    return i + 1</pre>
```

另一种 PARTITION:

```
def PARTITION(A, p, r):
    i <- p; j <- r; temp <- A[i];
    while (i != j)
        while (A[j] >= temp and i < j)
          j <- j - 1
        if (i < j)
          A[i] <- A[j]</pre>
```

```
i <- i + 1
while (A[i] <= temp and i < j)
    i <- i + 1
if (i < j)
    A[j] <- A[i]
    j <- j - 1
A[i] <- temp
return i</pre>
```

*看似双方向进行,但由于必须检查越界,需要额外比较

复杂度:分解均匀时接近归并,不均匀时最坏情况,为 $O(n^2)$

*解递推式 $T(n) = \max_q (T(q) + T(n-1-q)) + Cn$ 可知最坏情况上界,而每次最不均匀划分能取到 cn^2 时间,从而可知最坏情况复杂度

平均情况:可以发现,对任何不超过固定比例 (如每次少比多不超过 1:9) 的划分,复杂度都是 $O(n\log n)$,利用此估算,设平均复杂度 T(n),有 $T(n) = \frac{1}{n}\sum_{k=0}^{n-1}(T(k)+T(n-1-k)+cn) = \frac{2}{n}\sum_{k=0}^{n-1}T(k)+cn$ 。 考虑 nT(n)-(n-1)T(n-1) 可估算出 $\frac{T(n)}{n+1} \leq \frac{T(n-1)}{n} + \frac{2c}{n}$,利用 $1+\cdots+\frac{1}{n} \sim \log n$ 可知平均复杂度。

随机快速排序:每次 PARTITION 并非将最右元素作为分割,而是选取随机元素分割以优化性能。

**堆排序与快速排序比较:按照通常 RAM 模型会发现堆排序的复杂度更低,而引进一级缓存 (缓存的量级在 $n^{1/3}$ 左右) 时即会有快速排序的复杂度更低。

§2.4 线性时间排序

比较排序的时间下界

比较排序的算法可以用决策树的方式表示,边代表判定过程,而结点代表已经确定顺序的部分。

*决策树中至少需要 n! 个叶结点表示 n! 种判定结果

定理: 比较排序的最坏情况时间 $\Omega(n \log n)$ 。

证明:由于一次比较产生一层,比较 h 次的高度为 h,而此时最多容纳 2^h 个叶结点,因此 $2^h \ge n!$,从 而 $h \ge \log(n!) = \Omega(n \log n)$ 。

*线性时间排序一定不能直接基于比较

计数 [counting] 排序

思路:对 0 到 k 中的整数组成的数列,只要知道每个整数出现了几次就会知道结果所在的位置。

```
def COUNTING_SORT(A, B, k):
    for i <- 0 to k
        C[i] <- 0
    for i <- 1 to length(A)
        C[A[j]] <- C[A[j]] + 1 //C[t] = sum(A==t)
    for i <- 1 to k
        C[i] <- C[i] + C[i-1] //C[t] = sum(A<=t)
    for i <- length(A) downto 1
        B[C[A[j]]] <- A[j]</pre>
```

```
C[A[j]] \leftarrow C[A[j]] - 1
```

*考虑四个循环可发现其复杂度为 $\Theta(n+k)$, 且为稳定排序。

基数 [radix] 排序

思路:对整数,按位数从末位向前排序 (对每位采用稳定排序算法,如计数排序)。 时间复杂度: \mathbf{n} 个 \mathbf{d} 位数,每位 \mathbf{k} 种取值,计数排序时耗时 O(d(n+k))

*由上方可知, 给定 n 个 b 位二进制数与正整数 $r \leq b$, 时间复杂度可以控制在 $\Theta(b(n+2^r)/r)$ 内。

桶 [bucket] 排序

思路:对 0 到 1 之间,先划分所有数据到 n 个不同的"桶"内再进行排序。

```
def BUCKET_SORT(A):
    n <- length(A)
    for i <- 1 to n
        insert A[i] into list B[floor(nA[i])]
    for i <- 0 to n-1
        sort list B[i] with insertion sort
    Print B[i] in order</pre>
```

时间复杂度:针对均匀一致分布才能达到较好效果,最坏情况 $O(n^2)$ 。平均性能较好,为 $\Theta(n)$ 。

§2.5 中位数与顺序统计

定义: 第 i 小的元素称为第 i 个顺序统计量,n 个元素的低中位数为第 $\lfloor \frac{n+1}{2} \rfloor$ 个顺序统计量,高中位数为第 $\lceil \frac{n+1}{2} \rceil$ 个,一般默认为低中位数。

*寻找最大或最小值时间复杂度必然为 $\Theta(n)$,但同时找最大最小值问题至少可通过 $\lceil \frac{3n}{2} \rceil - 2$ 次比较完成。证明:记 N 状态为从未参与过比较,L 状态为参与过但只大不小,S 为参与过但只小不大,M 为参与过且小大都成为过,则状态间的转换关系为 N->L/S->M。所有元素只有一个能保证 L/S 不变,即为最大/最小,剩下的都会成为 M,总状态转换数为 2(n-2)+1+1=2n-2。

下面考虑一次比较能造成的状态转换: 只有当 N 与 N 比较时一定会有两次状态转换, 其余在最坏情况下至 多一次状态转换 [严谨性问题: 整体最坏未必每次都能遇到最坏]。由此最坏情况至少 $\frac{n}{2}+\left(2n-2-\left(2\frac{n}{2}\right)\right)=\frac{3n}{2}-2$,而由于比较次数一定为整数,需要取上整,即为结果。

算法: 先每两位进行比较,将小的放在奇数位置。在偶数位中找到最大值,奇数位中找到最小值即可。 思考: 找第二大元素需要的最少比较次数?

寻找任意第 i 小元素: 类似快速排序,通过 PARTITION 后左右元素数量确定应在哪一侧找。

```
def RANDOMIZED_SELECT(A, p, r, i):
   if p == r:
     return A[p]
   q = RANDOMIZED_PARTITION(A, p, r)
   k = q - p + 1
   if i == k:
     return A[q]
```

if i < k:

return RANDOMIZED_SELECT(A, p, q-1, i)

else:

return RANDOMIZED_SELECT(A, q+1, r, i-k)

*采用随机 PARTITION 增加效率

复杂度: 最坏情况是 $\Theta(n^2)$, 平均性能为 $\Theta(n)$ (假设均匀一致分布,可通过随机变量计算得结果)。

*最坏情况 O(n) 的算法: 针对划分不均匀情况改进, 使划分均匀。

想法:将数组每五个分组,插入排序找到中值,再从排好序的组列表中提出中值。递归调用,利用中值的中值作 PARTITION。

证明: 3.3 节提到,PARTITION 对任何不超过固定比例的划分都是较好的,而估算可知这样的取中值方式可以保证两侧的比例不超过 3:7。计算时间复杂度:

 $T(n) \le T(n/5) + an + \max\{T(left), T(right)\} \le an + T(n/5) + T(7n/10)$

猜测可解出 $T(n) \leq 10an$,从而为 O(n)。

三 算法设计基本策略

§3.1 动态规划

Richard Bellman, 1950s: 最优性原理、动态规划 [dynamic programming]

与分治法相似,但保存已求解的子问题,不需要重复求解。

最优化问题: 寻找符合约束条件时优化函数的最值

*可行解 (满足约束条件的解)、最优解 (获得最佳值的可行解)

例子 (Thirsty baby): 有 n 种不同饮料,每种最多有 a_i ,满意度为 x_i ,总共需要 t,求满意度最高的饮用方法。

*评价函数为 $\sum_{i=1}^{n} x_i s_i$, x_i 总和为 t 且范围为 $[0,a_i]$ 。

最优性原理 [过程的最优决策序列的性质]:无论过程的初始状态和初始决策是什么,其余的决策必须相对初始决策产生的状态构成最优决策序列 (也即从任何一步开始看都是最优的)。

*全局最优具有一定的局部最优性

刻画最优解的结构特征-> 递归定义最优解值-> 自底向上计算最优解值-> 通过计算信息构造最优解

能用动态规划求解的条件:最优子结构 [optimal substructure]、子问题覆盖

*这要求了全局最优存在某种局部最优,且局部最优可以导出全局最优

运行时间估计: 子问题个数乘子问题最多需要考察的选择数得到上界

常用方法: 自底向上, 先计算子问题再计算原问题 [或带记忆的递归方法]

**不满足最优性原理的例子:对有向图,寻找两点间的最短路径满足最优性原理,但最长简单 [无环] 路径不满足最优性原理。

思考: 如何求解最长简单路径问题?

子问题覆盖:会涉及重复求解子问题,于是可以存储、利用

*利用表格存储辅助信息,从而递归构造最优解

例: 钢条切割

已知长度为 i 的钢条价格 p_i ,长度均为整数,总长固定,求最大收益的分割方案。

思路:每次只需要考虑第一次切割 (或不切割),剩下的部分可以由更低长度时的最优值 [最优子结构]确定

定义 r_n 为长为 n 的钢条的最优切割方案,递推为 $r_n = \max_{0 \le i \le n/2} (r_i + r_{n-i})$ 。

- *事实上可以将 i 的范围提到 n, r_i 写为 p_i , 因为长度已经确定
- *自顶向下的递归写法会导致大量重复计算,因此需要自底向上

[递归若检测是否已经计算过子问题,仍可做到多项式复杂度]

```
def BOTTOM_UP_CUT_ROD(p, n):
    let r[1..n] be array
    r[0] = 0
    for j = 1 to n
        q = - INFTY
        for i = 1 to j
            q= max(q, p[i] + r[j-i])
        r[j] = q
    return r[n]
```

获得最优解的方法: 将每个 r[i] 第一次切割的位置保存为 c[i], 反复回看以确定最优解打印方式:

```
while n > 0:
    print(c[n])
    n -= c[n]
```

*时间复杂度: $\Theta(n^2)$

矩阵链乘

*直接计算的方法: A(1:p,1:q) 与 B(1:q,1:r) 相乘的复杂度是 pqr

给定 \mathbf{n} 个矩阵组成的序列 A_1, \ldots, A_n ,且前一个的行数等于后一个的列数,要计算它们的乘积,求计算 速度最快的运算顺序 (由结合律可任意加括号)。

*总运算顺序可能:通过递推可知为卡特兰数 [Catalan Number]

自顶向下分析:在最优顺序中,考虑最后一次运算,划分出的左右两块应各自为最优运算顺序。

于是,记 m_{ij} 为 $A_i \dots A_j$ 所需的最小乘法次数, p_i 为 A_i 的列数, p_0 为 A_1 的行数,则有 m_{ij} =

$$\begin{cases} 0 & i = j \\ \min_{k} \{m_{ik} + m_{k+1,j} + p_{i-1}p_{k}p_{j}\} & i < j \end{cases}$$

自底向上的方式:按照 \mathbf{j} - \mathbf{i} 的大小逐步向上生成 m_{ij} ,需要三重循环 (\mathbf{j} - \mathbf{i} 、 \mathbf{j} 、比较),并用额外数组 \mathbf{s} 记录分割点。

```
def Matrix_Chain_Order(p):
   for i = 1 to n
     m[i][i] = 0
   for l = 1 to n-1
     for i = 1 to n-l
        j = i + l
```

```
m[i][j] = INFTY
for k = i to j-1
    q = m[i][k] + m[k+1][j] +p[i-1]*p[k]*p[j]
    if q < m[i][j]
        m[i][j] = q
    s[i][j] = k
return (m, s)</pre>
```

*时间复杂度: $O(n^3)$

计算最优解:

```
PRINT_RESULT(s, i, j):
    if i == j:
        print('A'i)
    else:
        print('(')
        PRINT_RESULT(s, i, s[i][j])
        PRINT_RESULT(s,s[i][j]+1,j)
        print(')')
```

思考: 如果要求顺序打出,如何打印?

§3.2 更多例子

最长公共子序列

子序列定义: 从左到右取出的一列未必连续的元素。

问题: 已知两序列 X、Y, 求最长公共子序列 Z。

1、最优子结构特性:

*记 X(i) 为 X 前 i 个元素构成的子串,<A,B> 为 A 与 B 的最长公共子序列,X 为 X[1...i],Y 为 Y[1...j],Z 为 Z[1...k]

当 X[i]==Y[j] 时, Z 必为 <X(i-1),Y(j-1)> 加上 X[i]。

否则,当 Z[k]!=X[i] 时,Z 为 < X(i-1), Y(j)>; 当 Z[k]!=Y[j] 时,Z 为 < X(i), Y(j-1)>。 于是,为进行求解,需要对每个 a、b 考虑 < X(a), Y(b)>,记其长度为 e(a,b)。

2、构造递推解法:

$$e(a,b) = \begin{cases} e(i-1,j-1) + 1 & x_a = y_b \\ \max\{e(a-1,b), e(a,b-1)\} & x_a \neq y_b \end{cases}$$
 边界条件: $ab = 0$ 时 $e(a,b) = 0$ 。

3、自底向上构造:

```
def LCS_LENGTH(X, Y):
    m = length(X)
    n = length(Y)
```

```
c = zeros(m+1,n+1)
for i = 1 to m, j = 1 to n:
    if X[i] == Y[j]:
        c[i][j] = c[i-1][j-1] + 1
        b[i][j] = "upleft"
    elif c[i-1][j] > c[i][j-1]:
        c[i][j] = c[i-1][j]
        b[i][j] = "up"
    else:
        c[i][j] = c[i][j-1]
        b[i][j] = "left"
return b, c
```

4、递归寻找最优解:

最优解的值为 c 右下角元素。从右下角开始按照 b 中指示行动,直到到达点的 c 为 0,每次向左上走的对应的 X 或 Y 下标构成最优解 [注意得到的序列需要进行 reverse]。

最优二分检索树

假设有 n 个互不相同的关键字 k[1..n] 从小到大排列,此外要查找的关键字在 k[i] 与 k[i+1] 之间 (查找不成功) 的情况记作 d[i],可能出现 d[0..n]。

假定 p[1..n] 为查找 k[1..n] 的概率,q[0..n] 为结果为 d[0..n] 的概率,使得**期望查找次数** [即每个结果所在的深度加一与概率相乘求和]最小的二分检索树称为最优二分检索树。

**事实上查找失败时所需要的比较次数即为深度,只有查找成功时才需要加一,教材为方便而统一为深度加一

将子问题定义为 K(i,j),代表对 b[i...j+1] 与 k[i...j] 构造的二分检索树。假定某树是最优二分检索树,其左子树与右子树一定是对应子问题的最优二分检索树 [类似矩阵链乘,运算顺序本就相似于构造二叉树]。

于是,计算可发现代价 $m[i,j] = \min_r \{m[i,r-1] + m[r+1,j] + \sum_{s=i}^j p_s + \sum_{s=i-1}^j q_s \}$,且边界条件 $m[i,i-1] = q_{i-1}$ 。

*可先用 w(i,j) 保存 $\sum_{s=i}^{j} p_s + \sum_{s=i-1}^{j} q_s$, 从而不用每次都计算

```
def Optical_BST(p, q, n):
    for i = 1 to n+1
        e[i][j-1]=q[i-1]
        w[i][j-1]=q[i-1]
    for l = 0 to n-1, i = 1 to n-l
        j = i + l
        e[i][j] = INFTY
        w[i][j] = w[i][j-1] + p[j] + q[j]
        for r = i to j
            t = e[i][r-1] + e[r+1][j] + w[i][j]
        if t < e[i][j]
        e[i][j] = t</pre>
```

```
root[i][j] = r
return e, root
```

*事实上可以做到 n^2 复杂度: 将第三重循环变为 root[i][j-1] 到 root[i+1][j],利用抵消可以发现总和复杂度为 $\Theta(n^2)$,合理性需要严格的数学证明

§3.3 贪心算法

基本思路:每一步按照一定准则做出看上去最优的决策,不会再行修改

贪心准则: 做出贪心决策的依据

实现过程:从初始解出发,每一步求出可行解的一个解元素。由所有元素组合成可行解

**贪心算法能求解时动态规划必然能求解,但贪心算法效率更高

例:活动安排问题

给定 S 由 n 个活动 a[1..n] 构成,每个有开始时间 s[i] 与结束时间 f[i],开始时间小于结束时间,求尽量多的不会冲突的活动选择。

*不妨设按结束时间 f[i] 从小到大排序,增添开始结束都在 0 时间的与无穷时间的活动,以使下标范围 [0..n+1]。记 S_{ij} 为所有在第 i 个结束后开始,第 j 个开始前结束的活动,容易发现只在 i < j 时可能不为空。

利用动态规划的求解思路,假设 S_{ij} 中的最佳安排包含 a[k],则其必然为 A_{ik}, A_{kj} 与 a[k] 之并 (由此,考虑 A_{ij} 的元素个数 c[i][j],可通过尝试 S_{ij} 中的所有 a[k] 取最大值自底向上构造)。

贪心算法假设: 只需要寻找使得 A_{ik} 为空的 $\mathbf{a}[\mathbf{k}]$ 即可 $[\mathbf{p}\ S_{ij}$ 中下标最小的活动]。

证明思路:通过替换可说明其一定可以包含此元素。

递归写法:

```
def RECURSIVE_ACTIVITY_SELECTOR(s, f, i, j)
    m = i + 1
    while m < j and s[m] < f[i]
        m++
    if m < j
        return {a[m]} U RECURSIVE_ACTIVITY_SELECTOR(s, f, m, j)
    return Ø</pre>
```

*也即每次找到最早完成的活动,并去掉与之冲突的非递归写法:

```
def ACTIVITY_SELECTOR(s, f):
    n = length(s)
    A = {a[1]}
    i = 1
    for m = 2 to n
        if s[m] >= f[i]
        A = A \cup {a[m]}
        i = m
```

^{*}复杂度 $\Theta(n^3)$

return A

*复杂度为 $\Theta(n)$, 而动态规划方法的复杂度为 $\Theta(n^2)$

设计贪心算法

- *可先考虑递归问题的情况,找到其中正确的贪心选择后构造
 - 1. 将最优子问题简化为做出选择后只剩一个子问题需要求解的形式。
 - 2. 证明贪心选择后原问题存在最优解 (即选择安全)。
 - 3. 证明贪心选择后剩余子问题满足性质。

于是,贪心算法需要最优化问题具有**最优子结构与贪心选择性质**,后者即可以通过**局部**最优解构造出**全局** 最优解。

贪心算法与动态规划对比

0/1 背包问题:已知每件物品的重量与价值,背包有承重上限,求最大价值装法。

分数背包问题:条件同上,但每个物品可以拿取一部分。

*第二个问题可以直接每次选择单位重量价值最高的物品,于是具有贪心结构,但第一个问题如此可能导致最终剩余空间不是最优 (类似钢条切割时),只能采用动态规划 [其可以被拿取和不拿的子问题覆盖,于是动态规划是可行的]。

例: 哈夫曼编码

要求:进行**变长**编码以缩减储存空间,但需要**前缀编码 (**两个不同的编码具有不同前缀,于是可以区分)以避免歧义。已知每个字符出现的频率,求最优编码方式。

前缀码实现方式:构造满二叉树,需要编码的字符在叶结点,从根结点出发,向左表示 0,向右表示 1,靠到达每个叶结点的方式进行编码。

*于是问题转化为最优二叉树的构建

算法 [自底向上]:将每个结点的权值记作其左右孩子的权值之和,叶结点的权值即为频率。从每个字符作为根结点出发,每次新建根结点,将权值最小的两棵树作为其左右子树,重复 n-1 次。

*利用优先队列进行存储,方便每次取出最小值

```
def HUFFMAN(C):
    n = length(C)
    Q = C
    for i = 1 to n-1
        z = new node
    left[z] = x = EXTRACT_MIN(Q)
        right[z] = y = EXTRACT_MIN(Q)
    f[z] = f[x] + f[y]
        INSERT(Q, z)
    return EXTRACT_MIN(Q) # return the root
```

^{*}根据之前的优先队列分析可发现复杂度为 $O(n \log n)$

证明最优性

引理: 若 x, y 是出现最少的两个字符,则存在一种最优编码使得 x, y 对应的编码长度相同且只有最后一位不同。

证明:由于满二叉树性质,深度最深处必然会有一对叶结点,将 x, y 与这对结点替换后情况不会变差。利用引理,每次将建立的根下的叶结点**合并**为一个字符即可得到结果。

§3.4 分治策略案例

硬币问题

16 个硬币,找到其中比其他轻的假币。

直接思路:分为八组比较得结果。

分治思路:每次分两组比较,四次得到结果。

大整数乘法

* 假设位数为 n

直接相乘: $\Theta(n^2)$ 次,按照每位相乘后相加。

分治:

将其分为前 n/2 与后 n/2 位 [记 $2^{n/2}=m$],但直接计算导致 T(n)=4T(n/2)+O(n),无法改进。 改进方式: 设 X=am+b, Y=cm+d,可发现 $XY=acm^2-((a-b)(c-d)-ac-bd)m+bd$,于是如此计算可以达到 T(n)=3T(n/2)+O(n),复杂度 $O(n^{\log 3})$ 。

- *中间采用减法而非加法是为了避免溢出
- **更快方法? 利用**快速傅里叶变换** [FFT], $O(n \log n)$ 解决

Strassen 矩阵乘法

*方阵相乘问题

分块矩阵可得 $\begin{pmatrix} A_1 & A_2 \\ A_3 & A_4 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} B_1 & B_2 \\ B_3 & B_4 \end{pmatrix}$ 与直接看为每位相乘的形式一致,但是直接计算会导致 $T(n) = 8T(n/2) + O(n^2)$,无法改进。

改讲方式: 利用更好的组合策略

考虑

$$D = A_1(B_2 - B_4), E = A_4(B_3 - B - 1), F = (A_3 + A_4)B_1, G = (A_1 + A_2)B_4$$
$$H = (A_3 - A_1)(B_1 + B_2), I = (A_2 - A_4)(B_3 + B_4), J = (A_1 + A_4)(B_1 + B_4)$$

则

$$C_1 = E + I + J - G$$
, $C_2 = D + G$, $C_3 = E + F$, $C_4 = D + H + J - F$

于是递推式变为 $T(n) = T(n/2) + cn^2$, 复杂度降至 $n^{\log 7}$ 。

**更快方法?利用其他划分策略,目前最好上界约 $O(n^{2.376})$

残缺棋盘问题

 $2^n \times 2^n$ 差一块的棋盘,要求用 3 小块的 L 形木板覆盖,求覆盖策略。

分治思路:分为四个,考虑残缺方格所在的区域,其他三个趋于用一个小 L 形盖住中间使得剩下每区域恰好残缺一个。

复杂度位为 t(k) = 4t(k-1) + c,于是复杂度与格子数一致。由于这和 L 形板数目相同量级,这必然是最优的算法。

距离最近点对

平面中 n 个点, 求最近点对。

直接法: 挨个比较, 复杂度 $\Theta(n^2)$ 。

分治思路:分为两组,每组内比较并组间比较。

优化方式: 优化组间比较。先按一个平行 x 轴的直线分割,假设两边最近点对较小距离为 d,则组间比较只需要考虑到直线距离小于 d 的点。

*复杂度分析:由于最复杂的部分是对单坐标轴进行若干次排序,复杂度只需 $O(n \log n)$ 。

§3.5 快速傅里叶变换

考虑范围:代数域 [可以考虑实数/复数] 上次数小于 n 的多项式

相加:直接系数相加,O(n)。

相乘:直接计算的简单方法 $\Theta(n^2)$ (实际上是计算向量的卷积)。

*如何达到 $\Theta(n \log n)$?

多项式表示方式:系数表示法 (直接表示)、点值表示法 (n 个不同点的取值确定)

点值表示好处: 假设知道足够多点, 多项式相乘只需要 $\Theta(n)$ 次

表示方法转化

*点值到系数?

做法: 计算多项式插值

(考虑范德蒙德行列式可以知解的唯一性,从而点值唯一确定系数)

利用拉格朗日插值公式可以 $\Theta(n^2)$ 可以得到结果

系数到点值直接方法: $a_0 + a_1(x + a_2(x + ...))$ 计算不同点,复杂度 $\Theta(n^2)$ 。

*FFT 思路: 选择合适的点让结果为 $O(n \log n)$?

对数复杂度方法

数学基础: \mathbf{n} 次单位根 $\omega_n^k = \mathbf{e}^{2\pi k \mathbf{i}/n}$, k 取 **1** 时称为单位原根,其他为原根的方幂。所有 \mathbf{n} 次单位根构成循环群,单位原根为其生成元之一。

*一些等式:
$$\omega_{dn}^{dk} = \omega_n^k, 2 \mid n \Rightarrow \omega_n^{n/2} = -1, \sum_{k=0}^{n-1} \omega_n^{dk} = \begin{cases} n & n \mid d \\ 0 & n \nmid d \end{cases}$$

*利用单位根作为系数到点值的特殊点

对多项式 $\mathbf{a}(x) = a_0 + \cdots + a_r x^r$,可不妨设其次数在 $n = 2^t$ 以下,则令 $y_i = f(\omega_n^i)$, $i = 0, \ldots, n-1$,称 \mathbf{y} 为 \mathbf{a} 的傅里叶变换,记作 $\mathbf{y} = \mathsf{DFT}_n(\mathbf{a})$ 。

*计算 DFT 的复杂度是 $\Theta(n \log n)$ 的:

记 a_0, a_2, \ldots 构成 **b**, a_1, a_3, \ldots 构成 **c**, 则 $\mathbf{a}(x) = \mathbf{b}(x^2) + x\mathbf{c}(x^2)$ 。

n 为偶数时 $(\omega_n^k)^2 = \omega_{n/2}^k$,于是通过分治可知 DFT 复杂度 $T(n) = 2T(n/2) + \Theta(n)$,由此为 $\Theta(n \log n)$ 。

```
def Recursive_FFT(a):
```

n = length(a)

wn = exp(2PI*i/n)

w = 1

aeven = $\{a[0], a[2], ..., a[n-2]\}$

aodd = $\{a[1], a[3], ..., a[n-1]\}$

yeven = Recursive_FFT(aeven)

yodd = Recursive_FFT(aodd)

```
for k = 0 to n/2-1
  y[k] = yeven[k] + w * yodd[k]
  y[k+n/2] = yeven[k] + w * yodd[k]
  w = w * wn
return y
```

*如何计算逆变换?

由于变换可以看作 $y = V_n a$,其中 $(v_{ij})_n = \omega_n^{ij}, i, j = 0, \dots, n-1$,计算可得 V_n^{-1} 的 (i,j) 位置为 $\frac{1}{n}\omega_n^{-ij}$ 于是, $a_j = \frac{1}{n}\sum_{k=1}^{n-1}y_k\omega_n^{-kj}$,可以完全类似利用分治得到 $\Theta(n\log n)$ 的解法。

*优化:利用蝴蝶操作 [butterfly operation] 计算公用子表达式,归并方式计算,从而减少计算次数 *下方算法中 BIT REVERSE COPY 为按二进制位逆序

```
def ITERATIVE_FFT(a):
    BIT_REVERSE_COPY(a, A)
    n = length(a)
    for s = 1 to log n
        m = 2**s
    omegam = exp(2PI*i/m)
    for k = 0 to n-1 by m
        omega = 1
        for j = 0 to m/2-1
            t = omega * A[k+j+m/2]
            u = A[k+j]
            A[k+j] = u + t
            A[k+j+m/2] = u - t
            omega *= omegam
    return A
```

四 数据结构

§4.1 二分检索树

要求: 左子树 < 根 < 右子树

检索算法:按照与根结点的比较向左/右走

最小/最大:根结点不断寻找左/右孩子,不存在时即为最小/最大,复杂度 O(h)。

后继: 分为有右孩子与无右孩子讨论, 复杂度 O(h)

```
def TREE_SUCCESSOR(x):
   if x.right
    return TREE_MINIMUM(x.right)
   y = x.p
   while y and x == y.right
   x = y
   y = y.p
```

return y

*前驱算法与后继对称

二分检索问题:对有序数组,元素按关键字从小到大排列,任给关键字,查找出位置 (或不存在) 并返回。许多具体实现方法 (折半查找、Fibonacci 查找等)

```
def Binary_Search(A, K, low, high):
   if high < low
     return 0
   else mid = (low + high) / 2
     if K = A[mid]
     return Binary_Search(A, K, low, mid-1)
   else
     return Binary_Search(A, K, mid+1, high)</pre>
```

- *正态分布数据,不对半分:将 mid 每次更新为 low * t + high * (1-t)
- **平衡二叉树与平衡旋转 (思考: 要使 LL、LR、RR、RL 旋转各发生一次,至少需要在空二叉树上插入 多少个结点?)

插入结点

```
def TREE_INSERT(T, z):
    y = NIL; x = T.root
    while x
    y = x
    if z.key < x.key
        x = x.left
    else
        x = x.right
    z.p = y
    if !y
        T.root = z
    else if z.key < y.key
        y.left = z
    else
        y.right = z</pre>
```

删除结点

(数据结构书)基本思路:无孩子直接删除,单孩子连接后删除,两个孩子**复制为后继**后删除后继结点 (算法书)具体实现分为四种情形:

1. 无左孩子

直接用右孩子替换 z (无论是否为 NIL)

- 2. 有左孩子无右孩子 直接用左孩子替换 z
- 3. 有两个孩子,后继 y 是 z 的右孩子 用 y 替换 z,并仅留下 y 的右孩子 (此时 y 不可能有左孩子)
- 4. 有两个孩子, 右孩子 y 不是 z 的右孩子 用 y 的右孩子替换 y, 并用 y 替换 z

子算法: 替换

```
def TRANSPLANT(T, u, v):
    if !u.p
        T.root = v
    else if u == u.p.left
        u.p.left = v
    else u.p.right = v
    if v
        v.p = u.p
```

(主算法直接利用替换与上方逻辑构造即可)

- *插入与删除的时间复杂度亦为 O(n)
- **数据随机分布时高度期望为 $O(\log n)$

§4.2 红黑树

二分检索树,此外每个结点另外保存一位结点的颜色,红或黑*没有一条路径比另一条长出两倍,因此近似平衡结点包含五个属性: color、key、left、right、p [三叉链表] [left 或 right 的 NIL 视为叶结点,其余结点为内部结点]

- 1. 每个结点红色或黑色
- 2. 根结点黑色
- 3. 叶结点 (NIL) 为黑色
- 4. 红结点的子结点为黑色
- 5. 每个结点到所有后代叶结点的简单路径上黑结点数目相同
 - *此数目称为结点的黑高度 [bh],包含叶结点,不包含自身
 - *树的黑高度为根结点黑高度

性质: n 个内部结点的红黑树高度不会超过 $2\log(n+1)$

证明思路: 归纳说明 x 为根的子树至少 $2^{\mathsf{bh}(x)}-1$ 个结点,又由红结点子结点为黑可知树高度不超过黑高度两倍,从而得证。

*由此之前对二分检索树的静态操作在红黑树上时间复杂度 $O(\log n)$,但插入删除可能需要调整颜色 [不过事实上仍可限制在 $O(\log n)$]

旋转

*保持红黑性质的操作,用于插入、删除

y 左孩子 x, 右子树 c, x 左右子树为 ab, 则 y 为中心右旋后 x 顶替 y, 且 x 左子树 a, 右孩子 y, y 左右子树 bc, 左旋则将此操作反向。

```
def LEFT_ROTATE(T, x):
    y = x.right
    x.right = y.left
    if y.left != T.nil:
        y.left.p = x
    y.p = x.p
    if x.p == T.nil:
        T.root = y
    elif x == x.p.left:
        x.p.left = y
    else:
        x.p.right = y
    y.left = x
    x.p = y
```

右旋与左旋类似,复杂度 O(1)

插入

*需要在正常插入后进行调整

正常插入过程与普通二叉搜索树 INSERT 完全相同,且置新结点颜色为红色。但是插入后需要调用 RB_INSERT_FIXUP(因为此时可能出现新结点与父结点均为红):

```
def RB_INSERT_FIXUP(T, z):
  while z.p.color == RED
    if z.p == z.p.p.left:
      y = z.p.p.right
      if y.color == RED:
        z.p.color = BLACK
        y.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        z = z.p.p
      else:
        if z == z.p.right:
          z = z.p
          LEFT_ROTATE(T, z)
        z.p.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        RIGHT_ROTATE(T, z.p.p)
```

```
y = z.p.p.left
if y.color == RED:
    z.p.color = BLACK
    y.color = BLACK
    z.p.p.color = RED
    z = z.p.p
else:
    if z == z.p.left:
        z = z.p
        RIGHT_ROTATE(T, z)
    z.p.color = BLACK
    z.p.p.color = RED
    LEFT_ROTATE(T, z.p.p)
T.root.color = BLACK
```

else:

*通过复杂的分情况讨论验证正确性,由于每层最多 O(1),最终复杂度 $O(\log n)$

删除

- *先调用二分检索树删除,类似并进行替换 [此处需要注意颜色的传递与二分检索树 NIL 与红黑树 T.nil 的区别]
- *只有在真正删除的结点 y 是黑色结点时才需要进行 fixup[由于 y 的颜色可能改变,需要记录原始颜色]

删除黑色结点时,若其为原来的根结点,而红色孩子成为根结点,则违反性质 2; 若 x 与 x.p 均红,违反性质 4; 由于 y 的任何祖先经过 y 的路径上黑结点个数减小 1,违反性质 5 [做法: 先认为占有 y 原来位置的结点 x 有两重黑色,再去掉一层]。由此构造算法:

```
def RB_DELETE_FIXUP(T, x):
  while x != T.root and x.color == BLACK
    if x == x.p.left
      w = x.p.right
      if w.color == RED
        w.color = BLACK
        LEFT_ROTATE(T, x.p)
        w = x.p.right
      if w.left.color == BLACK and w.right.color == BLACK
        w.color = RED
        x = x.p
      else
        if w.right.color == BLACK
          w.left.color = BLACK
          w.color = RED
          RIGHT ROTATE(T, w)
          w = x.p.right
```

```
w.color = x.p.color
      x.p.color = BLACK
      w.right.color = BLACK
      LEFT_ROTATE(T, x.p)
      x = T.root
  else
    w = x.p.left
    if w.color == RED
      w.color = BLACK
      RIGHT_ROTATE(T, x.p)
      w = x.p.left
    if w.right.color == BLACK and w.left.color == BLACK
      w.color = RED
      x = x.p
    else
      if w.left.color == BLACK
        w.right.color = BLACK
        w.color = RED
        LEFT_ROTATE(T, w)
        w = x.p.left
      w.color = x.p.color
      x.p.color = BLACK
      w.left.color = BLACK
      RIGHT_ROTATE(T, x.p)
      x = T.root
x.color = BLACK
```

*类似插入算法,分析可知复杂度 $O(\log n)$

§4.3 动态顺序统计

- *数据结构扩张一般会增加维护成本,而希望维护成本可控
- *例:扩张红黑树为顺序统计树以快速查找

在红黑树中添加域 size, 代表子树中内部结点个数 (含自身), 而空结点大小视为 0 查找第 i 小元素:

```
def OS_SELECT(T, i, x):
    r = x.left.size + 1
    if i == r
        return x
    if i < r
        return OS_SELECT(x.left, i)
    return OS_SELECT(x.right, i - r)</pre>
```

```
def OS_RANK(T, x)
  r = x.left.size + 1
  y = x
  while y != T.root
   if y = y.p.right
     r = r + y.p.left.size + 1
     y = y.p
  return r
```

*插入、删除方式:实际改变的结点递归向上更新 size

一般扩张方式:选择基础数据结构->添加所需域->检验基本修改操作**维护附加信息->**添加新操作*扩张红黑树,若新增域的值只依赖左右孩子,则插入删除可以保证在 $O(\log n)$ 完成思路:每次插入/删除最多向上更新至根

区间树

扩张红黑树使之支持区间构成的动态集合上的操作

*区间用有序实数对表示,均视为闭区间,相交当且仅当 i.high >= j.low and j.high >= i.low,记为 Overlap(i, j)

*每个结点包含一个区间,查找操作为查找任意一个与给定区间相交的区间(或不存在)

排序依据:结点对应的区间 [int] 的左端点

添加域: max, 代表以某结点为根的子树中各区间右端点最大值

区间维护: x.max=max(x.int.high, x.left.max, x.right.max)

```
def INTERVAL_SEARCH(T, i):
    x = T.root
    while x != T.nil and !Overlap(i, x.int)
    if x.left != T.nil and x.left.max >= i.low
        x = x.left
    else
        x = x.right
    return x
```

*证明思路:考虑结点处向左向右都不会错过区间

§4.4 斐波那契堆

可合并堆[最小堆]:包含优先队列操作,并且允许合并两个建立新堆[基本操作建堆、插入、返回最小、删除最小、合并]

斐波那契堆:额外允许减小关键字、删除

- **[真正实用] 二项堆实现可合并堆操作 (斐波那契堆程序设计复杂、常数项大,事实上一般不如二项堆) 斐波那契堆定义: 一系列具有最小堆序的有根树集合,每个结点属性:
 - 1. x.p 指向父结点的指针

- 2. x.child 指向某孩子的指针 [所有孩子连成双向循环列表,称为 child list]
- 3. x.degree 孩子数目
- 4. x.mark 上一次成为另一个结点孩子后是否失去过孩子 [初始为 false]
- *所有的根也组织成环形双向列表 [root list], H.min 指向所有根中最小的, H.n 表示结点数目
- *为进行摊还分析, 定义堆 H 的势函数 $\Phi(H) = t(H) + 2m(H)$, t 为树的数目, m 为被标记结点的数目

建堆直接建空, H.min 为 NIL, 插入结点:

```
def FIB_HEAP_INSERT(H, x):
    x.degree = 0; x.p = x.child = NIL; x.mark = FALSE
    if !H.min:
        create a root list for H containing just x
        H.min = x
    else:
        insert x in H's root list
        if x.key < H.min.key:
            H.min = x
H.n++</pre>
```

*复杂度 O(1), 势函数增加 1

合并

```
def FIB_HEAP_UNION(H1, H2):
    H = MAKE_FIB_HEAP()
    H.min = H1.min
    concatenate the root list of H2 with the root list of H
    if !H1.min or (H2.min and H2.min.key < H1.min.key):
        H.min = H2.min
    H.n = H1.n + H2.n
    return H</pre>
```

*势函数为 H1 与 H2 直接求和,不变

提取最小

```
def FIB_HEAP_EXTRACT_MIN(H):
    z = H.min
    if z != NIL
    for each child x of z:
        add x to the root list of H
        x.p = NIL
    remove z from the root list of H
```

```
if z == z.right:
    H.min = NIL
else:
    H.min = z.right
    CONSOLIDATE(H)
H.n -= 1
return z
```

*最复杂处: CONSOLIDATE,不断将度相同的根结点合并,且维护 H.min CONSOLIDATE 需要先计算出最大度数上界 D(n),此上界为 $\log_{\phi} n, \phi = \frac{\sqrt{5}+1}{2}$ 。 证明思路:记 F_i 为斐波那契数,有 $F_{k+2} = 1 + \sum_{i=0}^k F_i$,而利用此性质可说明度为 k 时结点个数至少 F_{k+2} ,再有斐波那契数列递推式可知结果。

```
def CONSOLIDATE(H):
  D = D(H.n)
  let A[0..D] be a new arrays initialed by NIL
  for w in root list of H:
    x = w; d = x.degree
    while A[d]:
      y = A[d]
      if x.key > y.key: swap(x, y)
      FIB\_HEAP\_LINK(H, y, x)
      A[d] = NIL
      d += 1
    A[d] = x
  H.min = NIL
  for i = 0 to D if A[i]:
    if !H.min:
      create a root list for H containing just A[i]
      H.min = A[i]
    else:
      insert A[i] into rootlist and set H.min if need
```

*FIB_HEAP_LINK 将 y 从根移到 x 的孩子并将标记设为 false

*复杂度分析: 抽取最小结点的实际工作量为 O(D(n)+t(H)), 而摊还后势函数 m(H) 部分不变,t(H) 最多 D(n)+1, 摊还代价 $O(\log n)$

关键字减值

```
def FIB_HEAP_DECREASE_KEY(H, x, k):
  if k > x.key: ERROR
  x.key = k
  y = x.p
  if y and x.key < y.key:</pre>
```

```
CUT(H, x, y)
CASCADING_CUT(H, y)
if x.key < H.min.key
H.min = x</pre>
```

*CUT 为将结点放置到根结点并设置对应属性 (p = NIL, mark = FALSE); CASCADING_CUT 为不断向上寻找,只要结点 mark 为 TRUE 且不是根结点就进行切割,若终止不是在根结点就将 mark 设置为TRUE。

*摊还代价为常数 (因为改变标记会减小势), 而删除结点只需要将关键字减为负无穷再提取最小

**红黑树与斐波那契堆无论最坏还是摊还,至少由一项重要操作时间复杂度 $O(\log n)$,又由于其基于关键字比较决定,根据排序下界可知必然有 $\Omega(\log n)$ 复杂度操作。而若关键字具有性质,如有界整数,则可以利用如 van Emde Boas 树来加快操作,达到 $O(\log\log n)$ 复杂度。

§4.5 分离集合

分离集合定义:将n个元素分成若干个**不相交**的集合,需要能允许查找属于哪个、合并集合。数据结构由一些不交的动态集合组成,每个集合需要一个**代表元**[保证未修改时代表元不变]。

操作:建立包含单元素的集合 [MAKE_SET]、合并 [UNION]、确定在何处 [FIND_SET]。

摊还: 假设建立单元素集合 n 次 [元素个数],总操作 m 次,以下的时间复杂度以此分析。

*作用举例:图的连通分量[思考:输出连通分支]

```
def CONNECTED_COMPONENTS(G):
  for each vertex v in G.V:
    MAKE_SET(v)
  for each edge (u, v) in G.E:
    if FIND_SET(u) != FIND_SET(v):
        UNION(u, v)
```

(判断是否在同一个连通分支只需要确定 FIND_SET 是否相等)

链表实现: 头结点作为代表, 每个元素有指针指向头结点

MAKE_SET 与 FIND_SET 均为 O(1), 只需要创建单结点链表/返回结点对应的头结点

UNION 较为复杂:由于需要更新指向头结点指针,对 n 个元素的集合复杂度为 $\Theta(n)$,考虑若干次 MAKE SET 之后若干次合并,代价为 O(n)

若每次用短合并长,复杂度可控制为 $O(m+n\log n)$ 。

森林实现:根结点作为代表,每个元素仅指向父结点,根节点指向自己

关键:通过按秩合并[对每个结点维护高度上界,使较小秩的根指向较大秩的根]与路径压缩[在查找过程中让路径上的结点父结点直接为根]改进结果

```
def MAKE_SET(x):
    x.p = x; x.rank = 0
def UNION(x, y):
    LINK(FIND_SET(x), FIND_SET(y))
```

```
def LINK(x, y):
    if x.rank > y.rank:
        y.p = x
    else:
        x.p = y
        if x.rank == y.rank
            x.rank += 1

def FIND_SET(x):
    if x != x.p:
        x.p = FIND_SET(x.p)
    return x.p
```

五 图论算法与串匹配

§5.1 图的表示与遍历

图的表示: 邻接矩阵 [顶点作为维度的 01 方阵,相连的有向边为 1]、邻接表 [每个顶点通过链表存储与其相连的顶点]

**邻接表存放顶点序号而不是内容

广度优先搜索 [BFS]

*利用队列,颜色标记是否访问过

```
def BFS(G, s):
  for each vertex u in G.V - {s}
    u.color = WHITE; u.d = INFTY; u.pi = NIL
    s.color = GRAY; s.d = 0; s.pi = NIL
    Q = EMPTYSET
    ENQUEUE(Q, s)
    while Q is not empty
    u = DEQUEUE(Q)
    for each v in G.Adj[u]:
        if v.color == WHITE:
        v.color = GRAY; v.d = u.d + 1; v.pi = u
        ENQUEUE(Q, v)
        u.color = BLACK
```

*复杂度 O(|V| + |E|)

作用: 最短路径 (其中 d 存储的即是 s 到某个结点的最短路径长度) 广度优先树: 每个结点的 pi 属性成为广度优先树中的父结点

深度优先搜索 [DFS]

^{*}注意 FIND SET 中递归两趟法思想的应用

^{**}复杂度分析:最坏运行时间为 $O(m\alpha(n))$,其中 α 增长极慢,因此可以视为对元素个数线性。

*以下的算法是遍历,而广度优先若需要遍历需要在未搜索到的结点中继续寻找源结点

*利用时间戳记录发现与离开结点的时间 u.d 与 u.f

```
def DFS(S):
    for each vertex u in G.V
        u.color = WHITE; u.pi = NIL
    time = 0
    for each vertex u in G.V
        if u.color == WHITE:
            DFS_VISIT(G, u)

def DFS_VISIT(G, u):
    time += 1; u.d = time; u.color = GRAY;
    for each v in G.Adj[u]:
        if v.color == WHITE:
            v.pi = u
            DFS_VISIT(G, v)
        u.color = BLACK; time += 1; u.f = time
```

括号化定理: 每个结点的 d 域与 f 域形成的区间不会互相交叉。

证明:不妨设其中某个结点先被发现,则后发现的结点要么在先发现结点探索完后还未开始,要么包含在 先发现结点遍历完的过程中,从而讨论得证。

*深度优先森林中 v 为 u 的后代当且仅当发现 u 时有从 u 到 v 的白结点路径 (利用过程容易说明)

边分类:

- 1. 树边 深度优先森林中的边
- 2. 后向边 将结点连到祖先结点的边 (包括自环)
- 3. 前向边 将结点连到后代 (非孩子) 结点的边
- 4. 横向边 其他所有边

*考虑结点处理先后可发现,无向图深度优先遍历的过程中只会出现树边与后向边思考:设计算法寻找无向连通图中所有关键结点[去掉就不连通的结点]

拓扑排序

定义: 有向无环图中的一个满足存在边 (u,v) 则有 u 在 v 前的全序关系

算法: DFS 中设置 u.f 之前将 u 压入栈,最后自顶向底输出栈即可。

*利用结点访问结束顺序与拓扑排序顺序相反可以实现,时间复杂度仍为 O(|V| + |E|)

*有向图无环当且仅当深度搜索不产生后向边

强连通分量

定义: 有向图中的一个极大子集 C, 满足其中任何两点互相可到达。

*定义图的转置为邻接矩阵转置对应的图,即顶点不变,边的方向变为反向

^{*}复杂度 O(|V| + |E|)

^{*}每个结点的 pi 属性构成深度优先树森林

算法:对 G 进行 DFS,在离开结点时将结点压入栈。将图变为 G 转置 [并清空上一轮计算结果],按照从栈顶到栈底的顺序,对白色结点进行 DFS,得到的深度优先森林中每一棵树对应一个强连通分量。

- *事实上是以拓扑排序的次序进行访问
- *时间复杂度仍为 O(|V| + |E|)
- **利用合并强连通分量得到的分支图可以证明正确性

§5.2 图论问题

最小生成树

定义: 所有边权值之和最小的生成树。

基本思路:从空集开始不断添加边,直到成为生成树。

性质:最小生成树部分边集合 A 中涉及的顶点记为 S, 其余为 V-S, 取一条最短的连接两部分的边加入, 添加后 A 必然还是最小生成树的部分边。

[此性质为所有算法的基本思路]

算法:

- 1. 破圈法 起初包含所有边,只要有圈,就去掉其最大边,直到不存在圈。
- 2. Kruskal算法 将所有边排序,每次从剩下的中选最小代价的,只要不会产生环路就加入。
- 3. Prim算法 每次选择使入选的边保持为一棵树的最小的边。
- 4. Sollin算法:起初每个树为独立顶点,边集合为空,每步每个顶点集各自选择从其连接到外部的最短的边,连接成新的顶点集。[时间复杂度很大,适合并行]

利用分离集合实现 Kruskal 算法:

```
def Kruskal(G):
    T = EMPTYSET
    for each v in G.V:
        MAKE_SET(v)
    sort edges of G.E by increasing edge weight w
    for each (u,v) in G.E:
        if FIND_SET(u) != FIND_SET(v):
            add (u,v) into T
            Union(u, v)
    return T
```

*边集合可以用二叉堆实现,时间复杂度为 $O(|V| + |E| \log |E|)$,思考: 可不可能为复杂度 $O(|V|^2)$? Prim 算法:

```
def Prim(G, w, r):
  for each u in G.V
    u.key = INFTY; u.pi = NIL
  r.key = 0
  Q = G.V
  while Q != EMPTYSET:
    u = EXTRACT_MIN(Q)
```

```
for each v in G.Adj[u]:
   if v in Q and w(u,v) < v.key:
     v.pi = u
     v.key = w(u,v)</pre>
```

*不断更新当前的最小距离,最终所有的 pi 看作父结点形成的树即为最小生成树

- *时间复杂度为 $O(|E|\log|V|)$,事实上由于 $|E| \in [|V|-1,|V|^2]$,时间复杂度也可看作 $O(|E|\log|E|)$,与 Kruskal 算法量级相同
- **目前最小生成树算法已经能做到 O(|E|) 复杂度

单源最短路径问题

单源最短路径问题:给定带权有向图,求从图中一个特定源点出发到其余各个顶点的最短路径。 单源**简单**最短路径问题:给定带权有向图,求从图中一个特定源点出发到其余各个顶点的简单最短路径。 *对前者,有权值小于 0 回路时无意义,对后者仍然有意义。只有前者满足**最优性原理**。 松弛操作:

```
def Relax(u, v, w):
  if (d[v] > d[u] + w):
  d[v] = d[u] + w
```

*Dijkstra 算法不能对有负边的图使用 Bellman Ford 算法:

```
def Bellman_Ford(G, s)
  for each v in G.V:
    d[v] = INFTY
  d[s] = 0
  for i = 1 to length(G.V)-1:
    for each edge (u,v) in G.E:
        Relax(u, v, w(u,v))
  for each edge (u,v) in G.E
    if(d[v] > d[u] + w(u,v)) return NO_SOLUTION
  return TRUE
```

- *复杂度 O(|V||E|), |V|-1 次松弛保证任何边的影响扩展到了所有路径上
- *优化思路:通过合适的次序减少松弛的趟数
- *对带权有向无环图,按拓扑排序结果,**从源点开始依次对其后各个顶点引出的边做松弛**,则一趟松弛即可完成。

优先队列 Dijkstra:

```
def Dijkstra(G):
  for each v in G.V:
   d[v] = INFTY
d[s] = 0; S = EMPTYSET; Q = V
```

```
while Q != EMPTYSET:
    u = EXTRACT_MIN(Q)
    add u to S
    for each v in G.Adj[u]:
        Relax(u, v, w(u,v))
```

*由于优先队列存储,复杂度 $O(|E|\log |V|)$

思考: 是否对任何权值非负无向连通图,可以通过 Dijkstra 算法选取合适源点得到最小生成树? [答案: 否定,考虑 $w_{ab}=w_{bc}=w_{cd}=2, w_{ac}=w_{bd}=3$ 。]

**给定两点间的最短路径时间复杂度与单源最短路径相同,因为必须找到所有单源最短路径才能断定最短

所有点对间最短路径

无负边: 直接使用 Dijkstra 算法,理论复杂度可达 $O(|V||E|\log |V|)$ 或 $O(|V|^2 \log |V| + |E||V|)$ (取 决于优先队列实现)。

化为矩阵乘法 [运算重载技巧]

** 技巧意义大于实际应用

当前最短路径矩阵 D, 记录每个结点的前驱矩阵 Pi 为 (π_{ij}) , π_{ij} 表示 i 到 j 的最短路径中 j 的前驱结点。

*通过不断 j = Pi[i][j] 可递归找到最短路径

用邻接矩阵 W 表示所有边权,对角为 0,不连接为无穷,递归寻找:

定义 $l_{ij}^{(m)}$ 为 **i** 到 **j** 的途径至多 **m** 条边的最短路径长度,当 **m** 为 **1** 时即为 **W**,由定义发现递推关系 $l_{ij}^{(m)} = \min_k (l_{ik}^{(m-1)} + w_{kj})$,而最终所求的结果即为 $l_{ij}^{(n-1)}$,利用动态规划即可求解。

*直接动态规划复杂度 $O(|V|^2|E|)$ 或 $O(|V|^4)$

优化:将每次的 $L^{(m)}$ 视为矩阵 L,重定义矩阵乘法:

原本乘法 $c_{ij} = \sum_{i=1}^{n} a_{ik}bkj$,将其中乘法重定义为加法,加法重定义为取最小值,则可类似矩阵乘法计算 (核心:由于加法对取最小值可分配,仍然具有**结合律**),由于计算幂可以两两累加,效率能得到提升。 *复杂度可以为 $|V|^3 \log |V|$

Floyd-Warshall 算法

考虑 $l_{ij}^{(m)}$ 为 **i** 到 **j** 的顶点序号最大为 **m** 的最短路径,这时有递推 $l_{ij}^{(m)} = \min\{l_{ij}^{(m-1)}, l_{im}^{(m-1)} + l_{mj}^{(m-1)}\}$,从而仍然利用动态规划只需 $O(|V|^3)$ 。

*Pi 的确定: 若递推中左侧较小则不变,右侧较小则更新成为 $\pi_{mj}^{(m-1)}$

```
def FLOYD_WARSHALL(W):
    n = rows(W)
    D = W
    for k = 1 to n:
        for i = 1 to n, j = 1 to n:
        d[i][j] = min(d[i][j], d[i][k] + d[k][j])
    return D
```

^{*}空间复杂度 $\Theta(|V|^2)$,注意到更新顺序使得不需要新建 D,原地迭代即可

^{*}传递闭包: 用或代替 min, 与代替 +, 01 邻接矩阵, 计算后为传递闭包

稀疏图 Johnson 算法 [权值重定义技巧]

*更新所有边的权值使其均非负,然后对每点利用 Dijkstra

定理: 给每点 x 赋予权值 h(x),边权 w(u,v) 更新为 w'(u,v) = w(u,v) + h(u) - h(v),则更新后最短路径与更新前相同。

证明:由于路径中裂项相消,起点到终点的任何路径改变恒为 h 的差,因此最短不变。

*如何构造 h?

加入新顶点 s,到任何点都连有权为 0 的边,对点 x,将 s 到 x 的最短路径值设为 h(x)。由定义可发现 h(x) 小于等于 0,当不存在负边时一定为 0。

*这样赋予后利用三角不等式 h(v) <= h(u) + w(u,v) 可以证明新权值非负

思考:为何需要加入新顶点 s? [未必存在某点能到达所有其他点]

于是,算法的过程为:加入 s、计算单源最短路径、更新边、计算所有点间最短路径,二叉堆实现复杂度为 $O(|V||E|\log|V|)$,稀疏图时优于 Floyd-Warshall。

§5.3 串匹配算法

串匹配问题: 在文本 [T, text] 串中找到一个或所有模式 [P, pattern] 串

*找所有只需要实现找单个后不断右移

n 代表 T 的长度, m 代表 P 的长度, n 一般远大于 m。 σ, Σ, Σ^* 代表字符集大小、字符集与字符串 [允许为空], C_n 表示比较次数, 一般作为衡量标准。

一些定义: 若 x 存在分解 wy,则称 w 为 x 的前缀,y 为 x 的后缀,记作 $w \sqsubset x, y \sqsupset x$ 。对 P[1..m],记 P_k 代表其前 k 个字符, T_k 同理。

后缀重叠引理: 若 $x \supset z, y \supset z$, 则 $|x| \le |y| \Rightarrow x \supset y, |x| \ge |y| \Rightarrow y \supset x, |x| = |y| \Rightarrow x = y$ 。

- *算法基本原理为**滑动窗口机理**,利用大小等于模式长度的窗口对文本串进行扫描,每次匹配后按需要右 移窗口,直到超出文本右端。
 - 1. 从左到右 Rabin-Karp, KMP
 - 2. 从右到左 Boyer-Moore, Horspool
 - 3. 任意顺序 Brute Force(原始算法)

Brute Force

*每个位置检查,最坏情况 O(mn)

```
def BRUTE_FORCE(T, P):
    i = 0
    while i <= n - m:
    j = 0
    while j < m and P[j+1] == T[i+j+1]: j++
    if j == m: report match at i-j+1
    i++</pre>
```

^{*}如何避免重复计算的发生?[保存部分匹配信息]

KMP 算法

*思想: 当前指针只右移不倒退,遇到不成功匹配后充分利用前一部分信息。 先计算 Next[j+1] = max(k+1,使得 P[1..k] 是 P[1..j] 的后缀)

```
def Next(P):
   j = 0
   for i = 1 to m:
     Next[i] = j
     while j > 0 and P[i] != P[j]:
       j = Next[j]
     j++
*复杂度 O(m)
**书中定义的 pi[i] = Next[i+1] - 1
 def KMP(T, P):
   j = 1
   for i = 1 to n:
     while j < 0 and T[i] != O[j]:
       j = Next[j]
     if j == m: return i - m + 1
     j++
   return None
```

*总复杂度 O(m+n), 当重复多时效果更好 (如二进制文件)

Boyer-Moore 算法

思路:每次自右向左匹配后缀,确定不匹配时最多能移动多少位,移动情况分为 Gs[好后缀] 与 Bc[坏字符] 两种。

Horspool 的简化

*当字符的可能性相对模式长度很大时 [如单词搜索], 坏字符移动效果很好

坏字符移动: P 的某个后缀和 T 某段匹配,更前一位并不匹配时,设此时 T 中对应字符为 D ,找到 P 中从右向左第一次出现 D 的位置,并移动使两个 D 对齐 (若不出现,直接移动过 D 中 D 的位置)。

```
def PRE_BC(P, m, Bc):
    for i = 1 to ASIZE: Bc[i] = m
    for i = 1 to m-1: Bc[P[i]] = m - i

def HORSOPPL(P, T):
    PRE_BC(P, m, Bc)
    i = m
    while i <= n:
        k = 1
        while k <= m and P[m-k+1] == T[i-k+1]:
        k++</pre>
```

```
if k == m: report match at i-m+1
else: i += BC[T[i]]
```

Rabin-Karp 算法

思路:利用哈希函数检测文本与模式中"相似"的部分,并进一步检查匹配。

先写出 ord 函数将字符集对应为 0 到 sigma-1 的数,再构造哈希表,一个长度为 m 的词 w 的哈希函数定义为:

$$\begin{cases} x = \operatorname{ord}(w) \\ \operatorname{hash}(w) = \sum_i x_i d^{m-i} \mod q \\ \operatorname{rehash}(a,b,h) = (h-ad^{m-1})d + b \mod q \end{cases}$$

其中 q 是某个大素数, d 为底数 (一般可以取 2)

```
def KR(P, T):
    y = d ** m-1; Phash = 0; Thash = 0
    for i = 1 to m:
        Phash = (Phash * d + ord(P[i]))
        Thash = (Thash * d + ord(T[i]))
        j = 1
    while j <= n - m + 1:
        if Phash == Thash and memcmp(P, T+j-1, m) == 0:
            report match at j
        Thash = ((Thash - y*ord(T[j])) * d + ord(T[j+m]))
        j++</pre>
```

^{*}最坏情况时间复杂度 O(mn), 平均比较次数在 $\left(\frac{n}{\sigma}, \frac{2n}{\sigma+1}\right)$

^{*}当期望的有效偏移很少时复杂度 O(m+n)