Ονοματεπώνυμο : Αριστείδης Πηλιανίδης

AEM: 8755

Ψηφιακή επεξεργασία εικόνας Άσκηση 3

Demo1:

clust2 clust3 clust4

- 1 1 4
- 1 1 2
- 1 1 4
- 1 1 4
- 1 2 3
- 1 2 3
- 1 2 3
- 1 2 3
- 2 3 1
- 2 3 1
- 2 3 1
- 2 3 1



2.3262 0.0721 0.0225

Demo2:

Για την 1^{η} εικόνα:

K=2:





K=3:







K=4:





Για την 2^{η} εικόνα:

K=2:



K=3:





K=4:



Το συμπέρασμα που βγάζουμε είναι ότι ο Spectral clustering δουλεύει καλυτέρα σε εικόνες που έχουν περιοχές με χρώμα, όσες είναι και οι περιοχές που θέλουμε να χωρίσουμε την εικόνα.

Demo3a:

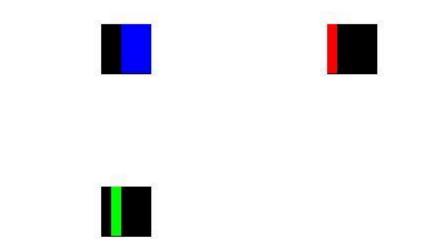
Για την 1^{η} εικόνα:

K=2:

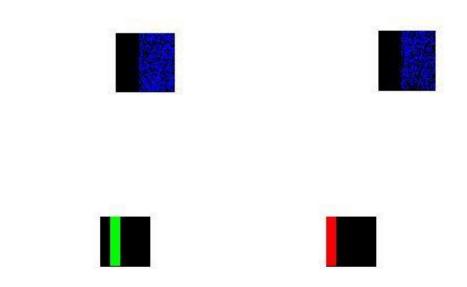




K=3:



K=4:



Για την 2^{η} εικόνα:

K=2:





K=3:





, ie

K=4:









Συμπεράσματα για το demo3a:

- 1) τα αποτελέσματα που παίρνουμε δεν είναι ίδια στους αλγορίθμους Spectral-Ncuts.
- 2) ο Ncuts κάνει καλύτερο clustering γιατί πετυχαίνει μεγαλύτερη συσχέτιση στο εσωτερικό των περιοχών που χωρίζει καθώς και μεγαλύτερη ασυσχέτιστη μεταξύ των διαφορετικών περιοχών.
- 3) Ο Ncuts είναι σε γενικές γραμμές πιο αργός από τον Spectral (λογικό εφόσον μας δίνει και καλύτερα αποτελέσματα) αν και βλέπουμε ότι για κ=4 ο Ncuts είναι περίπου 2 φορές γρηγορότερος (επαληθεύτηκε με πολλές δοκιμές στο matlab).

```
Οι χρόνοι για το spectral:
```

1° πείραμα

time2 time3 time4

3.5995 4.2736 3.2727 (sec)

2° πείραμα

time2 time3 time4

5.0991 6.3784 37.6097 (sec)

Οι χρόνοι για το Ncuts:

1° πείραμα

time2 time3 time4

19.6265 17.9583 16.6629

2° πείραμα

time2 time3 time4

18.1256 20.7634 19.0249

Συμπεράσματα για το demo3b:

Αρχικά να πούμε πως για την αναδρομική μέθοδο για **ένα βήμα** περιμένουμε ίδια αποτελέσματα με την μη-αναδρομική μέθοδο για κ=2 για την όποια τα αποτελέσματα συγκριτικά με τον spectral clustering τα βλέπουμε στα συμπεράσματα για το demo3a ακριβώς πιο πάνω.

Διευκρυνήσεις:

- 1) Το δεύτερο πείραμα που αφορά την εικονα d2b βρισκεται στο demo3b2.
- 2) Το όριο Τ2 παρόλλο που βρήκα τις τιμες nCutValue δεν το χρησιμοποίησα για να σταματήσω την αναδρομή γιατί είναι το ίδιο πράγμα με το όριο Τ1.
- 3) Η λογικη που ακολουθησα είναι η εξης:
 Αρχικα το πρωτο βημα της αναδρομικης διαδικασιας γινεται εκτος αναδρομης, διότι για να δουλεψει η αναδρομή, χρειάζομαι τους πίνακες WA και WB του πατερα, οποτε εφόσον δεν υπάρχει πατέρας στο πρώτο βήμα δεν μπορει να γινει μεσα στην αναδρομη.

Η μεταβλητη count μετραει σε πιο κομβο του δεντρου ειμαστε, ξεκινωντας να μετραμε από αριστερα προς τα δεξιά.

Το οριο Τ1 το θετουμε αρκετα υψηλα ώστε να είναι μεγαλυτερο από τον αριθμο των περιοχων που χωριζεται η πρωτη εικονα με αποτελεσμα να εκτελειται ένα βημα του αλγοριθμου.

Η μεταβλητή sth χρησιμοποιείται στην συνάρτηση myRecNcutsB μόνο, και χρησιμευει ώστε να ελενχουμε κάθε φορα τον πατέρα του κόμβου στον οποίο βρισκόμαστε. Κατά τα αλλα οι myRecNcutsB και myRecNcutsA είναι ίδιες.

Το level είναι μεταβλητή που μας δείχνει σε πιο επιπεδο του δεντρου βρισκόμαστε, ώστε να καλουμε οσες φορες χρειαζεται κάθε φορα τις συναρτησεις myRecNcutsB και myRecNcutsA.

Το c είναι απλα ενας index για τον πινακα filo στον οποιο αποθηκευουμε τους κομβους που εχει γινει τουλαχιστον μια διχοτομηση, οποτε πρεπει να δειξουμε τις εικόνες που προέκυψαν από αυτήν την διχοτόμηση.

Στην συνέχεια, βρίσκουμε ότι χρειαζομαστε και τα αποθηκευουμε σε struct array. Ελενχουμε αν ο αριθμος των κομβων που αντιστοιχουν στα cluster 1 και 2 είναι μεγαλυτερος από το T1 οποτε και απόθηκευουμαι τους affinity πινακες που βρικαμε πιο πανω, διοτι θα μας χρειαστουν. Αν είναι μικροτερος από T1, τοτε για memory efficiency βαζουμε στους αντιστιχους πινακες τον empty πινακα. Τέλος αποθηκεύουμαι στον πινακα filo τα "φυλλα" μας, που είναι οι κόμβοι στους οποίους εχει γινει τουλάχιστον μια διχοτόμηση.

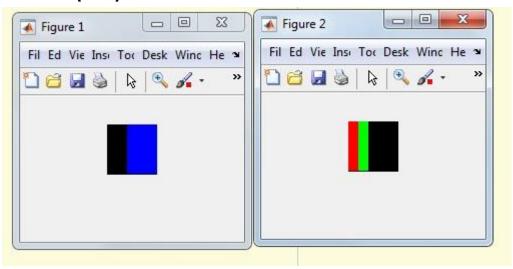
Μέσα στην αναδρομή τώρα, καλούμε όσες φορές πρέπει ανάλογα το level, τις συναρτήσεις myRecNcutsB και myRecNcutsA. Σε αυτές ελένχουμε αν ο πατέρας του κόμβου στον οποίο βρισκόμαστε ηταν ο empty πινακας, οπότε και αυξάνουμε τον teloscounter κατά 1 που μας δειχνει αν είναι ίσος με το (2^level+1), ότι εχει τελειώσει η αναδρομή. Αν δεν ηταν ο empty πινακας σημαινει ότι συνεχιζει η αναδρομη από αυτόν τον κομβο οποτε επαναλαμβανουμε την παραπανω διαδικασία.

Τώρα λόγω error του matlab:

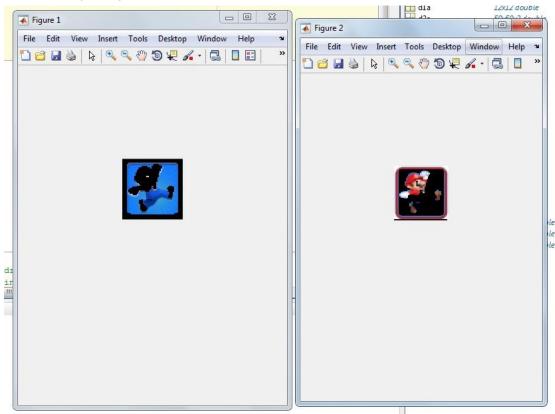


Που δεν ξέρω γιατί προέκυψε , από εδώ και περα οι εικονες παρουσιάζονται μέσω print Screen.

Demo3b(d2a):



Demo3b(d2b):



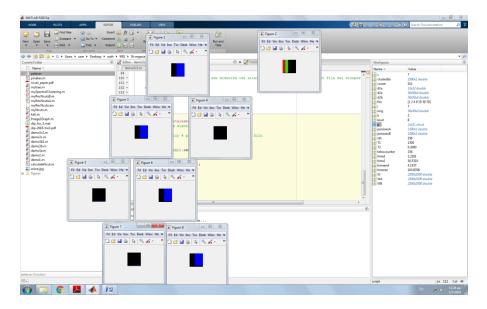
Συνεπώς βλέπουμε ότι όντως έχουμε τα ίδια αποτελέσματα με την μη-αναδρομική διαδικασία για κ=2.

Demo3c:

Διευκρυνήσεις:

- 1) Το δεύτερο πείραμα που αφορά την εικονα d2b βρισκεται στο demo3c2.
- 2) Το όριο Τ2 παρόλλο που βρήκα τις τιμες nCutValue δεν το χρησιμοποίησα για να σταματήσω την αναδρομή γιατί είναι το ίδιο πράγμα με το όριο Τ1.
- 3) Η λογικη είναι ιδια με το demo3b, απλα έχουμε μικρότερο T1(ή T2 αντιστοιχα)

Demo3c(d2a):



Εχω παραλειψει καποια figures γιατι δεν χωρουσαν στην εικονα. Εδώ αν γινει zoom στην εικονα θα παρατηρησουμε ότι κάθε φορα που γινεται διχοτόμηση στην μπλέ εικόνα(γιατι αυτή ικανοποιεί τον περιορισμό για το Τ1) η εικονα χωριζεται σε μια μικρη μπλε λωριδα(εικονα με μαυρο φοντο) και στην υπολοιπη μπλε εικονα.

Demo3c(d2b):

