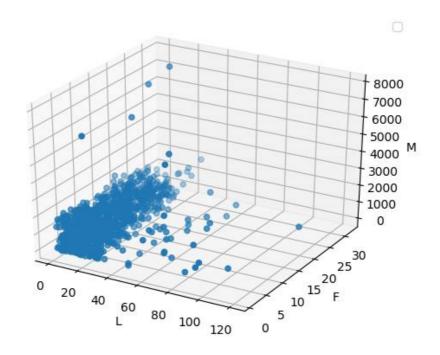
离群点检测

Part I: LOF (density based)

1. 数据处理

- 取出数据的 L、F、M 列,每个数据点定义为(L, F, M)
- 对数据进行 numpy 序列化
- 数据参数

数据量	数据点维度	数据点样	例	
940	3	[27.	6.	232.61]



2. 算法思路

(代码请看 lof.py 文件)

- 定义距离为三维的欧几里得距离
- 求每个点的 k 邻居以及距离:首先求出每一个点 p 和其他所有点的距离,并从小到大排序,并获得下标顺序。而这个下标顺序就是 p 的邻居标号按照距离从小到大排序,去掉下标序列第一个点(p 本身),从第二个点开始,到第 k+1 位置以后距离仍和第 k+1 个点的距离一致的点,就是 p 点的 k 邻居序列,记录这个序列以及对应的距离
- 求每个点的 lrd:上述每个点 p 的 k 邻居距离序列的最后一个值就是点 p 的 k distance, 而距离序列中也记录了 p 到每个 k 邻居点 o 的距离。求解点 p 的 lrd 时,对 p 的每一个 邻居 o,取 o 的 k distance 和 p 与 o 的距离中的最小值作为 p 与 o 的 reach distance, 对 reach distance 求和,用 p 的 k 邻居数量除以 reach distance 之和,就可以得到每个 点 p 的 lrd
- 求每个点的 LOF:由于每个点的 lrd 已经获得了,按照以下公式就可以求出每个点 p 的 LOF 值

$$LOF_k(p) = \frac{\sum_{o \in N_k(p)} lrd_k(o)}{|N_k(p)| \times lrd_k(p)}$$

3. 算法参数分析

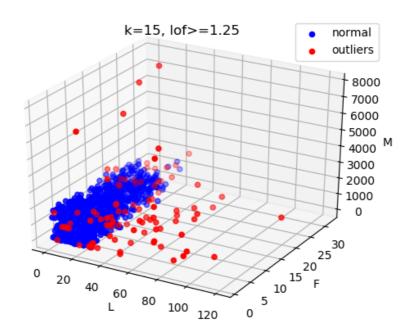
LOF 参数分析

- 计算出 p 点的 LOF 如果接近 1,则说明 p 的密度和 p 的邻域点密度差不多,那么 p 可能和邻域属于同一簇
- 如果 LOF 越小于 1, 说明 p 的密度高于 p 的邻域点的密度, 那么 p 为密集点
- 如果 LOF 越大于 1,则 p 的密度越低于 p 的邻域点的密度,那么 p 越可能为 outlier 这个算法有两个参数 k、threshold
- k是 k 邻居的范围限制,每个点 p 的第 k 远邻居以及其他和第 k 远邻居一样远的点,定义为点 p 的 k 邻居。如果 k 很小,则考虑的邻域范围小,则 LOF 是 p 的密度和一个很小的邻域内点密度的比,这样子可以找出局部的 outlier,对于全局来说,会发现 outlier 零散地出现在大的 cluster 内部,因为它能检测出局部的离群点。如果 k 很大,同理,找到的 outlier 会在大的 cluster 外部。因此 k 的取值要根据数据规模取一个适中的值。
- threshold 是 LOF 划分 outlier 的阈值,由上述对 LOF 数值的分析可得,满足下列公式的 点 p 为 outlier,而这个阈值通常取大于 1 的值。如果这个值取得越大,则 outlier 的数量也就少;阈值越大,则 outlier 数量越多。**threshold 的取值大小要依据 outlier 判定标准来定**。

$$LOF(p) \ge threshold > 1$$

4. 离群点判断

参数设定	k	15	
	threshold	1.25	
outlier 结果	判断依据	$LOF(p) \ge threshold = 1.25$	
	数量	97	
	运行时间	0.0930s	



Part II: DBSCAN (cluster based)

- 1. 数据处理
- 和 LOF 算法的数据处理一样

2. 算法思路

(代码请看 dbscan.py 文件)

- 算法关键:把点划分为核心点(稠密区域内部点)、边界点(稠密区域边界点)、噪声点,根据密度可达原理来进行cluster划分
- 距离同样定义为三维的欧几里得距离
- unvisited 集合用 set 实现
- 把 p'的 eps 邻域的点添加到 N 时,直接数组拼接

```
输入: D: 一个包含n个对象的数据集。\varepsilon: 半径参数。M: 邻域密度阈值。
输出: 基于密度的簇的集合。
1: 标记所有对象为unvisited:
2: while 有标记为unvisited的对象 do
     随机选择一个unvisited对象p;
     标记p即为visited;
4:
     if p的ε-邻域至少有M个对象 then
       创建一个新簇C, 并把p添加到C;
6:
       令N为p的ε-邻域中的对象的集合;
7:
       for N中每个点p' do
8:
          if p'是unvisited then
            标记p'为visited;
10:
            if p'的ε-邻域至少有M 个点 then
11:
               把这些点添加到N;
12:
13:
            end if
            if p'还不是任何簇的成员 then
               把p'添加到C;
15:
            end if
16:
          end if
17.
       end for
18:
19:
       输出C;
20:
     else标记p为噪声;
21:
     end if
22: end while
```

3. 算法参数分析

算法结果分析

• 算法结果为对每个点的 cluster 标记 mark

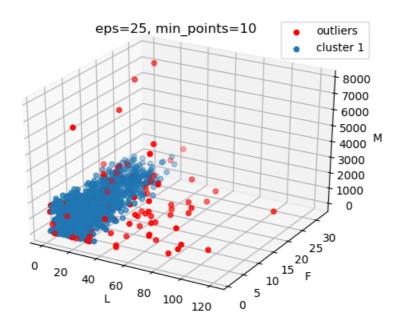
这个算法有两个参数 eps、min_points

eps 限制邻域的半径,若点 p 要成为核心点,则 p 的邻域内至少有 min_points 数量的 点,两个数共同决定了密度可达的能力。若 eps 越大,min_point 越小,则对密度要求 低,outlier 越少;若 eps 越小,min_points 越大,则对密度要求高,outlier 越多。因此 eps 和 min points 都要取适中的值。

• outlier 判断依据分析:该算法最终是把数据划分成若干个 clusters,划分 outlier 时,可以限制 cluster 的大小,若 cluster 的数据量小于某个值,则把整个 cluster 定为 outlier size(cluster;) < threshold, p ∈ outliers ∀p ∈ cluster;

4. 离群点判断

参数设定	eps	25	
	min_points 10		
	min_cluster_size	2	
outlier 结果	判断依据	$size(cluster_i) < min_cluster_size = 2$	
	数量	153	
	运行时间	0.0288s	



Part III: SVDD (classification based)

1. 数据处理

- 首先按照上文的处理方法处理数据
- 分别对数据的每一个维度进行归一化

$$value = \frac{value - mean(value)}{std(value)}$$

2. 算法思路

(代码请看 svdd.py 文件)

• 算法关键:调用 sklearn 的 svm.OneClassSVM,对数据进行拟合,然后预测数据

3. 算法参数分析

算法结果分析

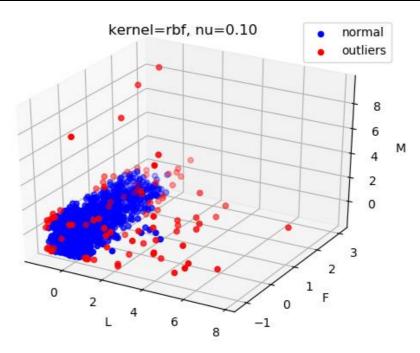
• 算法结果 pred 给每个点标记 1 和-1, 其中标记为 1 的是正常点, 标记为-1 的是 outlier

这个算法有两个参数 kernel、nu

- kernel 是指 kernel 函数,不同的 kernel 函数会有不同的效果,需要针对数据分布来取。 通过下文结果对比可以发现,对于这次数据分布,用 Gaussian kernel 更合适。
- nu 是硬度, nu 越大, 对 outlier 的容忍度越低, outlier 越多, 因此 **nu 要适中**。

4. 离群点判断

参数设定	kernel	'rbf' (Gaussian kernel)	
	nu	0.1	
outlier 结果	判断依据	pred(p) == -1	
	数量	95	
	运行时间	0.0075s	



参数设定	kernel	ʻlinear' (linear kernel)
	nu	0.1
outlier 结果	判断依据	pred(p) == -1
	数量	284
	运行时间	0.0026s

