MT-encoded genes	Effect size estimate	Standard error	P-value	
MT–TL1	0.24	0.04	2.31 x 10 ⁻⁹	
MT-ATP6	0.11	0.02	1.67×10^{-6}	_
MT–ND2	0.12	0.03	1.75 x 10 ⁻⁶	_
MT-TK	0.22	0.04	2.29×10^{-6}	
MT-ND4	0.11	0.02	3.31×10^{-6}	-
MT–ND1	0.12	0.03	8.97×10^{-6}	
MT-ATP8	0.10	0.02	2.99×10^{-5}	
MT-ND3	0.12	0.03	3.19×10^{-5}	
MT-ND6	0.10	0.03	1.76 x 10 ⁻⁴	
MT-CYB	0.10	0.03	2.25×10^{-4}	
MT-RNR1	0.12	0.03	6.41×10^{-4}	
MT–ND5	0.09	0.03	6.47×10^{-4}	
MT-TY	0.14	0.04	7.75×10^{-4}	
MT-TL2	0.16	0.05	8.54×10^{-4}	
MT–TH	0.16	0.05	8.79×10^{-4}	
MT–TS1	0.09	0.03	3.42×10^{-3}	
MT-RNR2	0.09	0.03	3.61×10^{-3}	
MT-TC	0.13	0.04	4×10^{-3}	
MT-TT	0.14	0.05	4.62×10^{-3}	
MT-TI	0.11	0.04	6.44×10^{-3}	
MT-TF	0.12	0.05	8.83×10^{-3}	
MT-CO2	0.07	0.03	8.97×10^{-3}	
MT-TR	0.12	0.05	0.01	
MT– TV	0.10	0.04	0.01	-
MT-TE	0.08	0.04	0.02	
MT–TG	0.10	0.04	0.03	-
MT-CO3	0.06	0.03	0.04	———
MT–TA	0.09	0.05	0.06	-
MT–TN	0.08	0.05	0.06	
MT– T Q	0.09	0.05	0.08	
MT–ND4L	0.04	0.03	0.10	
MT-CO1	0.04	0.02	0.12	
MT–TW	0.07	0.05	0.14	
MT–TM	0.04	0.05	0.35	- •
MT–TD	0.05	0.05	0.37	
MT-TP	0.03	0.05	0.59	