

MT-encoded genes	Effect estimate	Standard error	P-value
<i>MT-TL1</i>	0.24	0.04	2.31e-09
<i>MT-ATP6</i>	0.11	0.02	1.67e-06
<i>MT-ND2</i>	0.12	0.03	1.75e-06
<i>MT-TK</i>	0.22	0.04	2.29e-06
<i>MT-ND4</i>	0.11	0.02	3.31e-06
<i>MT-ND1</i>	0.12	0.03	8.97e-06
<i>MT-ATP8</i>	0.10	0.02	2.99e-05
<i>MT-ND3</i>	0.12	0.03	3.19e-05
<i>MT-ND6</i>	0.10	0.03	1.76e-04
<i>MT-CYB</i>	0.10	0.03	2.25e-04
<i>MT-RNR1</i>	0.12	0.03	6.41e-04
<i>MT-ND5</i>	0.09	0.03	6.47e-04
<i>MT-TY</i>	0.14	0.04	7.75e-04
<i>MT-TL2</i>	0.16	0.05	8.54e-04
<i>MT-TH</i>	0.16	0.05	8.79e-04
<i>MT-TS1</i>	0.09	0.03	0.003
<i>MT-RNR2</i>	0.09	0.03	0.004
<i>MT-TC</i>	0.13	0.04	0.004
<i>MT-TT</i>	0.14	0.05	0.005
<i>MT-TI</i>	0.11	0.04	0.006
<i>MT-TF</i>	0.12	0.05	0.009
<i>MT-CO2</i>	0.07	0.03	0.009
<i>MT-TR</i>	0.12	0.05	0.014
<i>MT-TV</i>	0.10	0.04	0.015
<i>MT-TE</i>	0.08	0.04	0.017
<i>MT-TG</i>	0.10	0.04	0.029
<i>MT-CO3</i>	0.06	0.03	0.037
<i>MT-TA</i>	0.09	0.05	0.06
<i>MT-TN</i>	0.08	0.05	0.06
<i>MT-TQ</i>	0.09	0.05	0.08
<i>MT-ND4L</i>	0.04	0.03	0.10
<i>MT-CO1</i>	0.04	0.02	0.12
<i>MT-TW</i>	0.07	0.05	0.14
<i>MT-TM</i>	0.04	0.05	0.35
<i>MT-TD</i>	0.05	0.05	0.37
<i>MT-TP</i>	0.03	0.05	0.59

