MT-encoded genes	Effect estimate	Standard error	P-value	
MT-TL1	0.24	0.04	2.31e-09	
MT-ATP6	0.11	0.02	1.67e-06	-
MT-ND2	0.12	0.03	1.75e-06	-
MT-TK	0.22	0.04	2.29e-06	
MT-ND4	0.11	0.02	3.31e-06	
MT-ND1	0.12	0.03	8.97e-06	-
MT-ATP8	0.10	0.02	2.99e-05	
MT-ND3	0.12	0.03	3.19e-05	
MT-ND6	0.10	0.03	1.76e-04	-
MT-CYB	0.10	0.03	2.25e-04	
MT-RNR1	0.12	0.03	6.41e-04	
MT-ND5	0.09	0.03	6.47e-04	
MT-TY	0.14	0.04	7.75e-04	
MT-TL2	0.16	0.05	8.54e-04	
MT-TH	0.16	0.05	8.79e-04	
MT-TS1	0.09	0.03	0.003	
MT-RNR2	0.09	0.03	0.004	
MT-TC	0.13	0.04	0.004	
MT-TT	0.14	0.05	0.005	
MT-TI	0.11	0.04	0.006	
MT-TF	0.12	0.05	0.009	
MT-CO2	0.07	0.03	0.009	—
MT-TR	0.12	0.05	0.014	
MT-TV	0.10	0.04	0.015	
MT-TE	0.08	0.04	0.017	_ _
MT-TG	0.10	0.04	0.029	
MT-CO3	0.06	0.03	0.037	_
MT-TA	0.09	0.05	0.06	
MT-TN	0.08	0.05	0.06	
MT-TQ	0.09	0.05	0.08	
MT-ND4L	0.04	0.03	0.10	- -
MT-CO1	0.04	0.02	0.12	-
MT-TW	0.07	0.05	0.14	
MT-TM	0.04	0.05	0.35	
MT-TD	0.05	0.05	0.37	
MT-TP	0.03	0.05	0.59	
				-0.05 0 0.05 0.1 0.15 0.2 0.25 0.3