# Clase funciones

### Armando Ocampo

### **Funciones**

Las funciones son elementos que nos permiten realizar acciones dentro del lenguaje de R. Cada función contiene argumentos, que le permite a la misma ejecutar cada acción. A su vez, un conjunto de funciones se almacena en librerias.

Para conocer los argumentos de cada función se utiliza la función args(). A continuación observaremos los argumentos de la función mean().

```
args(mean)
```

Para obtener la documentación de cada función se utiliza la función help() o el signo de interogación. En este apartado se enecuentra una descripción detallada de cada función, la definición de cada argumento y algunos ejemplos.

```
help(mean)
?mean
```

### Condiciones

### if statment

Antes de comenzar con las funciones, recordaremos algunas condiciones.

```
2 > 5

10 > 2

5 < 4

8 < 20

5 == 4

5 == 2+3

10 >= 10

8 <= 8

TRUE + TRUE

1 == TRUE

FALSE + FALSE

0 == FALSE

TRUE > FALSE
```

La función if() permite realizar una acción si la condición se cumple. Para esto checaremos el esqueleto de if().

```
if(condicion){
  expr
}
```

Dentro de los paréntesis se coloca la condición y dentro de las llaves la acción a realizar. Vamos a determinar si la variable d es negativa.

```
d <- -2
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
}

# De esta forma podemos cambiar el valor de d y utilizar la funcion if
d <- -5
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
}

d <- -10
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
}

# rompiendo la condición
d <- 5
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
}</pre>
```

Cuando d es un numero positivo y no se cumple la condición, la acción no se efectúa. Para agregar dos salidas se agrega else $\{\}$ .

```
d <- 5
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
} else{
    print("d es un numero positivo")
}

d <- -4
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
} else{
    print("d es un numero positivo")
}

d <- 12
if(d < 0){
    print("d es un numero negativo")
} else{
    print("d es un numero negativo")
}</pre>
```

```
# error en la salida
d <- 0
if(d < 0){
   print("d es un numero negativo")
} else{
   print("d es un numero positivo")
}</pre>
```

Este error se presenta debido a que 0 no es un numero positivo. Solo se sigue la idea del código. Obtenemos como resultado "d es un numero positivo" al no cumplir con la condición. No obstante Podemos agregar una segunda condición en la función. Esto mediante else if()

**NOTA:** else if() se escribe separado con espacio.

```
if(d < 0){
  print("d es un numero negativo")
} else if(d == 0){
  print("d es igual a cero")
} else{
  print("d es un numero positivo")
d < -4
if(d < 0){
 print("d es un numero negativo")
} else if(d == 0){
 print("d es igual a cero")
} else{
  print("d es un numero positivo")
}
d \leftarrow 5
if(d < 0){
 print("d es un numero negativo")
} else if(d == 0){
  print("d es igual a cero")
} else{
  print("d es un numero positivo")
d \leftarrow 0
if(d < 0){
  print("d es un numero negativo")
} else if(d == 0){
  print("d es igual a cero")
} else{
  print("d es un numero positivo")
```

### Mis primera funciones

Es probable que ya exista una función para el problema que tengas. No obstante, ¿cómo puedo realizar una función personalizada?. En este aspecto, puedes crear tu propia función, esto a partir de la función function(). Para esto checaremos el esqueleto básico de una función.

```
nombre_funcion <- function(arg1, arg2, argn){
  cuerpo de la funcion
}</pre>
```

El nombre de la función como cualquier objeto de R debe seguir ciertas reglas. No debe ser un número aislado, no debe coincidir con el nombre de una función ya establecida, ni tener espacios.

El número y nombre de cada argumento es libre, siempre y cuando se respeten las reglas de escritura.

La primer función que generaremos se denominará mi primer función y tendra el objetivo de tomar cualquier numero y sumarle 3 unidades.

```
mi_primer_funcion <- function(x){
   x + 3
}
mi_primer_funcion(x = 4)</pre>
```

En esta función, cada vez que le asignamos un valor al argumento x, a este se le sumarán 3 unidades. Por lo que podemos utilizarla con el número que queramos.

```
mi_primer_funcion(5)
mi_primer_funcion(15)
mi_primer_funcion("a")
```

Los argumentos de una función pueden estar definidos o no. En el ejemplo previo x no está definido. Sin embargo, podemos generar argumentos con un valor preestablecido en la función. No obstante, este argumento se puede modificar al utilizar la función. Haremos una segunda funcion con un argumento definido.

```
mi_segunda_funcion <- function(x, y=8){
    x + y + 5
}

# en esta funcion tenemos dos argumentos, "x" y "y". Esta funcion se puede
# utilizar solo asignandole un valor al argumento "x"

mi_segunda_funcion(x = 5)
mi_segunda_funcion(x = 20)

# esto por que el argumento "y" ya tiene un valor definido. Sin embargo,
# podemos modificar el valor del argumento "y", sin modificar el esqueleto
# de la funcion

mi_segunda_funcion(x = 5, y = 30)</pre>
```

En mi\_segunda\_funcion() tenemos un argumento definido, el argumento "y". Y un argumento no definido, el argumento "x"

Dentro de las funciones podemos generar objetos para realizar una acción. Estos objetos no se guardarán en el ambiente, solo pertenecerán al esqueleto de la función. En el siguiente ejemplo generaremos una función con el argumento "x". Dentro de la función se generará un objeto denominado resultado con la suma de x + 4. Por último agregaremos una línea de código con 20+ resultado.

```
mi_tercera_funcion <- function(x){
  resultado <- x + 4
  20 + resultado
}
mi_tercera_funcion(5)</pre>
```

Nota: la salida de una función siempre será el último elemento de la línea de código

Dentro de una función se pueden agregar tantos objetos como sea necesario. No existe un límite.

```
cuarta_funcion <- function(x){
  objeto1 <- x * x
  objeto2 <- x + 5
  objeto3 <- 20 + 8

  objeto1 + objeto2 + objeto3
}

cuarta_funcion(5)</pre>
```

Asismismo, podemos agregar condiciones como if y else dentro de una funcion y definir la acción que se llevará a cabo dependiendo de los elementos utilizados.

En el siguiente ejemplo realizará dos acciones diferentes a partir del valor de x. Si x es un numero negativo lo multiplicará por si mismo, guardará el resultado en la variable resultado y después le sumará 5 unidades al objeto resultado. Si x es un numero positivo solamento lo dividirá entre 2.

```
funcion_condicion <- function(x){
  if(x < 0){
    resultado <- x *x
    resultado + 5
} else{
    resultado <- x / 2
    print(resultado)
}

funcion_condicion(8)
funcion_condicion(-5)</pre>
```

De hecho, se puede realizar una función y condicionar la acción a partir de una variable definida. El siguiente ejemplo obtine el volumen de un prisma rectangular en cm cubicos. No obstante, si nuestras unidades iniciales se encuentran en pulgadas no es necesario convertirlas a cm, ya que nuestra función hace la conversión.

```
vol <- function(largo, ancho, altura, unidad=c("cm", "pg")){
  if(unidad == "cm"){
    area <- largo * ancho * altura
    return(area)
} else{
    area <- largo/2.5 * ancho/2.5 * altura/2.5
    return(area)
}

vol(largo = 10, ancho = 8, altura = 5, unidad = "cm")

vol(largo = 10, ancho = 8, altura = 5, unidad = "pg")</pre>
```

**Nota:** de esta forma puedes realizar funciones para realizar diferentes calculos acorde a edad, genero o zona geografica.

## Funciones, dplyr y ggplot

Dentro de la funcion puedes colocar cualquier línea de código. Y utilizar funciones ya establecidas, como los verbos de dplyr y ggplot.

A continuación, realizaremos una función para filtrar los tipos de iris del df iris.

```
filtrando <- function(x){
  iris %>%
    filter(Species == x)
}

filtrando(x = "setosa")
filtrando(x = "versicolor")
filtrando(x = "virginica")
```

De hecho, el resultado puede ser un gráfico. En este ejemplo realizaremos una función para filtrar los datos por tipo de iris, y posteriormente hacer un gráfico de puntos con información de *Sepal.Length* en el eje equis y Petal.Length en el eje ye. Cada punto tendrá un tamaño de 3 y color rojo

```
funcion_grafico <- function(x){
  iris %>%
    filter(Species == x) %>%
      ggplot(aes(Sepal.Length, Petal.Length)) +
    geom_point(size = 3, color = "red")
}

funcion_grafico(x = "setosa")
funcion_grafico(x = "virginica")
funcion_grafico(x = "versicolor")
```

Y cada elemento del codigo anterior puede ser modificado con un argumento. Por ejemplo, agregaremos un argumento para el color de los puntos.

```
graficando_ando <- function(x,y){
   iris %>%
    filter(Species == x) %>%
      ggplot(aes(Sepal.Length, Petal.Length)) +
   geom_point(size = 3, color = y)
}

graficando_ando(x = "setosa", y = "forestgreen")
graficando_ando(x = "versicolor", y = "salmon")
graficando_ando(x = "virginica", y = "dodgerblue")
```

#### TAREA:

- 1. Realiza una función para calcular el índice de masa corporal
- 2. Automatiza el siguiente código para que el usuario solo mueda modificar el rango de *Petal.Length*, y nombra a esta función como funcion\_tarea()

```
iris %>%
  select(Petal.Length,Petal.Width, Species) %>%
  mutate(condicion = Petal.Length > 3.5 & Petal.Length < 4.8) %>%
  filter(condicion == TRUE) %>%
  arrange(desc(Petal.Width)) %>%
  select(-condicion) %>%
  ggplot(aes(Petal.Length, Petal.Width, color = Species))+
  geom_point()
```

3. La formula de Benedict Harris calcula la tasa metabólica basal. No obstante, la fórmula varia acorde al sexo de la persona.

```
hombres: 66+(13.7 * peso) + (5 * altura) - (6.3 * edad) = kcal/dia
mujeres: 655+(9.6 * peso) + (1.7 * altura) - (14.7 * edad) = kacl/dia
```

Realiza una función para calcular la tasa metabólica basal a partir de la fórmula de Benedict Harris