

Date d'exécution: 07/02/2019

Date: 06/02/2019

Page: 1/4

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAUREL Manon
Elevage : MAUREL Manon

Demandeur : MAUREL Manon 159 Rue Hubert Masquefa

Organisation:

Préleveur: RUCHAUD Elodie (24223) 83600 FREJUS

Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT **Race :** MCO - Maine Coon

Remarques: MRM-00237E/17 MCO

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN: FC19755 Nom: ROYAL GUINESS FAMILY STARS Puce: 643099000312966	MRM-00237E/17 MCO	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL(+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 14/02/2019

Olivier Yvernogeau Technicien PCR

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse. La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.



Date d'exécution: 07/02/2019

Date: 06/02/2019

Page: 2/4

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAUREL Manon
Elevage : MAUREL Manon

Demandeur: MAUREL Manon 159 Rue Hubert Masquefa

Organisation:

Préleveur: RUCHAUD Elodie (24223) 83600 FREJUS

Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT **Race :** MCO - Maine Coon

Remarques: MRM-00237E/17 MCO

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN: FC19755 Nom: ROYAL GUINESS FAMILY STARS Puce: 643099000312966	MRM-00237E/17 MCO	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 14/02/2019

Olivier Yvernogeau Technicien PCR

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse. La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.



Date d'exécution: 07/02/2019

Date: 06/02/2019

Page: 3/4

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAUREL Manon
Elevage : MAUREL Manon

Demandeur: MAUREL Manon 159 Rue Hubert Masquefa

Organisation:

Préleveur: RUCHAUD Elodie (24223) 83600 FREJUS

Date de prélèvement : 30/01/2019 Date de réception : 06/02/2019

Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT Race : MCO - Maine Coon

Remarques: MRM-00237E/17 MCO

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN: FC19755 Nom: ROYAL GUINESS FAMILY STARS Puce: 643099000312966	MRM-00237E/17 MCO	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "T40kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

 $NORMAL\left(+/+\right) : animal\ homozygote\ normal,\ non\ porteur\ de\ la\ mutation$

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 14/02/2019

Olivier Yvernogeau Technicien PCR

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse. La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.



Date d'exécution: 07/02/2019

Date: 06/02/2019

Page: 4/4

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAUREL Manon
Elevage : MAUREL Manon

Demandeur: MAUREL Manon 159 Rue Hubert Masquefa

Organisation:

Préleveur: RUCHAUD Elodie (24223) 83600 FREJUS

Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT **Race :** MCO - Maine Coon

Remarques: MRM-00237E/17 MCO

Génotypage sanguin par ADN

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN: FC19755 Nom: ROYAL GUINESS FAMILY STARS Puce: 643099000312966	MRM-00237E/17 MCO	nonb/nonb

non-b/non-b: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - non-b/b: 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - b/b: 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaîssances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Fait à Loudéac, le 14/02/2019

Olivier Yvernogeau Technicien PCR

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse. La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.