

Classification of Histopathology Images

אהרון לויאשוילי | שי מועלם שנת לימוד תשפ״א סמסטר ב'

ד״ר יונתן רובין

Deep Learning for

Computer Science

תקציר שלבי פיתוח

סביבת עבודה: Jupyter Notebook שפת תכנות: Python 3.8.3

TensorFlow, Keras, Numpy ספריות:

הסבר כללי על הפרויקט

מטרת הפרוייט היא לסווג תמונות של היסטופתולוגיה על ידי שימוש בשיטות למידה עמוקה שנלמדו במהלך הקורס.

המערכת יכולה לסווג תמונות של דגימות רקמות ל-8 קטגוריות שונות עם דיוק של 97%.

סיכום ומסקנות

- כאשר משימת המודל היא לבצע סיווג של תמונות, שיטות כגון Transfer Learning עם Fine Tuning מניבות תוצאות מרשימות. וזה מכיוון שלמודלים מאומנים מראש יש יתרון כי הם אומנו על מחשבים חזקים ועל מגוון תמונות שונות. מה שמאפשר להם להיות מחלצי תכונות (Feature Extractors) מאד יעילים.
- אפשר להגיע לתוצאות גבוהות אם להשתמש
 באופטימייזרים שמותאמים לארכיטקטורה
 ולשלב האימון.
 - סוג הנתונים: תמונות tif.

שלב ראשון אימון שכבות הסיווג: בשלב הזה אנחנו הורדנו את השכבות המסווגות של המודל המאומן מראש מכיוון שהמשקולות מכוונות לצורך סיווג של תמונות שהן שונות מתמונות האימון שלנו. לדוגמא המודלים של VGG התאמנו על תמונות של לדוגמא המודלים של VGG התאמנו על תמונות של ועצמים שכוללות ביניהן תמונות של בעלי חיים ועצמים שונים. בתמונות במאגר הנתונים לא מופיעות תמונות ההיסטופתולוגיה שהפרוייקט שלנו צריך לסווג לכן אין לשכבות העליונות במודל המאומן מראש יכולת לסווג תמונות אלה.

הקפאנו את השכבות התחתונות של המודל כדי לא לשנות את ערכי המשקולות שלהן בזמן האימון של השכבות העליונות.

הוספנו שכבות עליונות שלנו למודל והמשכנו את תהליך האימון כשבפועל בשלב הזה רק המשקולות של השכבות העליונות משתנות. המשקולות של השכבות התחתונות שתפקידן לחלץ את מאפייני התמונה לא משתנים.

שלב שני כוונון עדין של משקולות המודל: בשלב השני שחררנו את השכבות התחתונות והמשכנו לאמן את כל המודל כדי לשפר עוד יותר את אחוזי הדיוק שקיבלנו.

כאן יש חשיבות בבחירת האופטימיזר והגדרותיו מכיוון שהמודל כבר קרוב לאופטימום ויש להתקדם בעדינות.

במודל שלנו בחרנו להשתמש באופטימייזר SGD עם קבוע למידה גבוה יחסית שהביא אותנו לדיוק חיזוי של 97%.

תוצאות של שלבי הפתרון



