

Presentación y trabajo creados por:

Arturo Sirvent Fresneda y Ángel Guevara Ros

Máster Ciencia de Datos (UV)

<u>Índice</u>

- 1. Objetivo.
- 2. Preprocesado de datos.
- 3. Modelo 3 pacientes.
- 4. Modelo 10 pacientes.
- 5. Aproximación alternativa.
- 6. Conclusiones.

01

Objetivo

¿Qué resultado queremos obtener?



Motivación

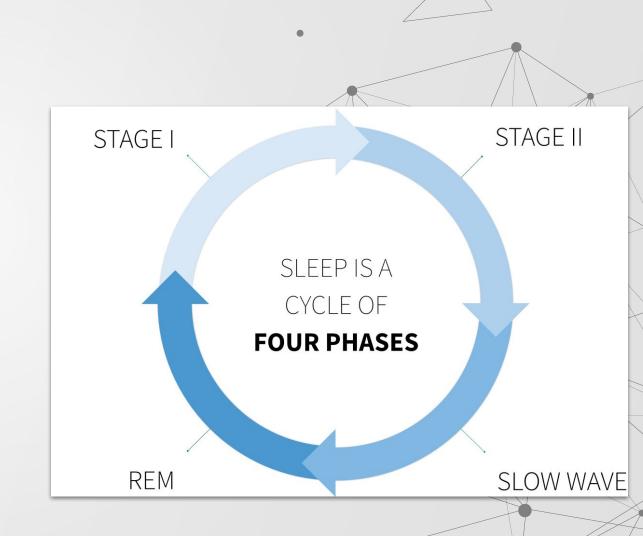
- El análisis de las fases del sueño es una ardua tarea que conlleva una gran cantidad de tiempo.
- Esto puede provocar colas de espera y atrasos en la realización de dicha prueba.
- Por tanto, sería interesante el desarrollo de una herramienta que agilizara este proceso y sirviera de ayuda a los médicos.

¿Qué buscamos?

- El objetivo del trabajo es predecir las fases del sueño en las que se encuentra un paciente a lo largo de una noche.
- Esto lo haremos a través del polisomnograma correspondiente.
- Dispondremos de un total de 10 pacientes con los que poder trabajar. De cada uno tenemos su hipnograma y el etiquetado por parte de dos expertos.

Consideramos 5 fases posibles:

- 1. Despierto.
- 2. Fase N1.
- 3. Fase N2.
- 4. Fase N3.
- 5. Fase REM.



Stages			EEG			EOG	EMG
	Delta	Theta	Alpha	Beta	Other		
	(< 4 Hz)	(4 - 7 Hz)	(8 - 13 Hz)	(> 13 Hz)	EEG patterns		
AWAKE			х	Х		0.5-2 Hz	Variable amplitude but usually higher than during sleep stages
N1		х	X		Vertex waves	Slow eye movement	Lower amplitude than in stage awake
N2		x			K-complexes; Sleep spindles	Usually no eye movement, but slow eye movements may persist	Lower amplitude than in stage awake and may be as low as in stage REM
N3	х				Sleep spindles may persist	Eye movements are not typically seen	Lower amplitude than in stage N2 and sometimes as lower as in stage REM
REM		x	x		Saw tooth waves	Rapid eye movement	Low chin EMG tone; usually the lowest level of entire recording



Procesado

- Nos hemos quedado solo con 3 canales : C3-A2, LOC-A2 y X1.
- Hemos hecho un downsampling de la señal a 100 tomas por segundo.
- Se ha aplicado un filtro de pasa alta de hasta 50 Hz.
- Hemos dividido la señal en ventanas de 30 segundos, que es lo habitual en los softwares de análisis del sueño.
- Se han eliminado las últimas 30 épocas de cada paciente porque no se consideran válidas.
- Además, no hemos utilizado todas las muestras posibles. Hemos eliminado aquellas que tenían alguna anotación en la columna de eventos.

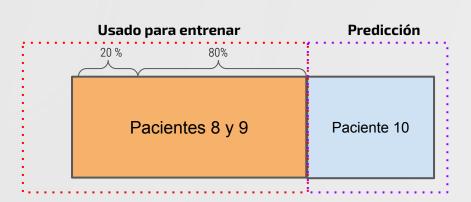


Extracción de características

- Para la búsqueda de variables para el modelo, hemos usado el paquete "yasa" especializado en análisis del sueño.
- Tiene una función que automáticamente nos extrae 149 características de la señal que le pasemos.
- Entre esas características se encuentran por ejemplo las ondas alpha, beta, delta y theta.
- Otra de las funcionalidades del paquete, es la del etiquetado automático del polisomnograma, que es justamente lo que vamos persiguiendo nosotros.

Modelo

- Hemos usado un Random Forest con una aproximación OneVsRest.
- Esto quiere decir, que transformamos el problema multiclase en 5 problemas en los que comparamos 1 de las clases contra el resto.
- Hemos utilizado un 80% de los datos de los pacientes 8 y 9 para entrenar el modelo y un 20% para validarlo.
- Después hemos predicho sobre el paciente 10.

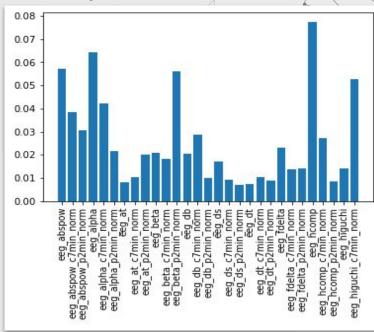




Reducción de características

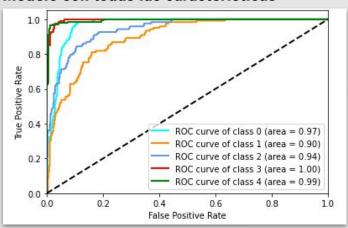
- Una vez que tenemos el modelo entrenado, podemos calcular la importancia que éste le da a cada una de las variables que usa.
- Así, nos hemos quedado solo con las más importantes para el modelo.
- También hemos añadido algunas que tenían sentido clínico pero que para el modelo no eran importantes.
- Finalmente nos quedamos con un total de 52 características (de 149 que teníamos).

Importancia de características

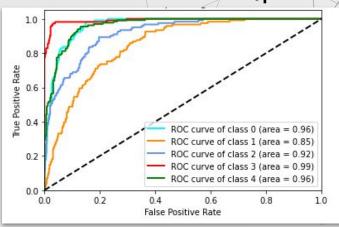


Resultados en test

Modelo con todas las características



Modelo con las características importantes



Después de modificar umbrales

	Accuracy_train	AUC_train	Accuracy_test	AUC_test
Modelo				
RF	0.894231	0.984781	0.741722	0.959263
RF_carac_reducidas	0.881410	0.973186	0.759934	0.936173

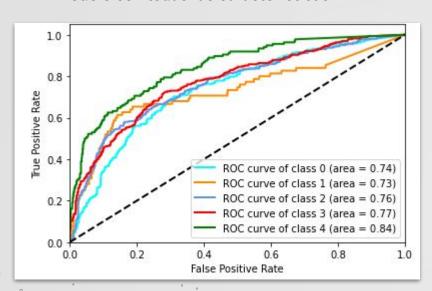
04

Modelo con 10 pacientes

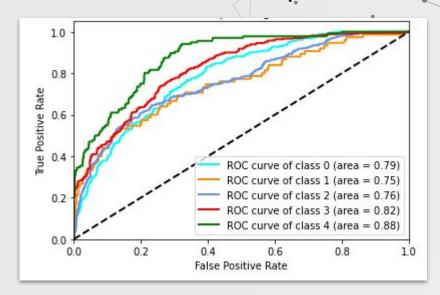
Entrenamos con 8 pacientes y comprobamos con dos. ¿Qué ocurre al generalizar con más pacientes?

Resultados en entrenamiento

Modelo con todas las características



Modelo con las características importantes



Ajuste de umbrales

0

True Class

m

4

11

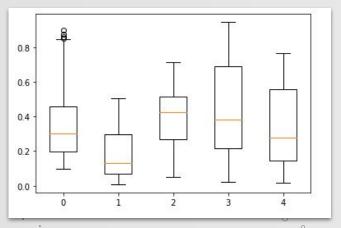
35

49

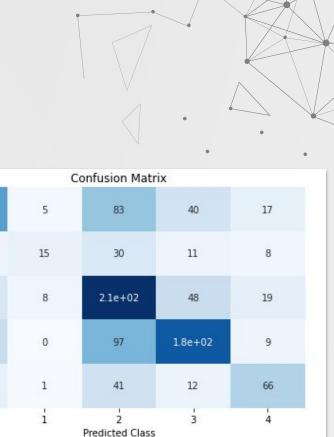
16

0

- Ajustando los umbrales de decisión del modelo es posible mejorar los resultados.
- Sin embargo, esto puede ser complicado cuando las salidas del modelo para cada clase se solapan, ya que no pueden estar muy claros dichos umbrales.



Distribución salidas probabilísticas





Aproximación alternativa

¿Cómo podemos abordar el problema desde otra perspectiva?



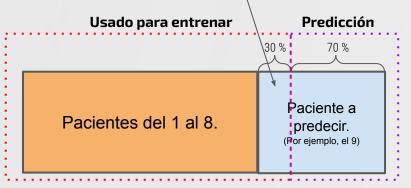
Planteamiento

Problema

 Si entrenamos para un paciente, el modelo sí es capaz de clasificar muy bien sus fases de sueño. El problema viene cuando pasamos de un paciente a otro, pequeñas variaciones hacen la generalización inter-paciente muy complicada.

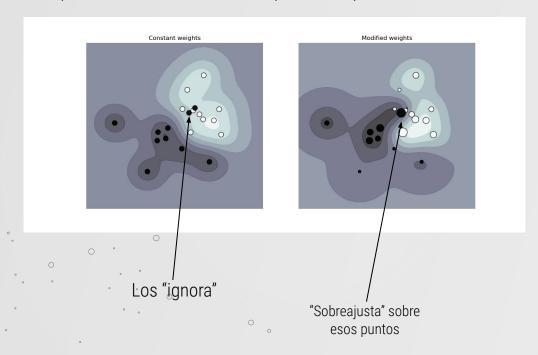
<u>Solución</u>

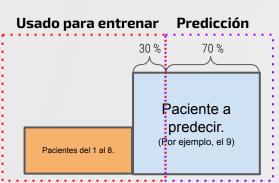
 Vamos a entrenar un modelo que use un conjunto limitado de datos etiquetados del paciente, para hacer fine-tuning sobre el modelo. Este 30% **NO** está etiquetado, por lo que el profesional lo debería etiquetar manualmente. A cambio, el modelo le proporciona el **70%** restante etiquetado con un alto porcentaje de precisión (~92%).



Modelo usado

 Usamos una SVM para clasificar 5 clases, en donde los puntos tendrán diferentes pesos. Con esto conseguimos ese fine-tuning del modelo, con respecto al 30% de los datos del paciente a predecir.



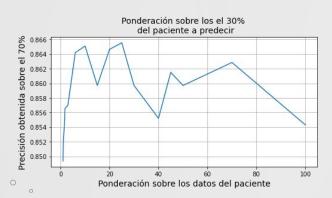


Resultados

¿Por qué usar el 30%?



¿Qué importancia dar al 30% del paciente a predecir?



Resultados

Primera aproximación: ~75% de acierto.

Segunda aproximación: ~87% de acierto.

Con un control más exhaustivo y específico de los umbrales para cada clase, podemos obtener precisiones cercanas al ~92%

06

Conclusiones

¿Qué resultados finales hemos obtenido?



Resultados y observaciones

- Usar un modelo para cada paciente mejora bastante los resultados respecto a lo obtenido con un modelo más general.
- Además, los tiempos de entrenamiento son cortos por lo que es un planteamiento asequible.
- Usando un 20%-30% de los datos etiquetados por el médico, nos bastaría para terminar de predecir el resto de fases.
- No es una solución perfecta al problema, pero nuestra propuesta ayudaría a los médicos a que no tuvieran que hacer a mano el etiquetado entero, ahorrándoles hasta un 70% del tiempo de etiquetado.



Gracias

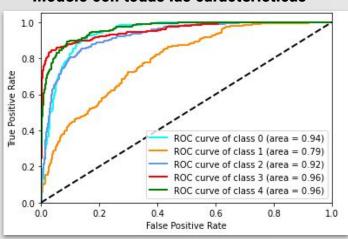
¿Preguntas?

Recursos y bibliografía usada:

- Sirvan Khalighi, Teresa Sousa, Gabriel Pires, Urbano Nunes. Automatic sleep staging: A computer assisted approach for optimal combination of features and polysomnographic channels.
- Sirvan Khalighi, Teresa Sousa, José Moutinho Santos, Urbano Nunes. ISRUC-Sleep: A comprehensive public dataset for sleep researchers.

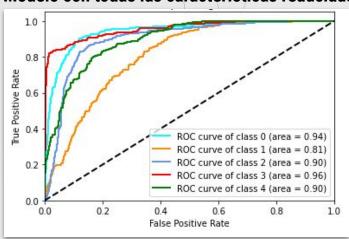
Resultados en test

Modelo con todas las características



- Sorprende que los resultados en test mejoran.
- Seguramente porque éstos sean más claros para el modelo en este caso.

Modelo con todas las características reducidas



	Kappa_kohen_train	AUC_train	Kappa_kohen_test	AUC_test
Modelo				
RF	0.387963	0.767444	0.634378	0.914172
RF_carac_reducidas	0.355220	0.799261	0.558272	0.900522