Zadanie 1.

Dokonując przekształceń ciągów znaków w każdej ze zmiennych zadeklarowanych na *Listing 1.* pozostaw tekst "Jana III Sobieskiego". Wielkość liter ma znaczenie. Do manipulacji użyj wycięć zakresów (*slice*), podmian (*replace*), zmian wielkości liter (*lower*, *upper*, *title*).

Listing 1.

```
a = 'UL. JANA III SOBIESKIEGO 1/2'
b = 'ulica Jana III Sobieskiego 1 apt 2'
c = 'os. Jana III Sobieskiego'
d = 'plac Jana III SobiesKiego 1/2'
e = 'aleja JANA III Sobieskiego'
f = 'alei Jana III Sobieskiego 1/2'
g = 'ul. jana III SOBIESKIEGO 1 m. 2'
h = 'os. Jana Iii Sobieskiego 1 apt 2'
```

Zadanie 2.

Stwórz pustą listę features oraz species. Iteruj po DATA z Listing 2. i dla każdego wiersza za pomocą slice wyodrębnij pomiary oraz nazwę gatunku. Pomiary dodaj do features a nazwę gatunku do species. Na końcu features powinno być listą tupli, a species listą ciągów znaków (str).

Listing 2.

```
DATA = [
    (5.8, 2.7, 5.1, 1.9, (5.1, 3.5, 1.4, 0.2, (5.7, 2.8, 4.1, 1.3,
                              'virginica'),
                              'setosa'),
                              'versicolor'),
                              'virginica'),
     (6.3, 2.9, 5.6, 1.8,
     (6.4, 3.2, 4.5, 1.5,
                              'versicolor'),
                              'setosa'),
     (4.7, 3.2, 1.3, 0.2,
     (7.0, 3.2, 4.7, 1.4,
                              'versicolor'),
                              'virginica'),
     (7.6, 3.0, 6.6, 2.1,
                              'setosa'),
    (4.9, 3.0, 1.4, 0.2,
     (4.6, 3.1, 1.5, 0.2, 'setosa'),
]
```

Zadanie 3.

Na podstawie DATA z Listing 3. wyświetl na ekranie nazwy gatunków zaczynające się na "v".

Listing 3.

```
DATA = [
    ('Sepal length', 'Sepal width', 'Petal length', 'Petal width', 'Species'),
    (5.8, 2.7, 5.1, 1.9, {'species': 'virginica'}),
    (5.1, 3.5, 1.4, 0.2, {'species': 'setosa'}),
    (5.7, 2.8, 4.1, 1.3, {'species': 'versicolor'}),
    (6.3, 2.9, 5.6, 1.8, {'species': 'virginica'}),
    (6.4, 3.2, 4.5, 1.5, {'species': 'versicolor'}),
    (4.7, 3.2, 1.3, 0.2, {'species': 'setosa'}),
    (7.0, 3.2, 4.7, 1.4, {'species': 'versicolor'}),
    (7.6, 3.0, 6.6, 2.1, {'species': 'virginica'}),
    (4.6, 3.1, 1.5, 0.2, {'species': 'setosa'}),
]
```

Zadanie 4.

Iterując po DATA z Listing 4. wygeneruj zbiór unikalnych kluczy słowników. Wynik zapisz do pliku w formacie JSON.

Listing 4.

```
DATA = [
     {'Sepal length': 5.1, 'Sepal width': 3.5, 'Species': 'setosa'},
     {'Petal length': 4.1, 'Petal width': 1.3, 'Species': 'versicolor'},
     {'Sepal length': 6.3, 'Petal width': 1.8, 'Species': 'virginica'},
     {'Petal length': 1.4, 'Petal width': 0.2, 'Species': 'setosa'},
     {'Sepal width': 2.8, 'Petal length': 4.1, 'Species': 'versicolor'},
     {'Sepal width': 2.9, 'Petal width': 1.8, 'Species': 'virginica'},
]
```

Zadanie 5A.

Stwórz klasę *Iris* z polami: *sepal_length*, *sepal_width*, *petal_length*, *petal_width*. Stwórz klasy *Virginica*, *Versicolor*, *Setosa*, które będą dziedziczyły po *Iris*. *Klasy* mają mieć pole species ustawionym odpowiednio do nazwy klasy.

Zadanie 5B.

Napisz metody total() oraz average(), które będą wyliczały odpowiednio sumę lub średnią z wszystkich pomiarów sepal_length, sepal_width, petal_length, petal_width dla danego obiektu.

Zadanie 5C.

Iterując po *DATA* z *Listing 5.* twórz obiekty klasy odpowiedniej dla nazwy gatunku (ostatni rekord każdej z krotek). Obiekt inicjalizuj danymi z pomiarów. Na ekranie wyświetlaj nazwę gatunku oraz sumę i średnią z pomiarów.

Listing 5.

```
DATA = [
     ('Sepal length', 'Sepal width', 'Petal length', 'Petal width', 'Species'),
    (5.8, 2.7, 5.1, 1.9, 'virginica'), (5.1, 3.5, 1.4, 0.2, 'setosa'),
    (5.1, 3.5, 1.4, 0.2,
                             'versicolor'),
    (5.7, 2.8, 4.1, 1.3,
                             'virginica'),
    (6.3, 2.9, 5.6, 1.8,
                             'versicolor'),
    (6.4, 3.2, 4.5, 1.5,
                             'setosa'),
     (4.7, 3.2, 1.3, 0.2,
     (7.0, 3.2, 4.7, 1.4,
                             'versicolor'),
                             'virginica'),
     (7.6, 3.0, 6.6, 2.1,
    (4.9, 3.0, 1.4, 0.2, 'setosa'),
(4.6, 3.1, 1.5, 0.2, 'setosa'),
                             'setosa'),
]
```

Zadanie 6A.

Wykorzystując numpy dla ziarna losowości równego 0 wygeneruj macierz o nazwie A, 50x50 losowych liczb całkowitych z zakresu od 0 do 1024 włącznie. Stwórz macierz B, która będzie zawierała liczby z macierzy A będące potęgami dwójki. Pozostaw tylko i wyłącznie unikalne wartości. Uporządkuj macierz B w kolejności malejącej (od największej do najmniejszej).

Zadanie 6B.

Wczytaj macierz A za pomocą pandas i:

- A) podmień wartości większe lub równe 10 na NaN,
- B) usuń wiersz, jeżeli wszystkie wartości będą zawierały NaN (rezultat: DataFrame 17x50),
- C) Wypełnij wszystkie NaN w wynikowym DataFrame zerami,
- D) Wylicz podstawowe statystyki opisowe dla danych.

Zadanie 7.

Za pomocą beautifulsoup4 ze strony https://github.com/AstroMatt/book-python/blob/master/numerical-analysis/data/iris-dirty.csv pobierz zbiór Irysów. Parsując kod HTML oczyść dane tak, aby nadawały się do obróbki w pandas. Następnie skasuj pierwszy wiersz, nazwij kolumny: Sepal length, Sepal width, Petal length, Petal width, Species i wylicz statystyki opisowe dla DataFrame powstałego po odfiltrowaniu wyników posiadających Sepal length mniejsze od 6 cm.