



Evaluación de software existente para renovar el portal de CRBio

“CRBio 2,0: Renovación del portal de datos del sistema costarricense de información sobre Biodiversidad (CRBio) para brindar más y mejores servicios que apoyen la investigación científica, la educación y el desarrollo sostenible del país”

Elaborado por: Ing. Arturo Vargas González
Unidad de Desarrollos Informáticos, INBio

última modificación: 20/01/2015

En el marco del proyecto CRBIO 2: Renovación del portal de datos del Sistema Costarricense de Información sobre Biodiversidad (CRBio) para brindar más y mejores servicios que apoyen la investigación científica, la educación y el desarrollo sostenible del país. Se requiere seleccionar el software que se utilizará de base para la construcción del portal.

Consideraciones

- Para el software NPT se consideró la versión modificada por INBio
- En el caso de GBIF se toma en cuenta los repositorios de github que son la base de la infraestructura actual.

	Gbif France	Canadensys	ALA	NPT	GBIF	NBIC
Software libre	sí	sí	sí	sí	sí	
Funcionalidad indicada en la propuesta: especies, especímenes, imágenes, literatura	Media	Baja	Alta	Media	Media	
Facilidad para extender	Baja	Baja	Alta	Media	Media	
• Uso de estándares internacionales	sí	sí	sí	sí	sí	
Disponibilidad y acceso al código fuente	github	Google code	github	github	github	
calidad de la documentación y comunidad activa	Baja	Baja	Alta	Baja	Media	
Rendimiento para el volumen de datos esperado	Alto	Media	Alto	Bajo	Alto	
Facilidad técnica de instalación	Desconocido	Desconocido	Alta	Media	Baja	

Notas

Gbif France

- Software libre: se menciona en <https://www.youtube.com/watch?v=U5jQzqERgeg> que su código es abierto
- Disponibilidad y acceso al código fuente: repositorio en github
- Última actualización del código fuente: diciembre 2012
- Rendimiento para volumen de datos: el sistema corre con cerca de 16 millones de registros de especímenes

Canadensys

- Disponibilidad y acceso al código fuente: repositorio en google code <https://code.google.com/p/canadensys/source/checkout>
- Última actualización del código fuente: diciembre 2013
- Rendimiento para volumen de datos: el sistema corre con poca más de 2.6 millones de registros de especímenes
- Calidad de la documentación: muchas de las páginas del wiki no se encuentran o están vacías

Ala

- Software libre: licencia Apache versión 2.0
- Disponibilidad y acceso al código fuente: repositorio en github
- Última actualización del código fuente: enero 2015
- Rendimiento para volumen de datos: el sistema corre con más de 50 millones de especímenes
- Facilidad para extender: se considera alta debido a el conocimiento que se tiene de las herramientas, a que los módulos ya desarrollados constituyen una referencia para nuevos desarrollos y debido a la documentación técnica disponible.

Gbif portal

- Software libre: licencia Apache versión 2.0
- Disponibilidad y acceso al código fuente: repositorio en github
- Última actualización del código fuente: enero 2015
- Rendimiento para volumen de datos: el sistema corre con todos los datos de gbif
- Calidad de la documentación: la documentación de usuario y del api es buena, la documentación técnica para extender la herramienta es casi nula.

Conclusión

Tras la revisión de distintas herramientas se considera que, debido a la experiencia y capacidad técnica del equipo de trabajo, el software de ALA es la mejor opción para ser usado de base para el nuevo portal de CRBio.

Es importante mencionar que los resultados de esta evaluación están estrechamente ligados a las capacidades técnicas del equipo evaluador. Un equipo de trabajo con un conjunto de capacidades técnica distintas, ante los mismos paquetes de software, podría llegar a otras conclusiones.