

Techniques de régression et de scoring

Nom	Date	Sujet
Duval Axel	09/01/2022	fish

Choix des outils

Pour réaliser ce travail, j'ai choisi d'utiliser **python** pour diverses raisons:

- je ne suis pas un grand fan du langage R
- python est un langage de script également très utilisé dans la datascience
- j'ai l'habitude d'utiliser **python** et ses librairies de visualisation

Afin de profiter des avantages de ce language, j'utilise des librairies compatibles très connues comme:

- matplotlib pour la visualisation
- pandas pour manipuler les données
- seaborn pour de la visualisation orientée statistiques
- sklearn pour effectuer la régression logistique

Lecture du fichier

La première étape est de lire le fichier fourni. Cette lecture se fait simplement en utilisant la librairie pandas.

```
with open('./fish.csv', newline='') as file:
    dataset = pd.read_csv(file, delimiter=';')
```

Exploration des données

Une fois les données chargées dans un *dataset*, nous pouvons explorer les données pour voir à quoi elles ressemblent.

Dimension du dataset

```
print(dataset.shape)
(111, 4)
```

Nous avons donc un échantillon de données de 111 poissons et nous observons 4 différents critères.

Les premières entrées

On peut supposer que le poids est en gramme, et les mesures en centimètres.

Les critères

```
print(dataset.keys())

Index(['Species', 'Weight', 'Height', 'Width'], dtype='object')
```

Typage et taille des données

```
print(dataset.info())

Data columns (total 4 columns):

RangeIndex: 111 entries, 0 to 110

# Column Non-Null Count Dtype
-------
0 Species 111 non-null int64
1 Weight 111 non-null float64
2 Height 111 non-null float64
3 Width 111 non-null float64
dtypes: float64(3), int64(1)
memory usage: 3.6 KB
```

Nous n'avons pas de données nulles ce qui est une bonne chose, le nettoyage de ces données ne devrait pas être trop long.

Quelques mesures statistiques

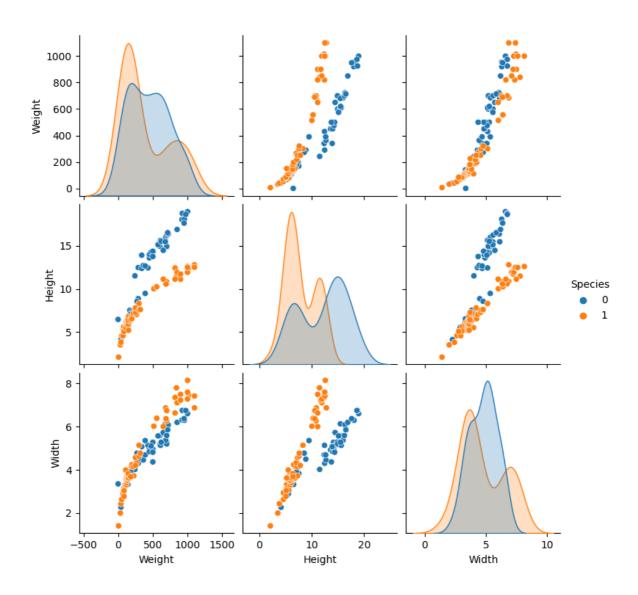
mean	0.504505	415.048649	9.960117	4.764721
std	0.502247	318.618193	4.297672	1.476698
min	0.000000	0.000000	2.112000	1.408000
25%	0.000000	137.500000	6.191850	3.624000
50%	1.000000	300.000000	8.876800	4.566200
75%	1.000000	687.500000	13.680800	6.010500
max	1.000000	1100.000000	18.957000	8.142000

On voit qu'il y a sans doute une erreur concernant un ou plusieurs poissons car le poids minimum est de 0g. Pour nous en assurer nous pouvons visualiser ces données.

Visualisation des données

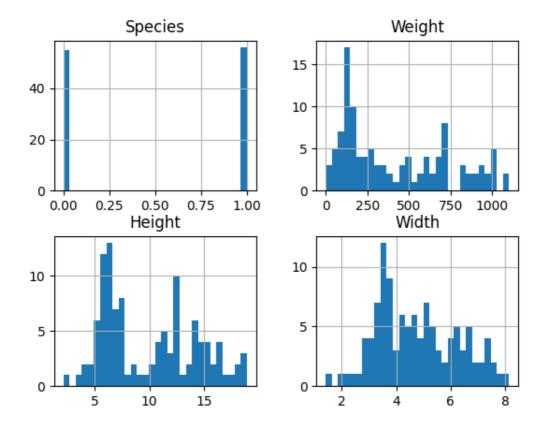
J'ai utilisé la fonction pairplot de eaborn pour obtenir cette figure qui permet de se rendre compte de la relation et la distribution de nos données.

```
sns.pairplot(dataset, hue='Species')
```



Regardons d'un peu plus près nos critères à l'aide d'un histogramme tracé grâce à matplotlib.

```
dataset.hist()
plt.show()
```



On oberve qu'il y a environ 50% de poisson appartenant à l'espèce 1 et le reste à l'espèce 2.

Grâce à ces figures on voit que la longueur semble bien distribuée entre tous les poissons en suivant une sorte de courbe de loi normale. Cependant, on observe pour la hauteur du poisson deux différents pics, comme si l'on avait deux lois normales centrées différement.

Nettoyage des données

Nous avons vu qu'il y avait, pour certains poissons, un poids égal à 0 grammes. Pour ne pas fausser nos résultats et entrainer notre futur modèle correctement il faut remplacer ce 0 par la moyenne ou la médianne de la série. J'ai choisi d'utiliser la moyenne.

Je modifie donc le dataset en conséquence

```
weight_mean = dataset['Weight'].mean()
dataset['Weight'] = dataset['Weight'].replace(to_replace=0, value=weight_mean)
```

Modèle de régression

Décomposition du *dataset* Pour effectuer la régression il nous faut décomposer le *dataset* en 2 vecteurs, X et y.

```
X = dataset.drop('Species', axis=1)
y = dataset['Species']
```

Le vecteur X contient uniquement les attributs des poissons ($dim\ 111x3$). Tandis que le vecteur y contient uniquement l'espèce ($dim\ 111x1$).

Découpage des vecteurs Il faut ensuite découper nos vecteurs en 2 parties:

- une pour entrainer le modèle
- une pour tester la validité du modèle.

Pour faire celà j'utilise la fonction train_test_split de sklearn.

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.2, random_sta
```

J'ai choisi de prendre 80% des données pour entrainer le modèle. Le random_state aussi appelé seed permet de reproduire le caractère aléatoire de la séparation du dataset, je l'ai fixé à 555 mais nous verrons ensuite qu'il est possible de le changer.

Choix du modèle Nous pouvons à présent instancier notre modèle de régression. J'utilise encore une fois sklearn et plus partculièrement leur modèle de régression logistique qui permet de faire de la *Binary Classification*.

```
lr = LogisticRegression(penalty='l2', tol=0.0000001)
```

J'ai choisi d'utiliser la ridge Regression('12') pour la pénalité car les variables sont très corrélées (voir figures précédentes). J'ai choisi une très faible tolérance de 10e-6 car je n'ai pas beaucoup de données.

Entraînement

```
lr.fit(X_train, y_train)
```

Cet entrainement aussi appelé le fit est très rapide car nous avons un très petit jeu de données.

Prédiction Il est temps à présent de voir si notre modèle est bien paramétré et s'il est performant. Il va devoir prédire, à l'aide du jeu de données de test, l'espèce de ces poissons.

Le tableau ci-dessus représente la prédiction de l'espèce des poissons du jeu de donnée de test.

Performance du modèle

Notre modèle à su prédire l'espèce des poissons mais il s'est peut être parfois trompé. C'est pour celà que nous devons confronter notre modèle à la réalité. Pour celà j'utilise les fonctions classification_report et confusion_matrix de sklearn.

print(classification_report(y_test, prediction))

	precision	recall	f1-score	support
0	1.00	0.93	0.96	14
1	0.90	1.00	0.95	9
accuracy			0.96	23
macro avg	0.95	0.96	0.96	23
weighted avg	0.96	0.96	0.96	23

On voit que notre modèle est très précis (accuracy = 96%). Il arrive parfaitement à détecter les poissons de l'espèce 0 et se débrouille également très bien avec ceux de l'espèce 1. Le recall et également très bon pour les deux espèces. C'est peut être un coup de chance, il est possible que les données de test soient favorables ou que notre modèle ait fait du sur-apprentissage. Pour s'en assurer il faudrait entrainer et tester diverses parties de notre *dataset* et c'est ce que nous allons faire ensuite.

```
print(confusion_matrix(y_test, prediction))
[[13  1]
  [ 0  9]]
```

On observe que les 13 poissons qui ont été classé dans l'espèce 0 sont bien classés. Les 9 poissons classé dans l'espèce 1 sont eux aussi bien classés. En fait il y a eu un seul poisson qui a été mal classé. Le modèle à prédit qu'il faisait parti de l'espèce 0 alors qu'il est en réalité de l'espèce 1.

Reproductibilité Nous avons très peu de données dans notre *dataset* et encore moins dans notre jeu de test, c'est pourquoi le modèle à peu être sur-appris. Je vais donc instantier 100 modèles différents avec des jeux de tests différents pour voir si le modèle se débrouille toujours aussi bien.

```
lr = LogisticRegression(penalty='l2', tol=0.0000001)
p = []
for i in range(100):
    X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.2, random lr.fit(X_train, y_train)
    prediction = lr.predict(X_test)
    p.append(classification_report(y_test, prediction,output_dict=True)["accuracy"]
print(statistics.mean(p))
0.851304347826087
```

La précision moyenne sur les 100 modèles est de 85%. C'est un très bon score et on se rends compte que le random_state=555 était, en effet, un cas particulier.

Conclusion

Lors de ce TP, j'ai pu prédire l'espèce de nouveaux poissons en fonction de leur taille et de leur poids grâce à un modèle de régression logistique. Nous avons vu que le fait d'avoir un faible jeu de données fait varier la perfomance de notre modèle. Il aurait fallu avoir plus de données pour avoir une précision plus stable.

Lien github