

Laboratorio 6: Usando Docker en Bioinformática

INFORME DE LA PRÁCTICA

1 EXPLORANDO LAS POSIBILIDADES DE DOCKER

Esta parte me ha parecido muy interesante e ilustrativa. El manual de la práctica ha sido de gran ayuda y guía para ir explorando las distintas opciones que nos ofrece trabajar con Docker, y el manejo de las imágenes y los contenedores.

2 CREANDO IMÁGENES INTERACTIVAMENTE CON DOCKER (Y DOCKERFILE)

Esta parte me resultó un poco más complicada por los directorios locales y de la imagen docker. Quizás me hubiese gustado profundizar un poco más en la construcción de imágenes Docker en clase porque sin duda me parece una herramienta muy útil.

En la creación del Dockerfile, me ha costado entender que tenía que crear primero un directorio, que posteriormente sería el que daría nombre a la imagen creada, y dentro de éste tener el documento llamado Dockerfile. También he encontrado dificultad en ejecutar los dos notebooks sin tener que recurrir a un bash script dónde he incluido la sintaxis para ejecutar los notebooks con el interprete ipython, y desde el dockerfile he incluido la ejecución por defecto de dicho script.

Al principio, había usado el argumento CMD:

```
CMD ["ipython", "kmer-solution.ipynb", "pi-solution.ipynb"]
```

Pero me he dado cuenta de que sólo ejecutaba el primer notebook.

Al final, me he quedado con ganas de aprender más sobre la creación de imágenes y archivos Dockerfile.