Mavzu: Nuklein kislotalarning tuzilishini aniqlash uslublari

•Ma'ruzachi: Kimyo fanlari doktori, dots. L.S.Kamolov



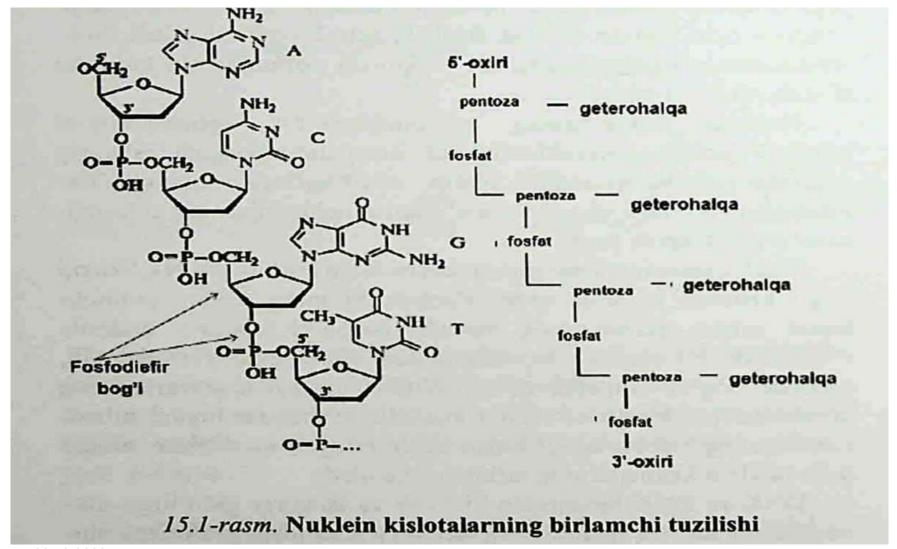
Reja:

- 1.RNK va DNK larning tuzilishi.
- 2. Nukleotid tarkibi va chekka guruxlar analizi.
- 3. Nukleotidlar ketma-ketligini aniqlash usullari.
- 4.Eritmada va qattiq fazada oligo- va polinukleotidlarni sintez qilish usullari.

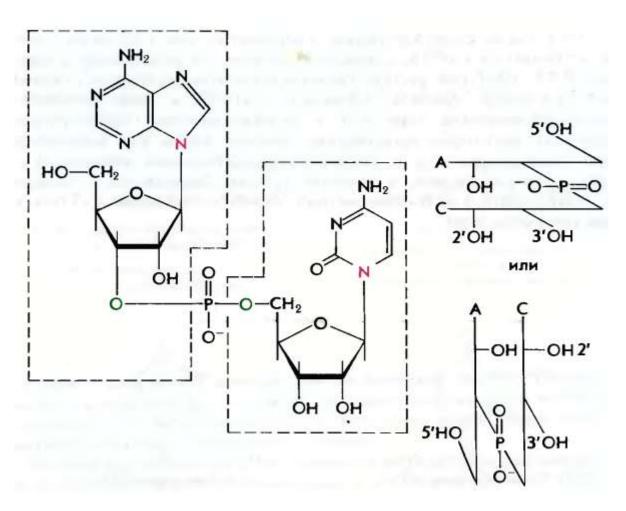
RNK va DNK larning birlamchi tuzilishi

Nuklein kislotalar yuqori molekular murakkab tuzilishli moddalardir. Nuklein kislotalarning birlamchi tuzilishi deb nukleotidli tarkibi va nukleotidlarning ketma-ketligiga aytiladi. Nukleotidlamining tabiati va ulaming soni nuklein kislotalarning nukleotidli tarkibi deyiladi. Nuklein kislotalaming ketma-ketligi nukleotidlar bir-biri bilan qanday tartibda bog'langanligini bildiradi. Nuklein kislotalami - polinukleotidlami mononukleotidlargacha, ulami esa asoslar, uglevod va fosfat qoldiqlarigacha parchalash mumkin. Polinukleotid zanjirda nukleotidlar bir-biri bilan fosfat guruhi orqali fosfodiefir bog⁴lari bilan bog'lanadi. Fosfat kislota qoldig'i oldin- gi nukleotid pentozasining C-3' atomi bilan, keyingisining C-5* atomi bilan bog⁴lanadi. Asosiy zanjir birin-ketin kelgan pentoza va fosfat guruhlaridan iborat bo⁴lib, geterohalqali asoslari asosiy zan- jirga nisbatan yonaki guruh bo⁴lib joylashadi. Polinukleotid zanji- ming bir uchi 5'-oxiri deyilsa. ikkinchi uchi 3'- oxiri deyiladi. Nukleotidlaming bunday ketma-ket joylanishi polinukleotid tarkibini ifodalaydi

DNK ning kimyoviy gidrolizini oʻtkazish juda murakkab jaray- on, shuning uchun, DNK gidrolizi nukleaza fermenti ta'sirida fer mentativ gidroliz koʻrinishida olib boriladi



Oligonukleotidlarning tuzilishi



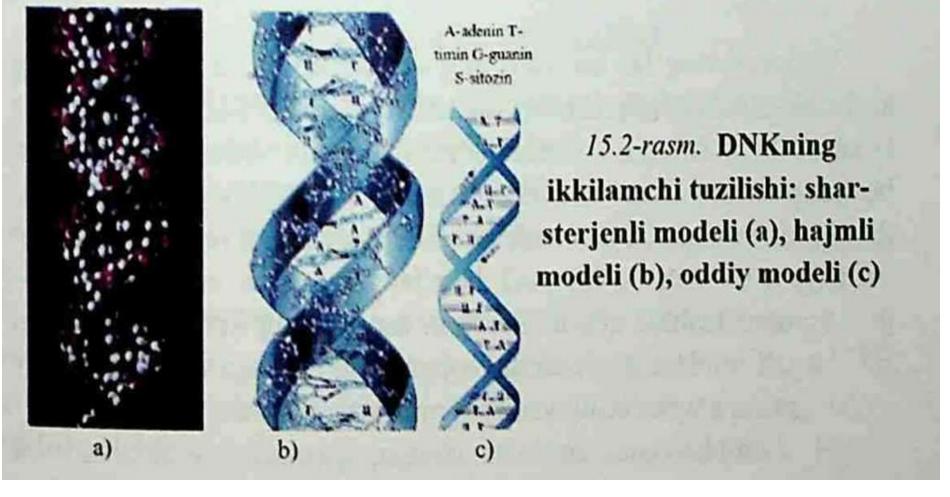
Аденилил- $(3' \rightarrow 5')$ -цитидин (ApC)

Oligonukleotidlarning tuzilishi

Аденилил - $(3 \rightarrow 5')$ – уридил - $(3 \rightarrow 5')$ – гуанилил - $(3 \rightarrow 5')$ – цитидин (ApUpGpC)

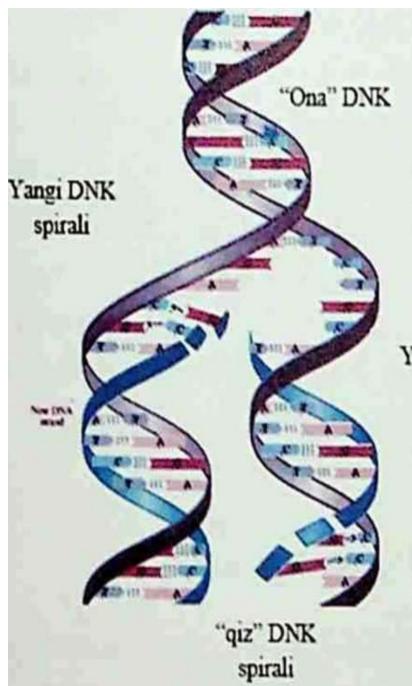
DNKning ikkilamchi tuzilishi

DNK ikkilamchi tuzilishi deb polinukleotid zanjiming fazoviy joylashishiga aytiladi. 1953-yilda Dj.Uotson va F.Kriklaming tax- mini bo'yicha DNKning ko'pchilik molekulalari uchun ikkilamchi tuzilishi qoʻsh spiral shaklida hosil bo'ladi. Bu modelga koʻra DNK molekulasi birgalikda o^kng tarafga buralib, diametri 1,8-2,0 nm bo'lgan qo'sh spiral hosil qiluvchi ikkita polinukleotid zanjirlardan iboratdir.



DNK replikatsiyasi

Oʻsimliklar, hayvonlar va bakteriyalar hujayrasidagi DNKning vazifasi - genetik axborotni saqlashdan iborat. Hujayralar bo'lin- gan sari, genetik axborotni yangi hujayralarga oHkazib beradi- gan, DNKning nusxalari hosil boʻla boshlaydi. Replikatsiyada DNKning boshlang'ich "onta" zanjiri bo'linib ikkita yangi zan- jimi hosil qiladi, shu bilan DNK ning komplementar zanjirlari hosil bo'ladi. Jarayon xelikaza fermenti ta'sirida qo'sh spiralning bir qismida komplementar asoslami bogʻlab turuvchi vodorod bogʻlair uzilib, zanjimi yechilishidan boshlanadi. Hosil bo'lgan alohida zanjirlar (na'muna) DNKning yangi komplementar zanjir- larining sintezi uchun shablon bo'lib xizmat qiladi (15.3-rasm). DNK polimeraza fermenti ta'sirida nukleotidlar o'rtasida fosfo- diefir bog'lar hosil bo'ladi va komplementar juftlar shakllanadi Natijada, boshlang'ich DNKning qo'sh spiralidan nusxa olinadi. DNKning har bir yangi molekulasidagi zanjirlarinig bittasi avval- gi molekulaning nusxasi, ikkinchisi esa yangi sintezlangan zanjir bo'ladi. Bu jarayon ikkita yangi DNK hosil bo'lishiga olib keladi. Ular shartli ravishda "qiz" DNKlar deyilib, bir birining tuzilishini qaytaradi va "ona" DNKning aniq nusxasi hisoblanadi. DNK replikatsiyasi jarayonida juftlanish kompementarlik asosida amalga oshganligi, DNK ning yangi zanjirlarida nuklein asoslami toʻgʻri joylashuvining garovi boʻladi

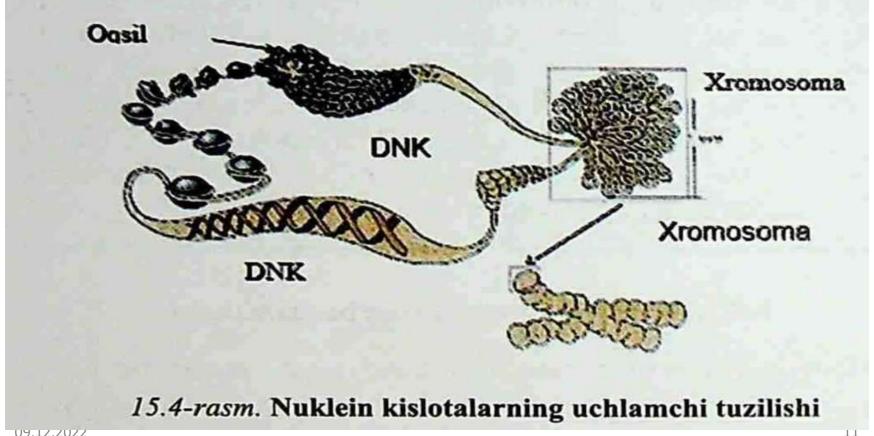


Yangi DNK spirali 15.3-rasm. DNK replikatsiyasida
DNK ning aloxida zanjirlari yangi
DNK sintezi uchun namuna
(shablon) boʻlib boshlangʻich
DNK ninganiq nusxasi
koʻrinishdagi ikkita yangi
komlementar spirallarni hosil
qiladi.

DNKning uchlamchi tuzilishi

DNKning uchlamchi tuzilishida hujayra DNKsining qoʻsh spi- rali zanjiming ba'zi joylarida superspirallami hosil qiladi. Superspi- rallanish DNK molekulasiga- xromosomada ixcham joylashishiga imkon beradi. 8 sm uzunlikka ega boMgan DNK 5 nm uzunlikka ega boMgan xromosomada joylashadi. DNK uzunligi 100000 barobar qisqaradi.

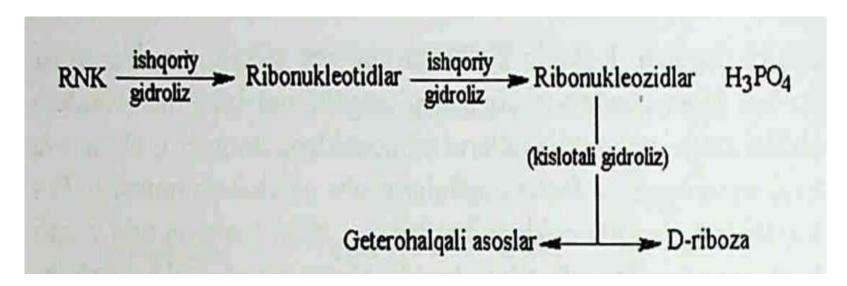
DNKning uchlamchi tuzilishi ulami yadrodagi oqsillar bilan asosan lizin va argenin hisobiga birikishidan hosil boMadi va hujayra siklining maMum bosqichida xromosoma shakliga ega boMib qoladi



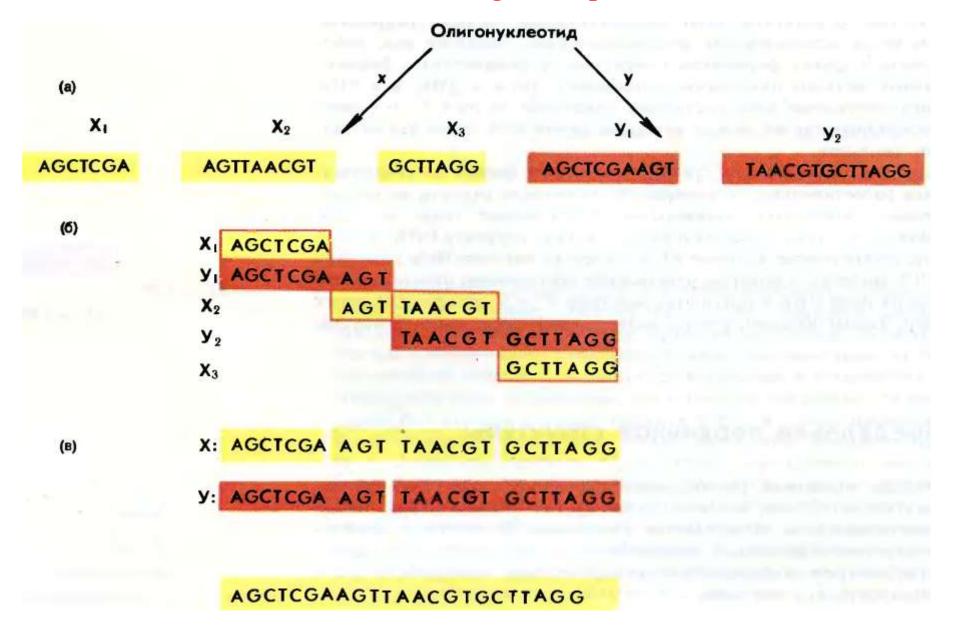
Nukleotid tarkibi va chekka guruxlar analizi

Nuklein asosini pentoza molekulasi bilan bog'lovchi N-glikozid bogʻi kislotali muhitda gidrolizlanadi. Shuning uchun, polinukleotid zanjiri gidrolizining birinchi bosqichi ishqoriy muhitda o⁴tkaziladi. Bu muhitda faqat murakkab efir bog⁴lar gidrolizlanib, glikozid bog'lar saqlanib qoladi. Nukleozidlami nuklein asos va pentozagacha gidrolizlash uchun kislotali gidrolizdan foydalaniladi. Gidrolizning har bir bosqichidan keyin olingan moddalami analiz qilib nuklein kislotalaming tarkibi oʻrganiladi.

DNK va RNK bir-biridan kislotali va ishqoriy gidrolizga munosabati bilan farq qiladi. DNK ishqoriy muhitdagi gidrolizga chidamli boladi. RNK esa ishqoriy muhitda nukleotidlargacha, nukleotidlar esa oʻz navbatida nukleozid va fosfat kislota qoldigʻigacha gidrolizlanadi. Nukleozidlar kislotali muhitda geterohalqali asos va uglevodlargacha gidrolizlanadi



Nukleotidlar ketma-ketligini aniqlash usullari



DNK tahlili yordamida barmoq izlarini aniqlash

DNK-daktiloskopiya yoki DNK ni profillash (ma'lum toifaga keltirish, guruhlash) deb nomlanuvchi jarayonda DNK ning kichik namunasi qon, teri, soʻlak yoki jinsiy suyuqlik (sperma)dan olinadi.

DNK miqdorini polimeraza zanjirli reaksiya usilini qoʻllab koʻpay- tiriladi. Soʻngra gelga joylashtirilgan va elektroforez yordamida o'lchami bo'yicha ajratib chiqilgan DNKni yana ham mayda qismlar- ga bo'lish uchun restriksiya fermentlaridan foydalaniladi. DNKning o⁴ziga xos ketma-ketligini saqlab turish uchun radioaktiv zond qoʻshiladi. Rentgen plyonkasining bir qismi gel (maxsus suyuqlik) ustiga joylashtirilganda ma'lum ketma-ketlik bilan bogMiq zonddan tushayotgan yorugʻlik (nur) DNK barmoq izlari deb nom olgan toʻq va och rangdagi uzun chiziqlar modelini hosil qiladi. Olimlarning hisobiga koʻra, aynan shunday DNK barmoq izlariga ega egizak bo'lmagan ikkita odam soni butun dunyo bo'yicha bir milliarddan kam. DNK-daktiloskopiyaning kriminalistikada qoMlanilishiga mi- sol qilib jinoyatni sodir etganlikda gumonlanuvchi shaxsni aniqlash uchun qon, soch yoki jinsiy suyuqlik singari DNK namunalaridan foydalanilishini keltirish mumkin. Soʻnggi yillarda DNK-daktilo- skopiyasidan xatolik tufayli sudlangan shaxslami ozod qilish uchun ham foydalaniladi. Bundan tashqari, bolaning biologik ota-onasini aniqlash, vafot etgan kimsaning shaxsini aniqlash hamda donorlik a'zolarini o'zaro muvofiqligini aniqlash uchun ham DNKdaktilo- skopiyasiga murojaat qilinadi.

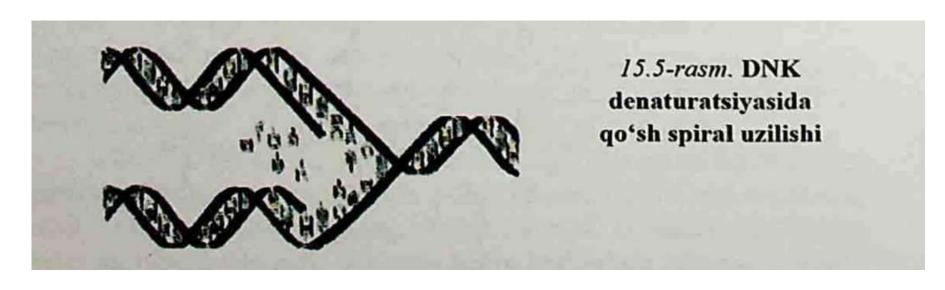
Odam Genomini aniqlash loyihasi

1990 yilda boshlanib 2003-yilda tugallangan odam genomini aniqlash loyihasi AQSH energiya departamenti va SogMiqni saqlash milliy institutining Yaponiya, Fransiya, Germaniya, Buyuk Britani- ya hamda boshqa davlatlar ishtirokidagi hamkorligida olib boʻrilgan. Loyiha rejalariga koʻra, odam DNKsidagi 25 000 yaqin gen oʻrganib, tarkibidagi asoslar juftlarining ketma-ketligini aniqlab, natijalami Internet ma'lumotlar bazasida kiritish maqsad qilib olingan.

Olimlarning aniqlashicha, genomning katta qismi hech qanday funksiya bajarmay, millionlab yillar davomida avloddan-avlodga oʻtib kelgan. Genlaming katta bloklari kerakli oqsillami kodlamasa ham replikatsiyalanadi. Shunday qilib, kodlashda ishtirok etadigan genlar qismi umumiy genomning 1% nigina tashkil etadi. Genom loyihasining natijalari bizga genetik kasalliklarga sabab boMuvchi defektli genlami aniqlashga yordam beradi. Bugungi kunda, DNK identifikatsiyasi oʻroq shaklli hujayra anemiyasi, mukovissidoz, sut bezi saratoni, yoʻgʻon ichak saratoni, Xantington kasalligi hamda Lu Gerig kasalligi singari nasliy kasalliklarga olib keluvchi genlami aniqlash uchun ham qoplaniladi.

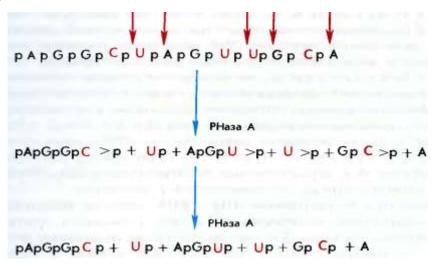
DNK denaturatsiyasi

Nuklein kislotalaming ikkilamchi tuzilishi azot asoslari oʻrta- sida vodorod bogʻlari bilan gidrofob bogʻlar yuzaga kelishi, ya'ni kuchsiz oʻzaro ta'sirlar hisobiga hosil boʻladi. Shu munosabat bilan xuddi oqsillarga oʻxshab oʻrtacha darajadagi ta'sirlar natijasida nuklein kislotalar denaturatsiyaga uchrashi mumkin. Nuklein kis- lotalar 70-100°C gacha qizdirilganda, shuningdek, kuchli kislotali yoki ishqorli muhitlarda, mochevina qo⁴shilganida denaturatsiya yuz beradi. Vodorod bogʻlari bilan gidrofob bogʻlar uzilishi natijasida zanjirlar bir-biridan qochib, tartibsiz koptokcha shakliga ke- lib qoladi. Qizdirish yoli bilan denatnratsiyaga uchratilgan nuklein kislota eritmasi sovutilsa, u holda uzilgan boglar yana tiklanadi va muayyan sharoitlarda dastlabki (denaturatsiyadan oldingi) preparat strukturalarga oʻxshab ketadigan qoʻsh spiralli spirallar hosil boladi, ya'ni renativatsiya hodisasi yuzaga keladi. Denaturatsiya va re- nativatsiya hodisalalariga molekulalami duragaylash usuli asoslan- gan. Bu usul nuklein kislotalaming tuzilishini oʻrganish, shuning- dek, ulami fraksiyalarga, ya'ni tarkibiy qismlarga ajratish uchun qollaniladi.

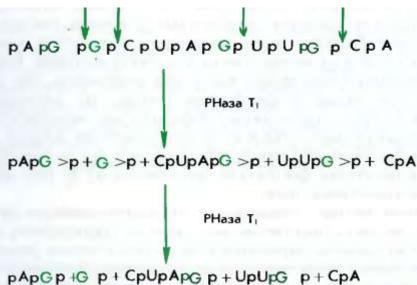


RNK fermentativ parchalash

Рибонуклеаза А



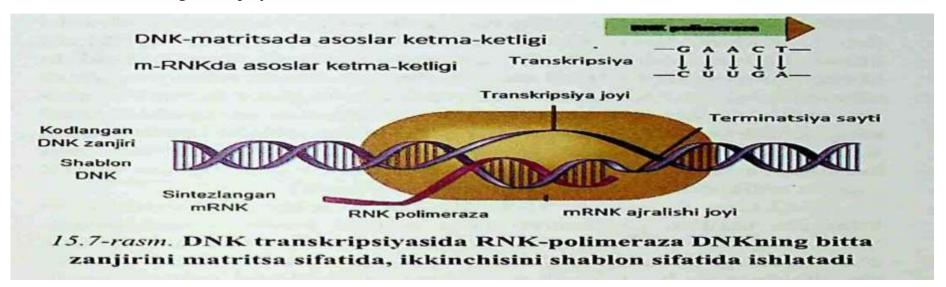
Рибонуклеаза Т1

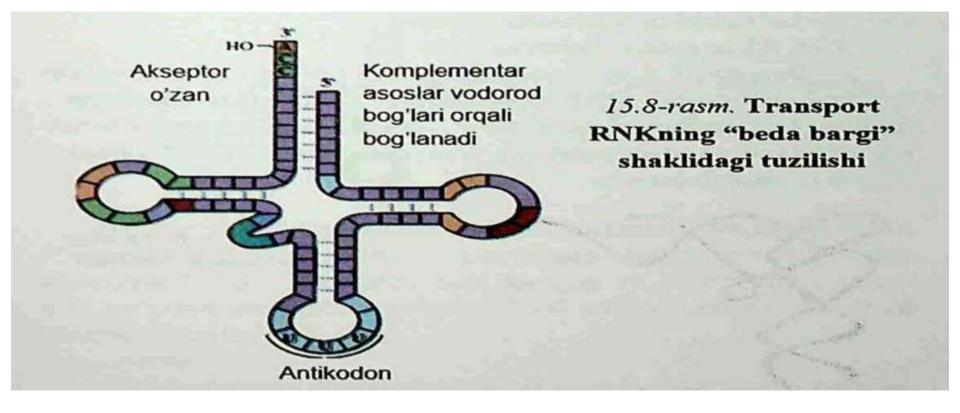


Eritmada va qattiq fazada oligo- va polinukleotidlarni sintez qilish usullari

Transkripsiya: niRNKsintezi. Transkripsiya gen saqlovchi DNK molekulasida zanjiming bir qismi yechilib nusxa olishga tayyor boʻlishidan boshlanadi. DNKning mazkur ajralgan qismi ichida RNK-polimeraza fermenti zanjirdan birini mRNK sinlezi uchun matritsa sifatida qoʻllaydi. Shuningdek, DNK sintezidagi kabi S (sitozin) G(guanin) bilan komplementar ravishda bogʻlanadi, lckin mRNKda U(uratsil) A(adenin) bilan juft hosil qiladi. RNK-polimerazalar DNK matritsa zanjiri boʻylab harakatlanib asoslar oʻrtasi- da bogʻ hosil bolishini ta'minlaydi. RNK-polimeraza terminatsiya joyiga yetganda, transkripsiya yakunlanadi va yangi mRNK ajratilib yuboriladi. DNKning uzilgan qismi oʻzining qoʻsh spiralli tuzilishi- ga qaytadi.

Transport RNK (tRNK) RNK molekulalarining umumiy hiso- bidan eng kami boʻlib, mRNKda saqlanuvchi genetik axborotni oʻqib, ma'lum bir aminokislotani ribosomaga oqsil sintezi uchun olib keladi. Faqat tRNKgina oqsillar uchun genetik axborotni oqsil- lar aminokislotalariga tasljiiy oladi

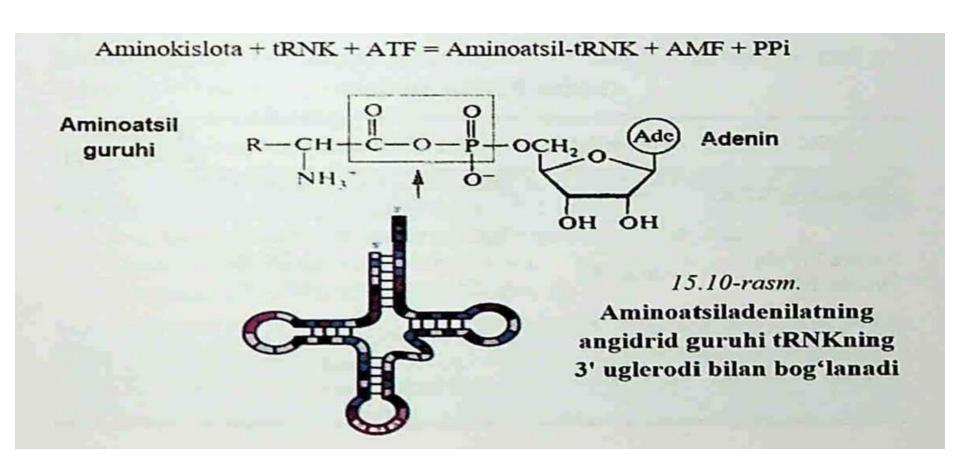




20 ta aminokislotalaming har biriga bittadan ortiq t-RNK toʻgʻri keladi. 70 tadan 90 tagacha nukleotidlardan iborot barcha tRNK strkuturalari oʻzaro oʻxshash. Bir nechta komplementar asoslar vodorod bogʻlar bilan bogʻlanib asosiy zanjirda qoʻsh zanjirli boʻlaklami hosil qiladi. Aslida tRNK strukturasi murakkab, ammo biz uni soddalashtirib uch yaproqli "beda bargi" shaklida chizishimiz mumkin. tRNKning barcha molekulalari akseptor oʻzan sifatida tanilgan ASS nukleotidlar ketma-ketligidan iborat 3 ta ohi- riga ega. Maxsus ferment ta'sirida aminokislota akseptorli o banning uchida joylashgan erkin -OH guruhi bilan murakkab efir bogʻini hosil qilish orqali birikadi. Har bir tRNK mRNKdagi uchta asosga komplementar boʻlib joylashgan uch asos ketma-ketligidan tashkil topgan antikodonni oʻzida saqlaydi

tRNKning aminoatsillanishi - aminokislotalarni faollashtirish jarayoni. Bu jarayon oqsil biosintezining birinchi bosqichida boradi yiginnata aminokislota murakkab efir bogʻi bilan tegishli tRNK ga bogʻlanadi.

Aminoatsillash fennentning katalitik markazida kechadigan ikki bosqichda boradi. Birinchi bosqichida ATF va aminokislota birikishi natijasida oraliq modda atsiladenilat hosil boʻladi. Ikkinchi bosqichida aminoatsil qoldigʻi ferment bilan bogMangan aminoatsi- ladenilatdan tegishli maxsus tRNKga koʻchib oʻtadi. (15.10-rasm). Aminoatsillash quyidagi sxema bilan ifodalanishi mumkin



E'TIBORINGIZ UCHUN RAHMAT!