Project: 2019-VIR-0001

Report Issuance Date: 2019-09-18

Laboratory	Address	Tel #
CFIA Burnaby	3155 Willington Green, Burnaby, BC, V5G 4P2	604-292-6028
CFIA St. Hyacinthe	3400 Casavant Boul. Ouest, Saint-Hyacinthe, QC, J2S 8E3	450-768-6800

Sample Name	LSTS ID	Date Received	Source	Organism	Identifier	Trimmed Sequence	Allele	Length	Mismatches	Quality Mean	Quality Stdev
VI482	2019FPP00000475214	2019-08-01	huître	NOVI	E10_072	GACCTT GGCCTG GGA AGGAGATCG AATCTCCTGCCCGAACTC GACCTT GGCCTG GGA AGGAGATCG AATCTCCTGCCCGAATTC GACCTT GGCCTG GGA AGGAGATCG AATCTCCTGCCCGAATTC	00069	45	1 1 1	53.49 53.00 53.33	6.23 6.10 5.59
VI483	2019FPP00000475215	2019-08-15	Moule	NOVII	G10 074	GACCTT GGCCTG TGGA CAGGAGA TCGCAATCT CCTGCCCGAATTC	00069	45	0	53 33	5 59

The assay was performed according to the method ACIA-CRNVA-08 current version v01 (FVNRC Sequencing and Cloning Confirmation Methods / Méthode de confirmation des séquences génomiques amplifiées par épreuves moléculaires au CRNVA, au moyen des technique de clonage, de séquençage et d'analyse bioinformatiques).

The sequencing was performed by / Le séquençage a été effectué par: Plateforme de Séquençage et de génotypage (CRCHUL)

Please use the following sample manager entry code / Veuillez utiliser le code de saisie de gestionnaire d'échantillon suivant: **NOV1-SEQ** Add the following comments / Ajouter les commentaires suivants:

Norovirus genogroup I was confirmed by gene sequencing of the amplicon. Le séquençage de l'amplicon confirme la présence du Norovirus génogroup I.

Please use the following sample manager entry code / Veuillez utiliser le code de saisie de gestionnaire d'échantillon suivant: **NOV2-SEQ** Add the following comments / Ajouter les commentaires suivants:

Norovirus genogroup II was confirmed by gene sequencing of the amplicon. Le séquençage de l'amplicon confirme la présence du Norovirus génogroup II.