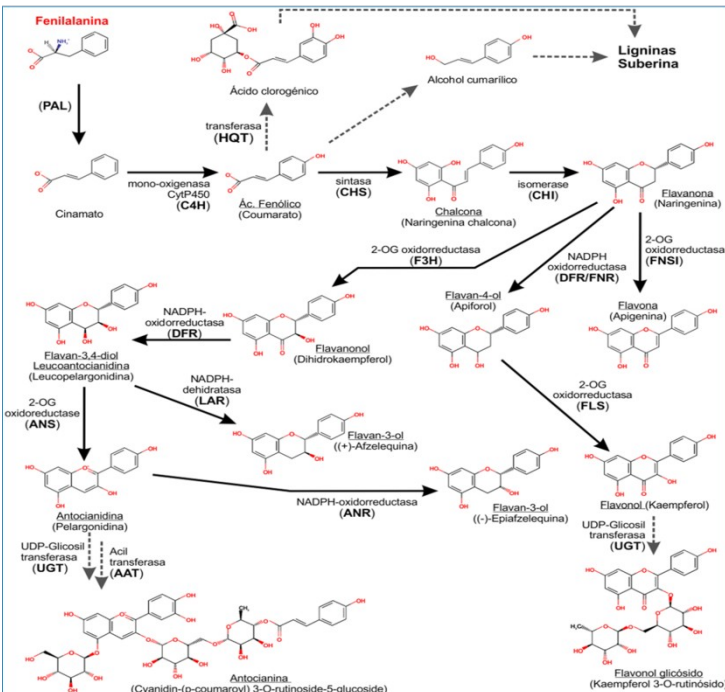
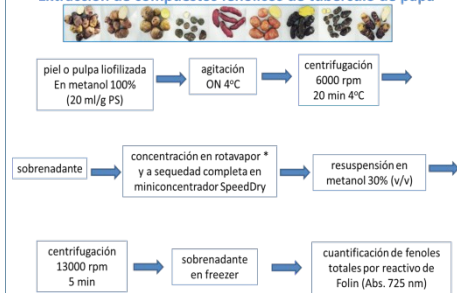


Red metabólica de fenilpropanoides de papa



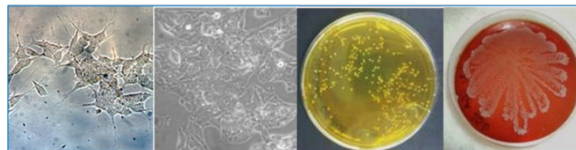
Extracción de compuestos fenólicos de tubérculo de papa



* Si se parte de mucho volumen

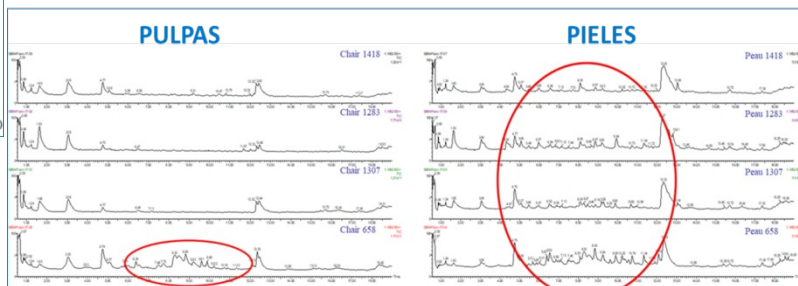
Actividad biológica *in vitro*

sistemas modelos de actividad antioxidante, bactericida y citotóxica



Integración de datos en modelo predictivo: análisis de balances de flujo

Metaboloma de tubérculo de papa



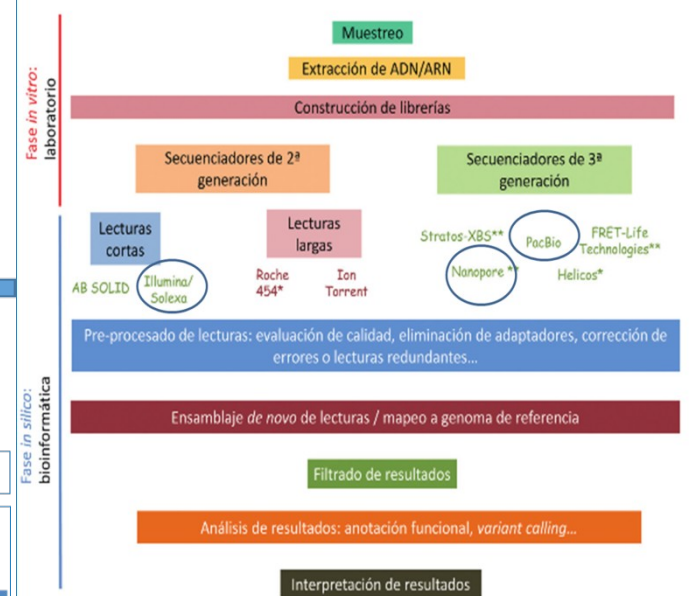
Cromatogramas de corriente de iones totales para cuatro cultivares andinos de papa

32 compuestos detectados de 6 familias diferentes (3 misceláneas, 4 poliaminas, 4 ácidos hidroxycinámicos, 13 antocianinas, 6 flavonoides no antocianinas, 2 glicoalcaloides).

Dentro de antocianinas, 8 derivados de pelargonidina, 4 derivados de peonidina y 1 derivado de cianidina.

Transcriptoma de tubérculo de papa

técnica de RNA-seq alta correlación con técnica RT-qPCR



Lopez de Heredia, U. (2016). Munibe Ciencias Naturales. 64. 10.21630/mcn.2016.64.07.

Grupo BCS



Financiado por FONCYT (PICT 2018 3815)



Colaboradores

Adriana Andreu. Arjen ten Have. Ximena Silveyra. Grupo BCS, IIB-UNMDP-CONICET.
 Daniela Villamonte. IIB-UNMDP-CONICET.
 Roberto Deza. IFIMAR-UNMDP-CONICET.
 François Perreau. Plataforma de Química y Metabolómica, IUPB, Versailles, Francia.
 Romina Paola Naranjo. ICYTAC-CONICET, Córdoba
 Marcelo Atencio. Banco de Germoplasma de Papa, INTA-Balcarce.