

Assingment 6

2. Proteinsequenz

Human Hemoglobin subunit alpha (Uniprotnr.: P69905):

```
MVLSPADKTNVKAAGKVGAGHAGEYGAEALERMFLSFPTTKTYFPHFDLSHGSAQVKGHG  
KKVADALTNAVAHVDDMPNALSALSDLHAHKLRVDPVNFKLLSHCLLVTLAAHLPAEFTP  
AVHASLDKFLASVSTVLTSKYR
```

Human Hemoglobin subunit beta (Uniprotnr.: P68871):

```
MVHLTPEEKSAVTALWGKVNVDEVGGEALGRLLVVYPWTQRFFESFGDLSTPDAMGNPK  
VKAHGKKVLGAFSDGLAHLNLLKGTFFATLSELHCDKLHVDPENFRLLGNVLCVLAHHFG  
KEFTTPVQAAAYQKVAGVANALAHKYH
```

3.

Globales Alignment:

- Sucht von Ende zu Ende nach Ähnlichkeiten in den Sequenzen (die gesamte Sequenz wird, am Stück abgeglichen)

Lokales Alignment:

- Sucht in bestimmten Bereichen nach Ähnlichkeiten in den Sequenzen, es können sich dabei auch mehrere Regionen ähneln