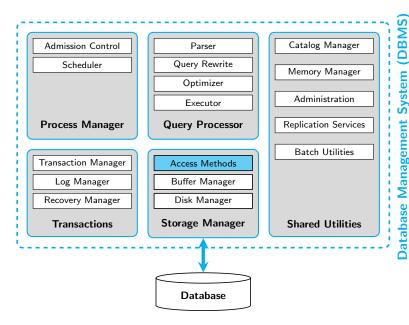
Índices basados en árboles

Clase 05

IIC 3413

Prof. Cristian Riveros

Índices basados en árboles



Outline

Introducción

ISAM

B+-trees

Outline

Introducción

ISAM

B+-trees

Archivos ordenados y búsqueda binaria

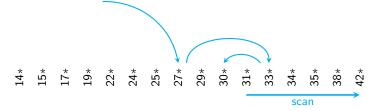
SELECT *

FROM Players

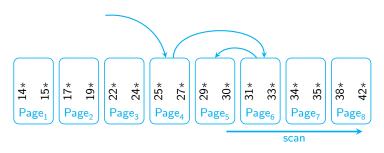
WHERE pAge ≥ 31

¿cómo hacemos esta búsqueda en un archivo ordenado?

- Búsqueda binaria al primer elemento tal que pAge < 31.
- Retornamos todos los elementos mayores que 31.



Archivos ordenados y búsqueda binaria

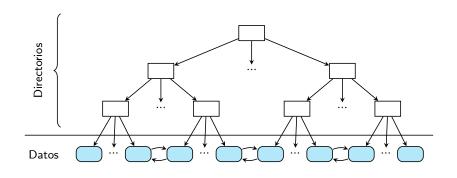


Costo de la búsqueda: $\log_2(\#pages)$.

¿cuál es el problema con este índice?

Difícil de mantener el orden.

Índices basados en árboles



Dos tipos fundamentales de índices con estructura de árbol:

- ISAM
- B+ trees

Outline

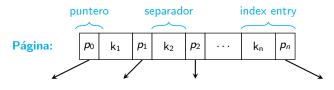
Introducción

ISAM

B+-trees

ISAM: Indexed Sequential Access Method

- Índice con estructura de directorio estático.
- Cada página del directorio es de la forma:

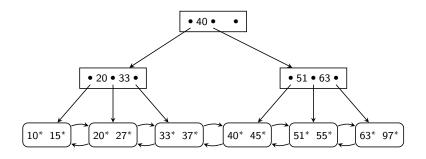


Se garantiza que los valores k apuntados por p_i satisfacen:

$$k_i \leq k < k_{i+1}$$

- Datos (hojas) estan ordenados y sus páginas están doblemente ligadas.
- Dependiendo la altura *H* del directorio, se le llama "*H*-level ISAM".

Ejemplo 2-level ISAM



La altura del árbol es estática y fijada por el usuario.

Busqueda en ISAM

Primero necesitamos la siguiente función de búsqueda:

```
input: Un search key k y una página P del índice.
output: Una página de datos que puede contener a k.
Function busquedaEnArbol (k, P)
   if P es una página de datos then
       return P
   let P = p_0 k_1 p_1 \dots k_n p_n
   switch k do
       case k < k_1 do
           return busquedaEnArbol (k, p_0)
       case k_i \le k < k_{i+1} do
           return busquedaEnArbol (k, p_i)
       case k_n \le k do
          return busquedaEnArbol (k, p_n)
```

Range queries en ISAM

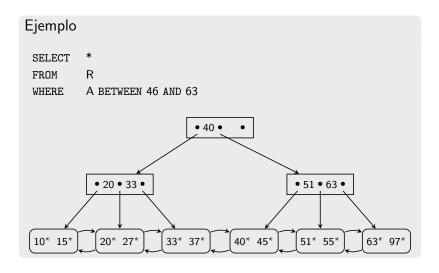
Para responder una consulta de la forma:

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(x, root).
- 2. Realizar una búsqueda binaria del mayor elemento k^* en P tal que

$$k^* \leq x$$

3. Hacer scan desde k^* sobre todos los valores menores o iguales a y.

Range queries en ISAM

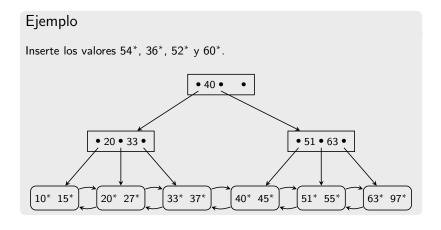


Insertar un elemento en ISAM

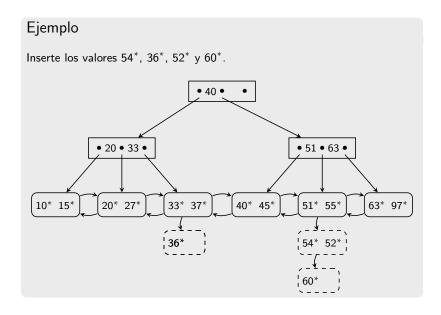
Para insertar un valor k:

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(k, root).
- 2. Si P tiene espacio para k, insertar k en P.
- 3. Si P no tiene espacio para k, insertar k en una página de overflow.

Insertar un elemento en ISAM



Insertar un elemento en ISAM

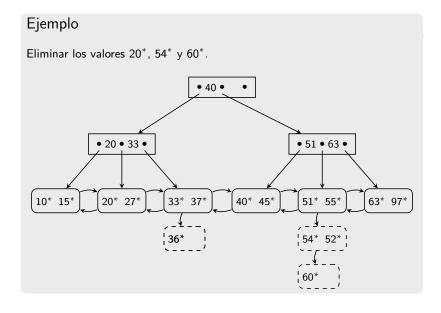


Eliminar un elemento en ISAM

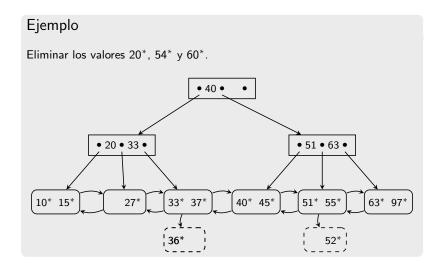
Para eliminar un valor k:

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(k, root).
- 2. Si P contiene a k, eliminar k en todas las páginas de overflow que contengan a k (duplicados).

Eliminar un elemento en ISAM



Eliminar un elemento en ISAM



Eficiencia de ISAM

Considere:

- H: la cantidad de niveles.
- V: largo máximo las cadenas de páginas de overflow.

El costo de cada operación (en I/O):

Busqueda: $\mathcal{O}(H+V)$

Insertar: $\mathcal{O}(H+V)$

Eliminar: $\mathcal{O}(H+V)$

Costo de las operaciones fuertemente influenciado por páginas de overflow.

¿por qué usar ISAM?

Desventajas:

- Deficiente si la cantidad de datos aumenta.
- Rendimiento pobre si hay muchas modificaciones.

Pero...

- Eficiente en la busquedad (para pocas modificaciones).
 - Optimización: iniciar páginas con un 20% de espacio libre.
- Muy sencillo de implementar.
- Útil para acceso concurrente.

Outline

Introducción

ISAM

B+-trees

B+-trees: Índice dinámico

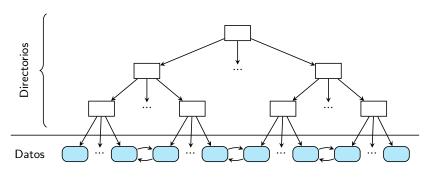
Estructura similar a ISAM, pero ...

- No usa páginas de overflow y siempre esta balanceado.
- Mantiene la eficiencia de búsqueda: $\mathcal{O}(\log_B(\#tuplas))$.
- Procedimientos eficientes de insertar/eliminar elementos.
- Todos los nodos tienen un uso mínimo del 50% (menos el root).

"B+-trees are by far the most important access path structure in databases and file systems", Gray y Reuter (1993).

Estructura de B+-trees

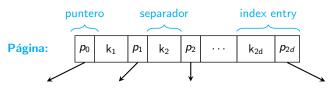
Misma estructura que ISAM:



Hojas contienen los data entry (pueden ser del tipo 1, 2, o 3).

Estructura de B+-trees

Nodos internos tienen la misma estructura que ISAM:



pero...

El minimo y máximo número de llaves y punteros (n) viene dado por el orden (d) del B+-tree:

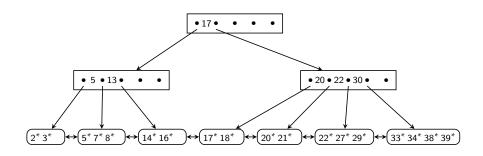
$$d \le n \le 2d$$

 $1 \le n \le 2d$ para el root

Orden d del árbol es siempre del orden del tamaño de una página

$$d \approx \frac{B}{2}$$

Ejemplo de un B+-tree de orden 2



Búsqueda y range queries en B+-trees

Misma historia que búsqueda en ISAM (con una diferencia):

SELECT *
FROM R

WHERE A BETWEEN \times AND y

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(x, root).
- 2. Realizar una búsqueda binaria del mayor elemento k^* en P con $k^* \le x$.
- 3. Hacer scan desde k^* sobre todos los valores menores o iguales a y.

Suposición: data keys son todos distintos (sin duplicados)

Insertar un elemento en B+-trees (orden d)

Recordar: un B+-trees siempre debe estar balanceado.

Para insertar un valor k:

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(k, root).
- 2. Si el espacio libre de P es menor o igual a 2d, insertar k en P.
- 3. En otro caso: debemos insertar k en P y hacer split de [P + k]!

donde
$$[P + k] = k_1^* k_2^* \dots k_{2d}^* k_{2d+1}^*$$
.

Insertar un elemento en B+-trees (orden d)

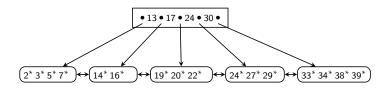
Para hacer split de una página de datos [P + k] de tamaño 2d + 1:

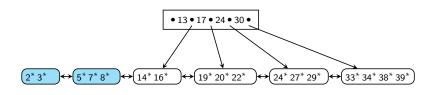
- 1. Asuma: $[P+k] = k_1^* k_2^* \dots k_{2d}^* k_{2d+1}^* \text{ con } k_i < k_{i+1}$.
- 2. Divida [P + k] en dos páginas:

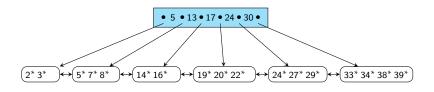
$$P_1 = k_1^* \dots k_d^*$$
 y $P_2 = k_{d+1}^* \dots k_{2d+1}^*$

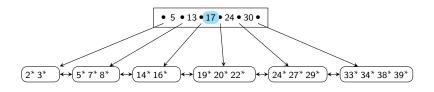
y reemplaze P por P_1, P_2 en la lista doble-ligada de los datos.

- 3. Seleccione el valor k_{d+1} como divisor de P_1 y P_2 .
- 4. Reemplace el puntero p en la página P' que apuntaba a la página P por $p_1 k_{d+1} p_2$ donde p_1 apunta a P_1 y p_2 apunta a P_2 .
- 5. Itere sobre la página de directorio P' que apuntaba a P (split de P').

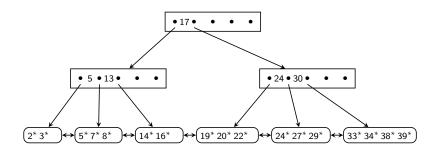








Inserte el elemento 8^* en el siguiente B+-tree (de orden d = 2):



Nuestro $B+tree\ queda\ balanceado.$

Insertar un elemento en B+-trees (orden d)

Para hacer split de una página de directorio P de tamaño 2d + 1:

1. Asuma:

$$P = p_0 k_1 p_1 k_2 p_2 \dots p_{2d} k_{2d+1} p_{2d+1}$$

2. Divida P en dos páginas:

con $k_i < k_{i+1}$.

$$P_1 = p_0 k_1 \dots k_d p_d$$
 y $P_2 = p_{d+1} k_{d+2} \dots k_{2d+1} p_{2d+1}$

y reemplaze P por P_1, P_2 en el directorio.

- 3. Seleccione el valor k_{d+1} como divisor de P_1 y P_2 .
- 4. Reemplace el puntero p en la página P' que apuntaba a la página P por $p_1 k_{d+1} p_2$ donde p_1 apunta a P_1 y p_2 apunta a P_2 .
- 5. Itere sobre la página de directorio P' que apuntaba a P (split de P').

Split del nodo raíz de un B+-tree

- Split de los nodos parte desde las hojas y continua hasta la raíz.
- Si:
 - es necesario hacer split de todos los nodos y
 - el nodo raíz esta lleno.

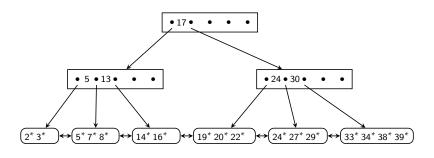
entonces será necesario crear un nuevo nodo raíz.

■ El nodo raíz es el único que se le permite estar lleno al menos del 50%.

¿ qué ocurre con la altura del árbol al hacer split de la raíz?

Otro ejemplo de como insertar un elemento en B+-trees

Inserta los elementos 23^* y 40^* en el siguiente B+-tree (de orden d = 2):

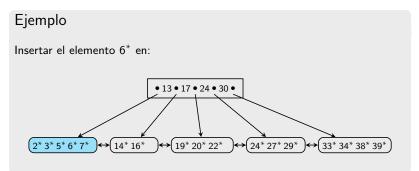


Es posible evitar el crecimiento del árbol usando redistribución en los nodos vecinos.

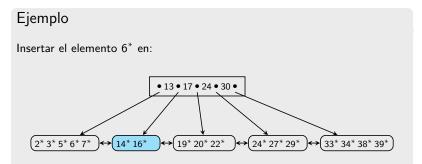
 $\longleftrightarrow (14^* 16^*) \longleftrightarrow (19^* 20^* 22^*) \longleftrightarrow (24^* 27^* 29^*) \longleftrightarrow (33^* 34^* 38^* 39^*)$

Ejemplo Insertar el elemento 6* en: • 13 • 17 • 24 • 30 •

Es posible evitar el crecimiento del árbol usando redistribución en los nodos vecinos.



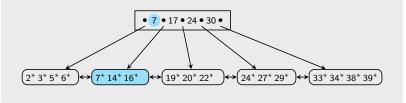
Es posible evitar el crecimiento del árbol usando redistribución en los nodos vecinos.



Es posible evitar el crecimiento del árbol usando redistribución en los nodos vecinos.

Ejemplo

Insertar el elemento 6* en:



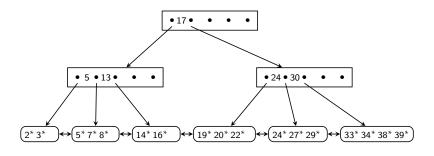
Redistribución es posible también a nivel de directorio.

Eliminar un elemento en B+-trees (orden d)

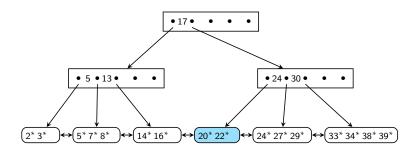
Para eliminar un valor k:

- 1. Llamar P = busquedaEnArbol(k, root).
- 2. Si el espacio usado en P es mayor o igual a d+1, eliminar k en P.
- 3. En otro caso: debemos eliminar k en P y rebalancear [P-k]!

Para eliminar el elemento 19*:

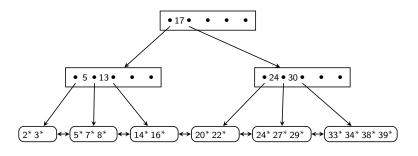


Para eliminar el elemento 19*:

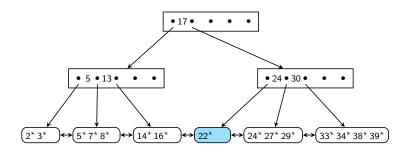


Podemos eliminar 19* sin problemas (#-data entries > 2).

Para eliminar el elemento 20*:

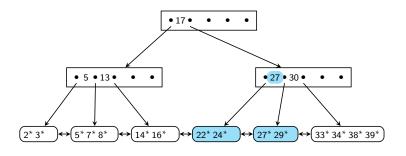


Para eliminar el elemento 20*:



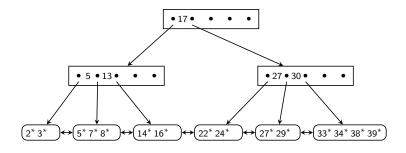
Debemos hacer redistribución o "unsplit" de las páginas.

Para eliminar el elemento 20*:

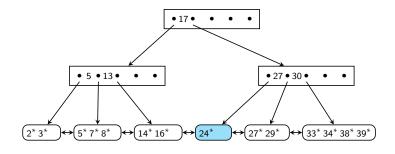


Debemos hacer redistribución o "unsplit" de las páginas.

Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:

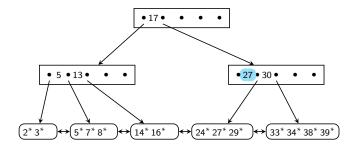


Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:



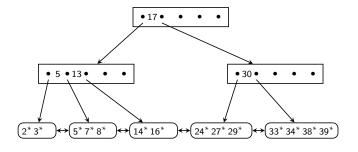
Necesitamos hacer un "unsplit" de las páginas.

Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:

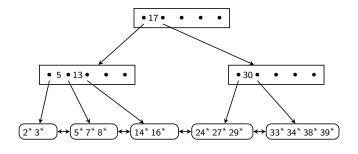


Necesitamos hacer un "unsplit" de las páginas.

Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:

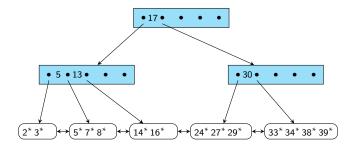


Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:

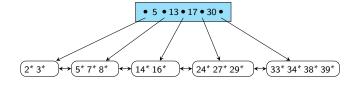


Otro "unsplit", pero ahora del directorio.

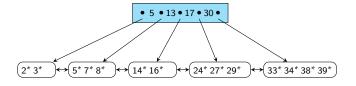
Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:



Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:



Ahora, si deseamos eliminar el elemento 22*:

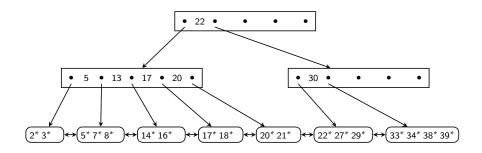


Si el root tiene un solo elemento, esta es la única manera de decrementar la altura *H* del árbol.

Eliminación y redistribución de elementos

En algunos casos es necesario redistribuir los elementos de un directorio en una eliminación.

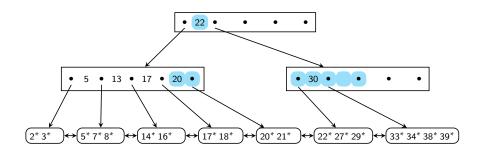
Ejemplo



Eliminación y redistribución de elementos

En algunos casos es necesario redistribuir los elementos de un directorio en una eliminación.

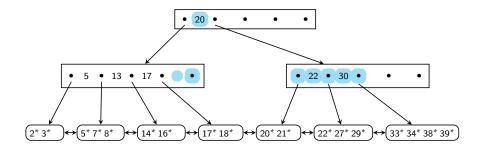
Ejemplo



Eliminación y redistribución de elementos

En algunos casos es necesario redistribuir los elementos de un directorio en una eliminación.

Ejemplo



Eficiencia de B+-trees

Considere:

- T: el número de tuplas.
- B: el tamaño de una página.

El costo de cada operación (en I/O):

Busqueda: $\mathcal{O}(\log_{\frac{B}{a}}(\frac{2\cdot T}{B}))$

Insertar: $\mathcal{O}(\log_{\frac{B}{\alpha}}(\frac{2 \cdot T}{B}))$

Eliminar: $\mathcal{O}(\log_{\frac{B}{2}}(\frac{2\cdot T}{B}))$

Costo depende logaritmicamente en base B!

Duplicados en B+-trees

Suposición anterior: NO hay data-entries duplicados.

Si consideramos duplicados, tenemos varias opciones . . .

- usar páginas con overflow, o
- \blacksquare data entries extendidos con una llave compuesta (k, id), o
- permitir duplicados y flexibilizar los intervalos del directorio:

$$k_i \le k < k_{i+1} \implies k_i \le k \le k_{i+1}$$

Optimizaciones a B+-trees y otros

Varias posibles optimizaciones para B+-trees:

- Compresión de index keys (o directorio).
- Bulk loading.