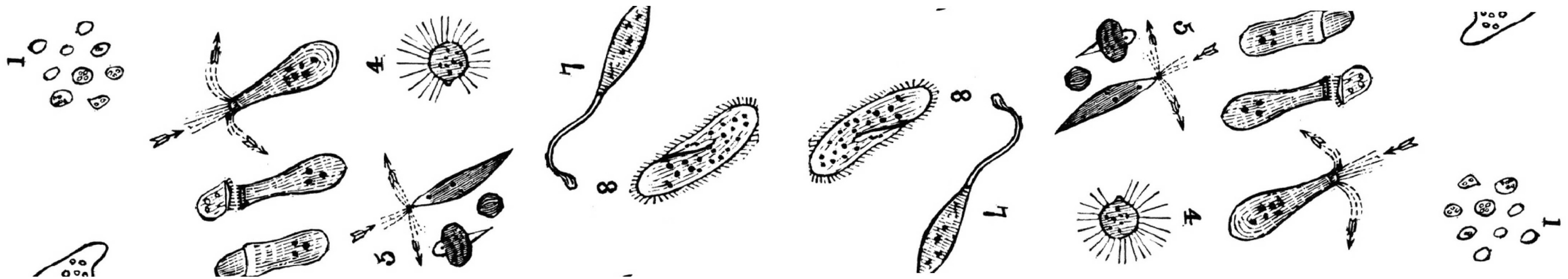




BIOQ380 - Bioinformática y Genómica

www.castrolab.org
www.cbib.cl

Eduardo Castro, PhD
Universidad Andrés Bello
31 de julio de 2018



¿Por qué hacer este curso?

- Surge a partir de la innovación curricular de la carrera
- Carencia de competencias en bioinformática en general y genómica en particular
- Mucha demanda laboral por estas competencias

Cuatro grandes unidades

- Homología y búsqueda de secuencias
- Alineamiento de secuencias
- Secuenciamiento masivo de ADN y aplicaciones
- Metagenómica

¿Cómo nos relacionamos?

- Por correo electrónico, por citas en el CBIB, a través del sitio web del curso en GitHub
- Katterine Mendez - kat.mendez@uandresbello.edu
- Eduardo Castro - eduardo.castro@unab.cl

¿Qué necesitamos para comenzar?

- Computadores portátiles
- Instalar NCBI Genome Workbench, MEGA7, DNAsp, BEAST2.0
- El resto de los programas son servidores web