

PROGRAMA DE FORMACIÓN INTRAMURAL, ISCI

“Iniciación al análisis de datos procedentes de técnicas de secuenciación masiva (NGS)”, 17 al 28 Mayo 2021. 8ª Edición.

Lunes 17 Mayo,

10:00h-11:00h Secuenciación masiva, Plataformas de secuenciación. *Isabel Cuesta.*

11:00h-12:00h Secuenciación masiva, Plataformas de secuenciación. *Isabel Cuesta.*

Martes 18 Mayo,

10:00h-11:00h Aplicación de las técnicas de secuenciación masiva (NGS). *Isabel Cuesta.*

11:00h-12:00h Aplicación de las técnicas de secuenciación masiva (NGS). *Isabel Cuesta.*

Miércoles 19 Mayo,

10:00h-11:00h Iniciación al entorno Linux. Aspectos teóricos. *Miguel Juliá.*

11:00h-12:00h Comandos básicos Linux. Navegación por el árbol de directorios. *Sarai Varona.*

Jueves 20 Mayo,

10:00h-11:00h Comandos básicos Linux. Manejo y gestión de ficheros. *Miguel Juliá.*

11:00h-12:00h Comandos básicos Linux. Manejo de permisos. *Sarai Varona.*

Viernes 21 Mayo,

10:00h-11:00h Análisis de datos: Control de calidad y preprocesado. *Sarai Varona.*

11:00h-12:00h Análisis de datos: Mapado y filtrado de duplicados. *Sara Monzón.*

Lunes 24 Mayo,

10:00h-12:00h Hands-on análisis de datos, fase de control de calidad, preprocesado y alineamiento. *Sara Monzón, Sarai Varona.*

Martes 25 Mayo,

10:00h-12:00h Análisis secundario: Introducción a la llamada a variantes. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*

Miércoles 26 Mayo,

11:45h-14:00h Hands-on, Análisis de variantes en datos de Deep Sequencing. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*

Jueves 27 Mayo,

10:00h-12:00h Secuenciación de genoma de bacterias, cromosómico y plásmidico, ensamblado, anotación, tipificación e identificación de genes de resistencia. *Sara Monzon.*

Viernes 28 Mayo,

10:00h-12:00h Hands-on, Análisis secundario, UCSC genome browser. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*