

## PROGRAMA DE FORMACIÓN INTRAMURAL, ISCI

### “Iniciación al análisis de datos procedentes de técnicas de secuenciación masiva (NGS)”, 17 al 21 Junio 2019. 7ª Edición.

#### Lunes 17 Junio,

10:00h-11:30h Secuenciación masiva, Plataformas de secuenciación. *Isabel Cuesta.*

11:30h- 11:45h Café

11:45h- 12:45h Iniciación al entorno Linux. Aspectos teóricos. *Miguel Juliá.*

12:45h- 14:00h Comandos básicos Linux. Navegación por el árbol de directorios. *Miguel Juliá.*

#### Martes 18 Junio,

10:00h-11:30h Aplicación de las técnicas de secuenciación masiva (NGS). *Isabel Cuesta.*

11:30h- 11:45h Café

11:45h- 12:45h Comandos básicos Linux. Manejo y gestión de ficheros. *Miguel Juliá.*

12:45h- 14:00h Comandos básicos Linux. Manejo de permisos. *Miguel Juliá.*

#### Miércoles 19 Junio,

10:00h-10:45h Análisis de datos: Control de calidad y preprocesado. *Miguel Juliá.*

10:45h-11:30h Análisis de datos: Mapado y filtrado de duplicados. *Sara Monzón.*

11:30h- 11:45h Café

11:45h-14:00h Hands-on análisis de datos, fase de control de calidad, preprocesado y alineamiento. *Sara Monzón, Miguel Juliá.*

#### Jueves 20 Junio,

10:00h-11:30h Análisis secundario: Introducción a la llamada a variantes. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*

11:30h-11:45h Café

11:45h-14:00h Hands-on, Análisis de variantes en datos de Deep Sequencing. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*

#### Viernes 21 Junio,

10:00h-11:00h Secuenciación de genoma de bacterias, cromosómico y plásmidico, ensamblado, anotación, tipificación e identificación de genes de resistencia. *Isabel Cuesta.*

11:00h-11:15h Café

11:15h-14:00h Hands-on, Análisis secundario, UCSC genome browser. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*