

## PROGRAMA DE FORMACIÓN INTRAMURAL, ISCIII

**“Iniciación al análisis de datos procedentes de técnicas de secuenciación masiva (NGS)”, 22 al 26 mayo 2023. 10ª Edición.**

### **Lunes 22,**

10:00h-12:00h Secuenciación masiva, Plataformas de secuenciación. *Isabel Cuesta.*

12:15h-13:00h Iniciación al entorno Linux. Aspectos teóricos. *Sarai Varona.*

13:00h-14:00h Comandos básicos Linux. Navegación por el árbol de directorios. *Sarai Varona.*

### **Martes 23,**

10:00h-12:00h Aplicación de las técnicas de secuenciación masiva (NGS). *Isabel Cuesta.*

12:15h-13:00h Comandos básicos Linux. Manejo y gestión de ficheros. *Sarai Varona.*

13:00h-14:00h Comandos básicos Linux. Manejo de permisos. *Sarai Varona.*

### **Miércoles 24,**

10:00h-11:00h Análisis de datos: Control de calidad y preprocesado. *Sarai Varona.*

11:00h-12:00h Análisis de datos: Mapado y filtrado de duplicados. *Sara Monzón.*

12:15h-14:00h Hands-on análisis de datos, fase de control de calidad, preprocesado y alineamiento. *Sara Monzón, Sarai Varona.*

### **Jueves 25**

10:00h-12:00h Análisis secundario: Introducción a la llamada a variantes. *Sara Monzón.*

12:15h-14:00h Hands-on, Análisis de variantes en datos de Deep Sequencing. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*

### **Viernes 26,**

10:00h-12:00h Secuenciación de genoma de bacterias, cromosómico y plásmidico, ensamblado, anotación, tipificación e identificación de genes de resistencia. *Isabel Cuesta.*

12:15h-14:00h Hands-on, ensamblado, anotación, tipificación e identificación genes resistencia. *Sara Monzón, Isabel Cuesta.*