

丁尉哲

(+86)18841128665 | weizhedingphd@gmail.com
https://weizheding.netlify.app/



教育经历

- 辽宁大学（双一流，211） 2018年09月 - 2022年07月
生物技术 本科 生命科学院 沈阳
- GPA: 3.32/ 4.0
 - 奖项荣誉: 2020年9月 获辽宁大学20学年度学院单项奖学金
 - 主要课程: 高等数学 (93/100, 98/100) 生物统计学 (96/100, top2) 生物化学 (96/100) 生物信息学 (84/100)

科研经历

- 中国科学院大连化学物理研究所 分子反应动力学国家重点实验室 2020年12月 - 2021年03月
李国辉课题组 大连

- 调研近十年机器学习和深度学习在激酶中的应用，并将其分为激酶抑制剂，预测磷酸化位点，分类，预测蛋白配体亲和力，分子动力学模拟及在生物信息学中的应用，预计发表英文综述论文一篇
- 汇总蛋白质三维结构数据库信息，并使用Python在Linux服务器中下载所有pdb文件，最终运用于相关数据集的生成和分类问题中

- 中国科学院上海营养与健康研究所 中科院营养代谢与食品安全重点实验室 2020年08月 - 2021年08月
林旭课题组 上海

- 在中国科学院大学生创新实践训练计划的资助下，完成植物性膳食模式与二型糖尿病荟萃分析的研究，并获批经费4万元
- 使用Pubmed, web of science和Cochrane检索近十年相关文献，经人工筛选汇总后确定纳入文献并使用Stata和R进行统计学分析，最终发现植物性膳食模式能够显著改善血糖控制并预计发表SCI论文

- 西湖大学 2020年07月 - 2020年08月
郑矩圣课题组 杭州

- 参与与浙江省戒毒所合作之戒毒人群肠道微生物和营养分布课题，负责心理及膳食问卷的设计和整理
- 协助构建二型糖尿病候选分子数据库，使用Python自动化下载CAS数据集中目标分子的mol2 文件
- 参与CMPF代谢机制及新型生物标志物课题，负责完成代谢物的测绘和生长曲线的制作

- 中国科学院上海巴斯德研究所 2020年04月 - 2020年07月
病原发现与大数据中心 上海

- 合作撰写B细胞永生综述一篇，预计发表在相关SCI综述类杂志上
- 独立完成河南省艾滋病人群耐药性meta分析，在使用R对近十年相关中文文献进行汇总整理后，证实了耐药性与服用药物时间的关联并进行亚组分析，最终预计发表在SCI流行病学及医学杂志上

项目经历

- 辽宁大学生命科学院 2020年09月 - 至今
曹向宇（副院长）课题组 沈阳

- 完成天然活性产物与 α -淀粉酶课题，在对降香的主要成分进行虚拟筛选后，得到圣草酚为最佳天然活性成分并对其分子对接和分子动力学模拟研究，同时在实验上证实了圣草酚抑制 α -淀粉酶的确切机制，最终预计发表在International journal of biological macromolecule上
- 参与木香烃内酯诱导细胞凋亡机制课题，主要负责制作分子对接数据并参与论文的撰写及修订，并发表在Chemistry and Biodiversity上
- 合作发表两项与论文相关国家发明专利：《圣草次苷在制备抑制心血管疾病药物中的应用》及《香菇菌丝体多糖在制备抑制淀粉酶活性药物中的应用》，专利证书分别于2021年1月及预计于6月获得

- 辽宁大学药学院 2020年09月 - 至今
刘宏生（院长）课题组 沈阳

- 参与2020大学生创新创业训练计划项目，在使用机器学习对打分函数进行改进后，对herg通道潜在抑制剂进行虚拟筛选并使用分子动力学模拟对打分最高的前五个分子进行分析研究
- 使用网络相似性整合算法对lncRNA与miRNA相互作用进行研究，并发表在牡丹江医学院学报上
- 设计分子动力学模拟分子指纹课题，在使用分子动力学模拟和Rdkit计算候选分子数据后，开创性的对MDFP和二维/三维指纹中最好的特征进行数据整合并使用机器学习训练模型，最终预计发表SCI论文

论文

- 1.Jingjing Zhang*, Weizhe Ding*, Zhipeng Tang et al. Eriodictyol as α -amylase inhibitors: virtual screening, molecular docking, molecular dynamic simulation and spectroscopy, Int J Biol Macromol. Under Review (*co-first author) IF=5.162
- 2.Weizhe Ding*, Li Zhang*#, Yang Nan, et al. Combining Multi-Dimensional Molecular Fingerprints to Predict hERG Cardiotoxicity of Compounds. bioRxiv (*co-first author, #Corresponding author)
- 3.丁尉哲, 南洋, 吴卷书, 等。基于网络相似性整合算法的lncRNA与miRNA相互作用预测研究, 牡丹江医学院学报, 2021第04期
- 4.Dan Liu, Meng Zeng, Jing-Wen Pi, Mei-Jia Liu, Wei-Zhe Ding, et al. Exploring the Potential Mechanism of Costunolide-Induced MCF-7 Cells Apoptosis by Multi-Spectroscopy, Molecular Docking and Cell Experiments, Chem. Biodiversity. 18 (2021) e2001069 IF=2.039

课外项目活动

安永（中国）	2020年04月 - 2021年04月
校园大使	沈阳
2018大学生创新创业训练计划项目	2018年09月 - 2020年07月
省二等奖	沈阳
毕马威（中国）	2019年12月 - 2020年03月
校园大使	沈阳
毕业后公益基金会	2019年01月 - 2019年03月
联合发起人	沈阳

语言/技能

- 大学英语六级： 571/710
- ILETS： 6/9
- 技能： Gromacs, Shell, Python, R, Linux, Stata, Microsoft Office