

# Probabilistyczne modele propagacji w grafach.

Bartosz Łabuz

19 października 2025

# Spis treści

<b>1</b>	<b>Wstęp</b>	<b>2</b>
1.1	Motywacja i zastosowania . . . . .	2
1.2	Cel pracy . . . . .	2
1.3	Zakres pracy . . . . .	2
<b>2</b>	<b>Podstawy matematyczne</b>	<b>4</b>
2.1	Podstawowe pojęcia grafów . . . . .	4
2.2	Rodziny grafów . . . . .	5
2.3	Pojęcie prawdopodobieństwa . . . . .	6
2.4	Zmienne losowe . . . . .	7
2.5	Znane rozkłady prawdopodobieństwa . . . . .	8
2.6	Tożsamości i nierówności . . . . .	10
<b>3</b>	<b>Modele propagacji losowej</b>	<b>11</b>
3.1	Model SI . . . . .	11
3.2	Model SIS . . . . .	13
3.3	Model SIR . . . . .	13
<b>4</b>	<b>Analiza modelu SI</b>	<b>15</b>
4.1	Dwa wierzchołki, jedna krawędź . . . . .	15
4.2	Analiza dla grafów $P_n$ . . . . .	15
4.3	Analiza dla grafów $S_n$ . . . . .	17
4.4	Monotoniczność czasu zarażenia . . . . .	19
4.5	Ograniczenia górne na $\mathbb{E}[Z]$ . . . . .	19
4.6	Analiza dla drzew . . . . .	21

# Rozdział 1

## Wstęp

### 1.1 Motywacja i zastosowania

Propagację wirusów podczas epidemii ludzkość obserwowała już od starożytności. W dzisiejszych czasach, wraz z rozwojem internetu i mediów społecznościowych, mamy możliwość doświadczyć również dynamicznej propagacji informacji. Aby efektywnie rozprzestrzenić informacje, nie można robić tego "na ślepo", lecz trzeba wykorzystać wiedzę teoretyczną. Najbardziej naturalną metodą matematycznej reprezentacji relacji międzyludzkich są grafy: wierzchołkami grafu są ludzie, a krawędzie określają, czy dane osoby mają ze sobą kontakt. Połączenie teorii grafów z rachunkiem prawdopodobieństwa pozwala stworzyć dokładny i praktyczny model propagacji informacji.

### 1.2 Cel pracy

Celem niniejszej pracy jest

- teoretyczna analiza procesów losowej propagacji w grafach,
- wyznaczenie rozkładu prawdopodobieństwa propagacji na wybranych rodzinach grafów,
- symulacja propagacji w środowisku komputerowym w celu zweryfikowania wyników teoretycznych.

### 1.3 Zakres pracy

Praca obejmuje:

- wstęp teoretyczny z zakresu teorii grafów i rachunku prawdopodobieństwa,
- opis badanych modeli propagacji: SI, SIR, SIS,
- implementację symulacji w Pythonie/C++,
- analizę wyników i wnioski dotyczące wpływu struktury grafu na propagację.

# Rozdział 2

## Podstawy matematyczne

### 2.1 Podstawowe pojęcia grafów

**Definicja 1.** Grafem *nieskierowanym* nazywamy parę  $G = (V, E)$ , gdzie  $V$  jest zbiorem wierzchołków, a  $E \subseteq \{\{u, v\} : u, v \in V, u \neq v\}$  jest zbiorem krawędzi. Dla wierzchołków  $u, v \in V$  istnieje krawędź pomiędzy nimi wtedy i tylko wtedy, gdy  $\{u, v\} \in E$ . Takie wierzchołki nazywamy *incydentnymi*.

**Definicja 2.** Dla  $v \in V$  *stopniem wierzchołka*  $v$  nazywamy liczbę wierzchołków z nim sąsiadujących i oznaczamy przez  $\deg(v)$ . Przez  $\delta(G)$  oznaczamy najmniejszy, a przez  $\Delta(G)$  największy stopień wierzchołka w grafie  $G$ .

**Definicja 3.** *Sąsiedztwem* wierzchołka  $v$  nazywamy zbiór wszystkich wierzchołków z nim incydentnych:

$$N(v) = \{u \in V : \{u, v\} \in E\}.$$

**Definicja 4.** *Ścieżką* w grafie  $G$  nazywamy ciąg wierzchołków  $v_1, v_2, \dots, v_\ell$  taki, że

$$\forall i \in \{1, \dots, \ell - 1\} \quad \{v_i, v_{i+1}\} \in E.$$

Zbiór wszystkich ścieżek pomiędzy wierzchołkami  $u, v$  oznaczamy przez  $\Pi(u, v)$ .

**Definicja 5.** *Długością ścieżki* nazywamy liczbę krawędzi w niej występujących. Długość ścieżki  $v_1, \dots, v_\ell$  jest równa  $\ell - 1$ .

**Definicja 6.** Graf  $G$  nazywamy *spójnym*, jeśli pomiędzy każdą parą wierzchołków  $u, v \in V$  istnieje ścieżka.

**Definicja 7.** Dla grafu spójnego  $G$  definiujemy odległość między  $u$  oraz  $v$  dla  $u, v \in V$  jako długość najkrótszej ścieżki pomiędzy  $u$  i  $v$ . Oznaczamy ją  $d(u, v)$ .

**Definicja 8.** Niech  $G$  będzie grafem a  $u \in V$ . **Ekscentrycznością**  $u$  nazywamy  $\epsilon(u) = \max_{v \in V} d(u, v)$ .

## 2.2 Rodziny grafów

**Definicja 9.** Graf **ścieżkowy**  $P_n$  to graf o wierzchołkach  $v_1, \dots, v_n$  i krawędziach

$$E = \{\{v_i, v_{i+1}\} : 1 \leq i \leq n-1\}.$$

**Definicja 10.** Graf **gwiazda**  $S_n$  to graf o wierzchołkach  $v_0, v_1, \dots, v_n$  i krawędziach

$$E = \{\{v_0, v_i\} : 1 \leq i \leq n-1\}.$$

**Definicja 11.** Graf **pełny**  $K_n$  to graf o wierzchołkach  $v_1, \dots, v_n$ , w którym każdy wierzchołek jest połączony z każdym innym:

$$E = \{\{u, v\} : u, v \in V, u \neq v\}.$$

**Definicja 12.** Graf **cykliczny**  $C_n$  to graf o wierzchołkach  $v_1, \dots, v_n$  i krawędziach

$$E = \{\{v_i, v_{i+1}\} : 1 \leq i \leq n-1\} \cup \{\{v_n, v_1\}\}.$$

**Definicja 13.** **Drzewo** to dowolny graf spójny i acykliczny.

**Definicja 14.** Niech  $G = (V, E)$  będzie drzewem. Wierzchołek  $v \in V$  nazywamy **liściem** jeśli  $\deg(v) = 1$ .

**Fakt 1.** Niech  $G = (V, E)$  będzie drzewem. Wtedy:

- $|E| = |V| - 1$ .
- Każde dwa wierzchołki są połączone dokładnie jedną ścieżką.
- Dodanie dowolnej krawędzi do drzewa tworzy dokładnie jeden cykl.
- Usunięcie dowolnej krawędzi z drzewa powoduje, że graf przestaje być spójny.
- Istnieje co najmniej jeden liść.

## 2.3 Pojęcie prawdopodobieństwa

**Definicja 15.** Niech  $\Omega$  będzie niepustym zbiorem. Zbiór  $\mathcal{F} \subseteq \mathcal{P}(\Omega)$  nazywamy  $\sigma$ -**algebrą** na  $\Omega$ , jeżeli spełnia następujące warunki:

- (1)  $\Omega \in \mathcal{F}$ ,
- (2) jeśli  $A \in \mathcal{F}$ , to  $A^c \in \mathcal{F}$ ,
- (3) jeśli  $(A_n)_{n \in \mathbb{N}} \subseteq \mathcal{F}$ , to  $\bigcup_{n \in \mathbb{N}} A_n \in \mathcal{F}$ .

**Fakt 2.** Z powyższej definicji wynikają natychmiastowe własności:

- $\emptyset \in \mathcal{F}$ ,
- jeśli  $(A_n)_{n \in \mathbb{N}} \subseteq \mathcal{F}$ , to  $\bigcap_{n \in \mathbb{N}} A_n \in \mathcal{F}$ ,
- jeśli  $A, B \in \mathcal{F}$ , to  $A \cup B, A \cap B, A \setminus B \in \mathcal{F}$ .

**Definicja 16.** **Przestrzenią probabilistyczną** nazywamy trójkę  $(\Omega, \mathcal{F}, \mathbb{P})$ , gdzie:

- $\Omega$  — przestrzeń zdarzeń elementarnych,
- $\mathcal{F}$  —  $\sigma$ -ciąło podzbiorów  $\Omega$ ,
- $\mathbb{P} : \mathcal{F} \rightarrow [0; 1]$  — funkcja prawdopodobieństwa.

Funkcja  $\mathbb{P}$  spełnia następujące **aksjomaty prawdopodobieństwa**:

- (1)  $\mathbb{P}[\emptyset] = 0$ ,
- (2)  $\mathbb{P}[\Omega] = 1$ ,
- (3) dla dowolnej rodziny rozłącznych zbiorów  $(E_n)_{n \in \mathbb{N}} \subseteq \mathcal{F}$  zachodzi

$$\mathbb{P} \left[ \bigcup_{n \in \mathbb{N}} E_n \right] = \sum_{n \in \mathbb{N}} \mathbb{P}[E_n].$$

**Fakt 3.** Z aksjomatów prawdopodobieństwa wynika kilka użytecznych własności. Mianowicie dla  $A, B \in \mathcal{F}$ :

- $\mathbb{P}[A^c] = 1 - \mathbb{P}[A]$ ,
- jeśli  $A \subseteq B$ , to  $\mathbb{P}[A] \leq \mathbb{P}[B]$ ,
- $\mathbb{P}[A \cup B] = \mathbb{P}[A] + \mathbb{P}[B] - \mathbb{P}[A \cap B]$ .

## 2.4 Zmienne losowe

**Definicja 17.** *Dyskretną zmienną losową nazywamy funkcję  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{R}$ , której obraz  $\text{im}(X)$  jest zbiorem przeliczalnym. W tej pracy interesują nas tylko dyskretne zmienne losowe, których obraz jest podzbiorem  $\mathbb{N}$ . Także od teraz na taką dyskretną zmienną losową będziemy mówić po prostu zmienna losowa.*

**Definicja 18.** *Dystrybuantą (ang. Cumulative Distribution Function, CDF) zmiennej losowej  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  nazywamy funkcję*

$$F_X(t) = \mathbb{P}[X \leq t], \quad t \in \mathbb{R}.$$

**Definicja 19.** *Niech  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będzie zmienną losową. Funkcje*

$$\rho_X(k) = \mathbb{P}[X = k], \quad k \in \mathbb{N}$$

*nazywamy **funkcją masy prawdopodobieństwa** (ang. Probability Mass Function, PMF)*

**Definicja 20.** *Wartością oczekiwaną (średnią) zmiennej losowej  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  nazywamy*

$$\mathbb{E}[X] = \sum_{k=0}^{\infty} k \cdot \mathbb{P}[X = k],$$

*o ile szereg ten jest zbieżny bezwzględnie.*

**Fakt 4.** *Niech  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będzie zmienną losową. Wtedy*

$$\mathbb{E}[X] = \sum_{k=1}^{\infty} \mathbb{P}[X \geq k]$$

**Definicja 21.** *Wariancją zmiennej losowej  $X : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  nazywamy*

$$\text{Var}[X] = \mathbb{E}[X^2] - \mathbb{E}[X]^2.$$

**Definicja 22.** *Niech  $X, Y : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą zmiennymi losowymi. Mówimy, że  $X$  i  $Y$  są **niezależne**, jeśli dla dowolnych wartości  $x \in \text{im}(X)$  oraz  $y \in \text{im}(Y)$  zachodzi:*

$$\mathbb{P}[X = x \wedge Y = y] = \mathbb{P}[X = x] \cdot \mathbb{P}[Y = y].$$

**Definicja 23.** *Niech  $X_1, X_2, \dots, X_n : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą zmiennymi losowymi. Mówimy, że są one **niezależne i o jednakowych rozkładach** (ang. Independent and Identically Distributed, IID) jeśli:*



- $F_{X_i} = F_{X_j}$  dla  $1 \leq i, j \leq n$
- Zmienne  $X_i, X_j$  są niezależne dla  $i \neq j$

**Fakt 5.** Niech  $X_1, X_2, \dots, X_n : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą IID o CDF równej  $F_X$ . Zdefiniujmy zmienną losową  $Y = \max\{X_1, X_2, \dots, X_n\}$ . Wtedy

$$F_Y(t) = F_X^n(t)$$

**Fakt 6.** Niech  $X_1, X_2, \dots, X_n : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą IID o CDF równej  $F_X$ . Zdefiniujmy zmienną losową  $Y = \min\{X_1, X_2, \dots, X_n\}$ . Wtedy

$$F_Y(t) = 1 - (1 - F_X(t))^n$$

**Fakt 7.** Niech  $X, Y : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą zmiennymi losowymi takim, że  $X(\omega) \leq Y(\omega)$  dla każdego  $\omega \in \Omega$ . Wtedy.

$$\mathbb{E}[X] \leq \mathbb{E}[Y]$$

**Fakt 8** (Nierówność Jensena dla wartości oczekiwanej). Niech  $g : \mathbb{R}^n \rightarrow \mathbb{R}$  będzie funkcją wypukłą oraz  $X_1, X_2, \dots, X_n : \Omega \rightarrow \mathbb{N}$  będą zmiennymi losowymi (niekoniecznie niezależnymi). Wtedy

$$g(\mathbb{E}[X_1], \dots, \mathbb{E}[X_n]) \leq \mathbb{E}[g(X_1, \dots, X_n)]$$

## 2.5 Znane rozkłady prawdopodobieństwa

**Definicja 24.** *Próba Bernoulliego* to doświadczenie losowe, którego wynik może być jednym z dwóch:

- sukces z prawdopodobieństwem  $p \in (0; 1)$
- porażka z prawdopodobieństwem  $1 - p$

Zmienna losowa przyjmująca wartość 1 w przypadku sukcesu i 0 w przypadku porażki ma **rozkład Bernoulliego** oznaczany przez  $\text{Ber}(p)$ .

**Definicja 25.** **Rozkład dwumianowy** opisuje liczbę sukcesów w  $n$  próbach Bernoulliego. Niech  $X$  będzie zmienną losową przyjmującą wartości w  $\{0, 1, \dots, n\}$ , a każda próba ma prawdopodobieństwo sukcesu  $p \in (0; 1)$ . Wtedy:

$$\mathbb{P}[X = k] = \binom{n}{k} p^k (1 - p)^{n-k}, \quad k \in \{0, 1, \dots, n\}.$$

Wartość oczekiwana i wariancja mają postać:

- $\mathbb{E}[X] = np$
- $\text{Var}[X] = np(1 - p)$

Oznaczamy:  $X \sim \text{Bin}(n, p)$ .

**Definicja 26.** *Rozkład geometryczny opisuje liczbę prób Bernoulliego potrzebnych do uzyskania pierwszego sukcesu. Niech  $X$  będzie zmienną losową przyjmującą wartości w  $\mathbb{N}_+ = \{1, 2, 3, \dots\}$ , a każda próba ma prawdopodobieństwo sukcesu  $p \in (0; 1)$ . Wtedy:*

$$\mathbb{P}[X = k] = p(1 - p)^{k-1}, \quad k \in \mathbb{N}_+.$$

Dystrybuanta jest równa  $\mathbb{P}[X \leq t] = 1 - (1 - p)^t$ . Wartość oczekiwana i wariancja mają postać:

- $\mathbb{E}[X] = \frac{1}{p}$
- $\text{Var}[X] = \frac{1-p}{p^2}$

Oznaczamy:  $X \sim \text{Geo}(p)$ .

**Definicja 27.** *Rozkład ujemny dwumianowy (negative binomial) opisuje liczbę prób Bernoulliego potrzebnych do uzyskania  $m$  sukcesów. Niech  $X$  oznacza liczbę prób, przy czym każda próba ma prawdopodobieństwo sukcesu  $p \in (0; 1)$ , a liczba sukcesów  $m \in \mathbb{N}_+$  jest ustalona. Wtedy:*

$$\mathbb{P}[X = k] = \binom{k-1}{m-1} p^m (1-p)^{k-m}, \quad k \geq m.$$

Wartość oczekiwana i wariancja mają postać:

- $\mathbb{E}[X] = \frac{m}{p}$
- $\text{Var}[X] = \frac{m(1-p)}{p^2}$

Oznaczamy:  $X \sim \text{NegBin}(m, p)$ .

**Fakt 9.** *Niech  $X_1, X_2, \dots, X_m$  będą niezależnymi zmiennymi losowymi o rozkładzie geometrycznym  $\text{Geo}(p)$  oraz  $Y = X_1 + X_2 + \dots + X_m$ . Wtedy  $Y \sim \text{NegBin}(m, p)$ .*

## 2.6 Tożsamości i nierówności

**Fakt 10.** Niech  $a, b \in \mathbb{N}$ ,  $a < b$  oraz  $f : [a; b] \rightarrow \mathbb{R}$  będzie funkcją ciągłą i monotoniczną. Jeśli  $f$  jest rosnąca to

$$\int_a^b f(x) \, dx \leq \sum_{k=a}^b f(k) \leq f(b) + \int_a^b f(x) \, dx$$

Jeśli  $f$  jest malejąca to

$$\int_a^b f(x) \, dx \leq \sum_{k=a}^b f(k) \leq f(a) + \int_a^b f(x) \, dx$$

**Fakt 11.** Niech  $n \in \mathbb{N}$  oraz  $x, y \in \mathbb{C}$ . Wtedy

$$\sum_{k=0}^n \binom{n}{k} x^k y^{n-k} = (x + y)^n$$

**Fakt 12.** Niech  $n \in \mathbb{N}$  oraz  $x, y \in \mathbb{C}$ . Wtedy

$$\sum_{k=0}^n k \binom{n}{k} x^k y^{n-k} = nx(x + y)^{n-1}$$

**Fakt 13.** Niech  $H_n$  oznacza  $n$ -tą liczbę harmoniczną. Wtedy

$$H_n \leq 1 + \log(n)$$

**Fakt 14** (Nierówność między średnimi). Niech  $x_1, x_2, \dots, x_n \geq 0$ . Wtedy

$$\sqrt[n]{x_1 x_2 \cdots x_n} \leq \frac{x_1 + x_2 + \cdots + x_n}{n}$$

Równoważnie możemy zapisać

$$\log(x_1 x_2 \cdots x_n) \leq n \cdot \log \left( \frac{x_1 + x_2 + \cdots + x_n}{n} \right)$$

**Fakt 15.** Niech  $x \in (0; 1)$ . Wtedy

$$\frac{1}{\log(\frac{1}{1-x})} \leq \frac{1}{x}$$

## Rozdział 3

# Modele propagacji losowej

Dany jest graf spójny nieskierowany  $G = (V, E)$ . Propagacja na takim grafie jest procesem stochastycznym. Zakładamy, że czas dla tego procesu jest dyskretny i mierzony w jednostkach naturalnych, zatem za zbiór chwil przyjmujemy  $\mathbb{N}$ . Niech  $\mathcal{Q}$  będzie skończonym zbiorem stanów, jakie mogą przyjmować wierzchołki  $G$ . W każdej chwili  $t \in \mathbb{N}$  każdy wierzchołek  $v \in V$  znajduje się w pewnym stanie  $Q \in \mathcal{Q}$ . Definiujemy zmienną losową  $\mathbf{X} : \mathbb{N} \times V \rightarrow \mathcal{Q}$ , taką, że  $\mathbf{X}_t(v) = Q$  wtedy i tylko wtedy, gdy wierzchołek  $v$  w chwili  $t$  znajduje się w stanie  $Q$ .

### 3.1 Model SI

Model **Susceptible–Infected (SI)** opisuje propagację w sieci, w której każdy wierzchołek znajduje się w jednym z dwóch stanów: podatny ( $S$ ) lub zainfekowany ( $I$ ). Początkowo ustalony wierzchołek  $s \in V$  znajduje się w stanie  $I$ , natomiast pozostałe wierzchołki są w stanie  $S$ . W każdej jednostce czasu dowolny zainfekowany wierzchołek może zarazić każdego swojego sąsiada z prawdopodobieństwem  $p$ , dla ustalonego  $p \in (0; 1)$ . Wierzchołek raz zainfekowany pozostaje w tym stanie na zawsze. W modelu **SI** liczba zainfekowanych wierzchołków jest funkcją niemalejącą w czasie. Dla uproszczenia notacji kładziemy

- $q = 1 - p$ ,
- $\mathcal{S}_t = \{v \in V : \mathbf{X}_t(v) = S\}$ ,
- $\mathcal{I}_t = \{v \in V : \mathbf{X}_t(v) = I\}$ .

Mamy  $\mathcal{Q} = \{S, I\}$  oraz

$$\mathbf{X}_0(v) = \begin{cases} I, & \text{jeśli } v = s, \\ S, & \text{jeśli } v \neq s. \end{cases}$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = 1 - \prod_{v \in \mathcal{N}(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = S \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = \prod_{v \in \mathcal{N}(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = 1,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = S \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = 0.$$

Zdefiniujmy teraz zmienne losowe opisujące istotne własności. Dla każdego  $v \in V$  zdefiniujmy zmienną losową

$$X_v = \min\{t \in \mathbb{N} : \mathbf{X}_t(v) = I\},$$

która określa pierwszą chwilę czasu zarażenia wierzchołka  $v$ . Jeśli taka chwila nie istnieje (tzn. w danym przebiegu procesu wierzchołek  $v$  nigdy się nie zarazi), to przyjmujemy  $X_v = \infty$ . Zauważmy, że dla każdego  $t \in \mathbb{N}$  zachodzi  $\mathbb{P}[\mathbf{X}_t(v) = I] = \mathbb{P}[X_v \leq t]$ .

Następnie definiujemy zmienną losową

$$Y_t = |\mathcal{I}_t|$$

oznaczającą liczbę zainfekowanych wierzchołków w chwili  $t$ .

Dodatkowo definiujemy zmienną losową opisującą czas całkowitego zarażenia grafu:

$$Z = \max_{v \in V} X_v$$

W modelu **SI** interesują nas następujące wielkości:

- rozkład prawdopodobieństwa zmiennych  $X_v$ ,  $Y_t$  oraz  $Z$
- wartości oczekiwane zmiennych,  $\mathbb{E}[X_v]$ ,  $\mathbb{E}[Y_t]$  oraz  $\mathbb{E}[Z]$
- ograniczenia dolne, górne oraz asymptotyka powyższych wartości oczekiwanych kiedy wyznaczenie ich dokładnie wartości nie będzie możliwe

### 3.2 Model SIS

Model **Susceptible–Infected–Susceptible (SIS)** rozszerza model **SI** o powracanie wierzchołków zarażonych do stanu podatnego. Wierzchołek zainfekowany może powrócić do stanu podatnego z prawdopodobieństwem  $\alpha \in (0; 1)$ . Dla uproszczenia notacji kładziemy  $\beta = 1 - \alpha$ . W modelu **SIS** liczba zainfekowanych wierzchołków może oscylować w czasie i nie musi osiągnąć stanu pełnego zakażenia.

Mamy  $\mathcal{Q} = \{S, I\}$  oraz

$$\mathbf{X}_0(v) = \begin{cases} I, & \text{jeśli } v = s, \\ S, & \text{jeśli } v \neq s. \end{cases}$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = 1 - \prod_{v \in N(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = S \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = \prod_{v \in N(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = \beta,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = S \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = \alpha.$$

### 3.3 Model SIR

Model **Susceptible–Infected–Recovered (SIR)** rozszerza model **SI** o dodanie trzeciego stanu. Stanem tym jest  $R$  (Recovered). Stan  $R$  jest trwały — wierzchołek, który wyzdrowiał, nie może już ani się zarazić, ani nikogo zakazić. Zarażony wierzchołek może przejść z  $I$  do stanu  $R$  z prawdopodobieństwem  $\gamma \in (0; 1)$ . Dla uproszczenia notacji kładziemy

- $\delta = 1 - \gamma$ ,
- $\mathcal{R}_t = \{v \in V : \mathbf{X}_t(v) = R\}$ .

Mamy  $\mathcal{Q} = \{S, I, R\}$  oraz

$$\mathbf{X}_0(v) = \begin{cases} I, & \text{jeśli } v = s, \\ S, & \text{jeśli } v \neq s. \end{cases}$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = 1 - \prod_{v \in \mathbf{N}(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = S \mid \mathbf{X}_t(u) = S] = \prod_{v \in \mathbf{N}(u) \cap \mathcal{I}_t} q,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = R \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = \gamma,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = I \mid \mathbf{X}_t(u) = I] = \delta,$$

$$\mathbb{P}[\mathbf{X}_{t+1}(u) = Q \mid \mathbf{X}_t(u) = R] = \begin{cases} 1, & \text{dla } Q = R, \\ 0, & \text{dla } Q \in \{S, I\}. \end{cases}$$

## Rozdział 4

# Analiza modelu SI

### 4.1 Dwa wierzchołki, jedna krawędź

Na samym początku rozważmy najprostrzy graf, czyli o dwóch wierzchołkach  $u, v$  połączonych krawędzią. Za wierzchołek startowy wybierzmy  $u$ . W tym przypadku istnieją tylko dwa możliwe stany systemu:  $(I, S)$  oraz  $(I, I)$ . Przejście ze stanu  $(I, S)$  do  $(I, I)$  następuje z prawdopodobieństwem  $p$  w każdej jednostce czasu. Zatem czas zarażenia drugiego wierzchołka  $X_v$  ma rozkład geometryczny,  $X_v \sim \text{Geo}(p)$ . Jeśli chodzi o rozkład  $Y_t$  to mamy:

- $\mathbb{P}[Y_t = 1] = q^t$ , bo próba zarażenia musiałaby nie udać się  $t$  razy
- $\mathbb{P}[Y_t = 2] = 1 - q^t$

Stąd  $\mathbb{E}[Y_t] = 1 \cdot q^t + 2 \cdot (1 - q^t) = 2 - q^t$ . Jeśli chodzi o zmienną  $Z$  to zachodzi  $Z = \max\{X_u, X_v\} = X_v$  a więc również  $Z \sim \text{Geo}(p)$ .

### 4.2 Analiza dla grafów $P_n$

Jako pierwszą rodzinę grafów rozważmy grafy ścieżkowe  $P_n$ . Bez straty ogólności niech  $V = \{1, 2, \dots, n\}$ . Założmy, że proces zaczyna się w wierzchołku  $s = 1$ . Zatem infekcja rozchodzi się po grafie "od lewej do prawej". Dla tej rodziny grafów uda nam się wyznaczyć dokładny rozkład prawdopodobieństwa.

Dla ścieżki  $P_n$  z wierzchołkiem początkowym  $s = 1$ , czasy zarażenia kolejnych wierzchołków tworzą ciąg zmiennych losowych

$$X_1 = 0, \quad X_k = X_{k-1} + U_k, \quad k \in \{2, 3, \dots, n\},$$

gdzie  $U_1, U_2, \dots, U_n \sim \text{Geo}(p)$  oraz  $U_1, U_2, \dots, U_n$  są niezależne.



Widzimy zatem, że

$$X_k \sim U_1 + U_2 + \cdots + U_{k-1},$$

a więc z Faktu 9  $X_k$  ma rozkład ujemny dwumianowy o parametrach  $(k-1, p)$ ,

$$X_k \sim \text{NegBin}(k-1, p).$$

Ponadto mamy:

- $\mathbb{E}[X_k] = \frac{k-1}{p},$
- $\text{Var}[X_k] = \frac{(k-1)(1-p)}{p^2}.$

Aby obliczyć rozkład  $Y_t$  zauważmy, że liczba dodatkowych zakażeń poza startowym wierzchołkiem do czasu  $t$  to po prostu liczba sukcesów w  $t$  niezależnych prób Bernoulliego. Musimy jednak pamiętać, że  $Y_t$  nie może przekroczyć  $n$ . Zatem mamy dokładnie

$$Y_t = \min\{n, 1 + B_t\}, \quad \text{gdzie} \quad B_t \sim \text{Bin}(t, p).$$

Pozwala to na wyznaczenie PMF dla  $Y_t$ :

Dla  $1 \leq k \leq n-1$  mamy:

$$\mathbb{P}[Y_t = k] = \mathbb{P}[B_t = k-1] = \binom{t}{k-1} p^{k-1} q^{t-k+1},$$

oraz dla  $k = n$  mamy:

$$\mathbb{P}[Y_t = n] = \mathbb{P}[B_t \geq n-1] = \sum_{j=n-1}^t \binom{t}{j} p^j q^{t-j}.$$

Przejdźmy teraz do obliczania wartości oczekiwanej  $Y_t$ :

$$\begin{aligned} \mathbb{E}[Y_t] &= \sum_{k=1}^{n-1} k \cdot \mathbb{P}[Y_t = k] + n \cdot \mathbb{P}[Y_t = n] \\ &= \sum_{k=1}^{n-1} k \cdot \binom{t}{k-1} p^{k-1} q^{t-k+1} + n \cdot \sum_{j=n-1}^t \binom{t}{j} p^j q^{t-j}. \end{aligned}$$

W pierwszej sumie podstawiamy  $j = k-1$ , co pozwala nam złączyć obie sumy i otrzymać:

$$\mathbb{E}[Y_t] = \sum_{j=0}^t \min\{n, 1+j\} \binom{t}{j} p^j q^{t-j}.$$

Policzmy teraz asymptotykę dla  $n \rightarrow \infty$ . Wtedy  $n > 1 + j$  dla wszystkich  $0 \leq j \leq t$ , a więc:

$$\lim_{n \rightarrow \infty} \mathbb{E}[Y_t] = \sum_{j=0}^t (1+j) \binom{t}{j} p^j q^{t-j}.$$

Rozdzielając sumę na dwa składniki, otrzymujemy:

$$\lim_{n \rightarrow \infty} \mathbb{E}[Y_t] = \sum_{j=0}^t \binom{t}{j} p^j q^{t-j} + \sum_{j=0}^t j \binom{t}{j} p^j q^{t-j}.$$

Korzystając z Faktu 11 oraz Faktu 12 otrzymujemy

$$(p+q)^t + tp(p+q)^{t-1} = 1 + tp$$

Zatem

$$\lim_{n \rightarrow \infty} \mathbb{E}[Y_t] = 1 + tp.$$

Czas całkowitego zainfekowania grafu  $P_n$  to  $Z = \max\{X_1, X_2, \dots, X_n\} = X_n$ . Zatem rozkład zmiennej  $Z$  jest już nam znany a wartość oczekiwana wynosi

$$\mathbb{E}[Z] = \frac{n-1}{p}.$$

### 4.3 Analiza dla grafów $S_n$

Następnie rozpatrzmy rodzinę grafów gwiazd  $S_n$ . Przyjmujemy  $V = \{0, 1, 2, \dots, n\}$  oraz, że wierzchołek 0 jest środkiem gwiazdy. W modelu dla tej rodziny zakładamy również  $s = 0$ . Propagacja rozchodzi się tutaj po każdym ramieniu gwiazdy niezależnie. Stąd mamy  $X_v \sim \text{Geo}(p)$  dla każdego  $v \in \{1, 2, \dots, n\}$ . Zauważmy ponadto, że zmienne  $X_1, X_2, \dots, X_n$  są od siebie niezależne.

Kwestia  $Y_t$  jest również dość prosta. Skoro każda propagacja działa na każdym wierzchołku niezależnie to zmienna  $Y_t$  jest wynikiem  $n$  prób Bernoulliego. Sukces pojedynczej próby to prawdopodobieństwo, że zmienna  $X_v$  o rozkładzie geometrycznym po co najwyżej  $t$  jednostkach czasu osiągnie swój sukces. A więc jest to  $\mathbb{P}[X_v \leq t] = 1 - q^t$ . Podsumowując mamy

$$Y_t \sim \text{Bin}(n, 1 - q^t)$$

Stąd oczywiście otrzymujemy

$$\mathbb{E}[Y_t] = n \cdot (1 - q^t).$$

Przejdźmy teraz to zmiennej  $Z$ . Przypomnijmy, że  $Z = \max\{X_1, X_2, \dots, X_n\}$ . Skoro zmienne te są IID, to z Faktu 5 mamy

$$\mathbb{P}[Z \leq t] = (1 - q^t)^n$$

Policzmy teraz wartość oczekiwaną  $Z$  na mocy Faktu 4:

$$\begin{aligned} \mathbb{E}[Z] &= \sum_{k=1}^{\infty} \mathbb{P}[Z \geq k] = \sum_{k=1}^{\infty} 1 - \mathbb{P}[Z \leq k-1] = \sum_{k=1}^{\infty} 1 - (1 - q^{k-1})^n \\ &= \sum_{k=0}^{\infty} 1 - (1 - q^k)^n = \sum_{k=0}^{\infty} \left( 1 - \sum_{j=0}^n \binom{n}{j} (-1)^j q^{kj} \right) = \sum_{k=0}^{\infty} \sum_{j=1}^n \binom{n}{j} (-1)^{j+1} q^{kj} \\ &= \sum_{j=1}^n \sum_{k=0}^{\infty} \binom{n}{j} (-1)^{j+1} (q^j)^k = \sum_{j=1}^n \binom{n}{j} \frac{(-1)^{j+1}}{1 - q^j}. \end{aligned}$$

Nie jest to jednak przyzwoity wynik i nie ma postaci zwartej. Spróbujmy zatem wyznaczyć asymptotykę  $\mathbb{E}[Z]$ . Skoro  $\mathbb{E}[Z] = \sum_{k=0}^{\infty} 1 - (1 - q^k)^n$  to z Faktu 10 możemy oszacować tę sumę. Połóżmy  $f(x) = 1 - (1 - e^{-\alpha x})^n$  gdzie  $\alpha = -\log(q)$ . Oczywiście  $f(0) = 1$ ,  $f(\infty) = 0$  oraz  $f$  jest malejąca a więc

$$\int_0^{\infty} f(x) dx \leq \mathbb{E}[Z] \leq 1 + \int_0^{\infty} f(x) dx$$

W celu obliczenia tej całki podstawmy  $u = 1 - e^{-\alpha x}$ . Wtedy  $du = \alpha e^{-\alpha x} dx$ , a więc  $dx = \frac{1}{\alpha(1-u)} du$ . Ponadto  $u(0) = 0$ ,  $u(\infty) = 1$  (bo  $\alpha > 0$ ). Zatem całka ma postać:

$$\int_0^{\infty} 1 - (1 - e^{-\alpha x})^n dx = \frac{1}{\alpha} \int_0^1 \frac{1 - u^n}{1 - u} du = \frac{1}{\alpha} \int_0^1 \sum_{j=0}^{n-1} u^j du = \frac{1}{\alpha} \sum_{j=0}^{n-1} \frac{1}{j+1} = \frac{H_n}{\alpha}.$$

Zauważmy, że  $-\log(q) = \log(\frac{1}{1-p})$  a więc ostatecznie dostajemy:

$$\frac{H_n}{\log(\frac{1}{1-p})} \leq \mathbb{E}[Z] \leq \frac{H_n}{\log(\frac{1}{1-p})} + 1$$

Mamy więc asymptotyczny przewidywany czas zarażenia grafu  $S_n$ .

$$\mathbb{E}[Z] \sim \frac{H_n}{\log(\frac{1}{1-p})}$$

## 4.4 Monotoniczność czasu zarażenia

Po rozważeniu tych dwóch rodzin grafów widzimy znaczną różnicę w wartościach oczekiwanych zmiennych  $Y_t$  oraz  $Z$ . Dla grafów ścieżkowych minimalna liczba rund potrzebnych do zainfekowania całego grafu wynosi  $t = n - 1$  natomiast dla gwiazd jest to zaledwie  $t = 1$ . Widzimy, że w pewnym sensie najlepszy przypadek sprzyjający szybkiej propagacji jest taki, w którym źródło  $s$  jest połączone z wszystkimi pozostałymi wierzchołkami grafu. Z drugiej strony najgorsza sytuacja ma miejsce jeśli istnieje daleko oddalony węzeł, szczególnie z mało liczbą ścieżek do niego prowadzących, tak jak dla grafów ścieżkowych. Teraz postaramy się uogólnić tę obserwację.

**Twierdzenie 1.** *Niech  $G = (V, E)$  będzie grafem spójnym a  $G' = (V, E')$  spójnym podgrafem  $G$ . Załóżmy, że  $\mathbf{X}$  jest procesem stochastycznym w modelu SI na  $G$  oraz  $G'$  jednocześnie z tym samym źródłem  $s \in V$ . Jeśli przez  $Z$  oznaczymy czas całkowitego zarażenia  $G$  i odpowiednio przez  $Z'$  dla  $G'$  to wtedy zachodzi nierówność  $\mathbb{E}[Z] \leq \mathbb{E}[Z']$ .*

Intuicyjnie sprawa jest oczywista. Mając mniej krawędzi w grafie potrzebujemy więcej czasu na rozprzestrzenienie w nim informacji.

*Dowód.* Oznaczmy przez  $\mathcal{I}_t$  zainfekowane wierzchołki w  $G$  a przez  $\mathcal{I}'_t$  w  $G'$ . Wtedy  $\mathcal{I}'_t \subseteq \mathcal{I}_t$  dla dowolnego  $t \in \mathbb{N}$ . Ponadto mamy

- $Z = \min\{t \in \mathbb{N} : \mathcal{I}_t = V\}$
- $Z' = \min\{t \in \mathbb{N} : \mathcal{I}'_t = V\}$

Niech  $Z' = \tau$ . Wtedy  $\mathcal{I}'_\tau = V$  a więc  $V \subseteq \mathcal{I}_\tau$ . Zatem  $\mathcal{I}_\tau = V$  i  $Z \leq \tau$ . Korzystając z Faktu 7 dostajemy  $\mathbb{E}[Z] \leq \mathbb{E}[Z']$ .  $\square$

W praktyce oznacza to, że jeżeli znamy średni czas zainfekowania dowolnego podgrafu  $G$  to znamy ograniczenie górne na czas dla całego grafu.

## 4.5 Ograniczenia górne na $\mathbb{E}[Z]$

Postaramy się teraz oszacować z góry sensownie wartość  $\mathbb{E}[Z]$  dla dowolnego grafu.

**Twierdzenie 2.** *Niech  $G = (V, E)$  będzie grafem o  $n$  wierzchołkach zaś  $s \in V$  będzie ustalonym źródłem. Oznaczmy przez  $\ell = \epsilon(s)$ . Wtedy zachodzi*

$$\mathbb{E}[Z] \leq \ell + \ell \cdot \frac{\log\left(\frac{n-1}{\ell}\right) + 1}{\log\left(\frac{1}{1-p}\right)}$$

*Dowód.* Dla  $0 \leq j \leq \ell$  kładziemy  $A_j = \{v \in V : d(s, v) = j\}$  oraz  $n_j = |A_j|$ . Oczywiście  $n_0 = 1$  a więc  $n_1 + \dots + n_\ell = n - 1$ . Dalej zdefiniujemy zmienne losowe  $T_j = \min\{t \in \mathbb{N} : A_j \subseteq \mathcal{I}_t\}$ . Zmienna  $T_j$  określa czas potrzebny do zainfekowania wierzchołków oddalonych o  $j$  od źródła. Udowodnijmy najpierw przydatny lemat.

**Lemat 1.** *Niech  $U_j = T_j - T_{j-1}$  dla  $1 \leq j \leq \ell$ . Wtedy  $\mathbb{E}[U_j] \leq \frac{H_{n_j}}{\log(\frac{1}{1-p})} + 1$ .*

*Dowód.*  $U_j$  to czas potrzebny na zarażenie wierzchołków  $A_j$  podczas gdy  $A_{j-1}$  są już zarażone. Wybierzmy podgraf  $G'$  w taki sposób, żeby każdy wierzchołek  $z \in A_j$  był połączony dokładnie jedną krawędzią z którymś kolwiek z wierzchołków ze zbioru  $A_{j-1}$ . Wtedy rozkład propagacji na  $G'$  jest izomorficzny z tym dla  $S_{n_j}$  bo  $n_j = |A_j|$ . Z analizy propagacji dla grafów gwiazd otrzymujemy  $S_{n_j} \leq \frac{H_{n_j}}{\log(\frac{1}{1-p})} + 1$ . Natomiast z Twierdzenia 1 dostajemy porządkany wynik.  $\square$

Teraz możemy udowodnić ograniczenie na  $\mathbb{E}[Z]$ . Z monotoniczności propagacji mamy  $\mathbb{E}[Z] \leq \mathbb{E}[T_\ell]$  oraz  $T_\ell = \sum_{j=1}^\ell U_j$ . Mamy zatem

$$\begin{aligned}
\mathbb{E}[Z] &\leq \mathbb{E}[T_\ell] = \mathbb{E}\left[\sum_{j=1}^\ell U_j\right] = \sum_{j=1}^\ell \mathbb{E}[U_j] \leq \sum_{j=1}^\ell \frac{H_{n_j}}{\log(\frac{1}{1-p})} + 1 \\
&= \ell + \frac{1}{\log(\frac{1}{1-p})} \sum_{j=1}^\ell H_{n_j} \leq \ell + \frac{1}{\log(\frac{1}{1-p})} \sum_{j=1}^\ell 1 + \log(n_j) \\
&= \ell + \frac{\ell}{\log(\frac{1}{1-p})} \cdot \left(1 + \sum_{j=1}^\ell \log(n_j)\right) \\
&= \ell + \frac{\ell}{\log(\frac{1}{1-p})} \cdot \left(1 + \log\left(\prod_{j=1}^\ell n_j\right)\right) \\
&\leq \ell + \frac{\ell}{\log(\frac{1}{1-p})} \cdot \left(1 + \log\left(\frac{1}{\ell} \sum_{j=1}^\ell n_j\right)\right) \\
&= \ell + \frac{\ell}{\log(\frac{1}{1-p})} \cdot \left(1 + \log\left(\frac{n-1}{\ell}\right)\right) = \ell + \ell \cdot \frac{\log(\frac{n-1}{\ell}) + 1}{\log(\frac{1}{1-p})}.
\end{aligned}$$

gdzie w linii pierwszej wykorzystując z monotoniczności propagacji, w drugiej z Faktu 13 a w piątej z nierówności między średnimi (14).  $\square$

Porównajmy przed chwilą udowodnione twierdzenie z poprzednimi wynikami. Dla rodziny  $P_n$  mamy  $\ell = n - 1$ . Dodatkowo korzystając z Faktu 15 mamy

$$\mathbb{E}[Z] \leq n - 1 + (n - 1) \cdot \frac{1}{p}$$

Przypomnijmy, że faktyczna wartość oczekiwana jest równa  $\frac{n-1}{p}$  więc oszacowanie jest dość ostre. Z kolei dla rodziny  $S_n$  mamy  $\ell = 1$  oraz  $n + 1$  wierzchołków a więc

$$\mathbb{E}[Z] \leq 1 + \frac{\log(n) + 1}{\log(\frac{1}{1-p})}$$

Ponownie oszacowanie jest dość dokładne.

## 4.6 Analiza dla drzew

Rozważmy drzewo  $G = (V, E)$  oraz ustalony wierzchołek początkowy  $s \in V$ , który traktujemy jako korzeń drzewa. Dla  $v \in V$  oznaczmy  $d_v = d(s, v)$ . Skoro  $G$  jest drzewem to istnieje dokładnie jedna ścieżka od  $s$  do  $v$ , powiedzmy  $s, v_1, \dots, v_{d-1}, v$ . Ponieważ infekcja rozprzestrzenia się od korzenia  $s$  wzdłuż krawędzi drzewa, każde zakażenie wymaga sukcesu w niezależnym doświadczeniu Bernoulliego o prawdopodobieństwie  $p$ . W konsekwencji, aby infekcja dotarła z  $s$  do  $v$ , musi wystąpić  $d_v$  kolejnych sukcesów. Zatem rozkład  $X_v$  pokrywa się z rozkładem tej zmiennej dla grafu  $P_{d+1}$  na wierzchołkach  $\{s, v_1, \dots, v_{d-1}, v\}$ . Zatem

$$X_v \sim \text{NegBin}(d_v, p)$$

oraz

- $\mathbb{E}[X_v] = \frac{d_v}{p}$
- $\text{Var}[X_v] = \frac{d_v \cdot (1-p)}{p^2}$

**Lemat 2.** Dla dowolnego  $t \in \mathbb{N}$  wartość oczekiwana zmiennej  $Y_t$  wyraża się wzorem

$$\mathbb{E}[Y_t] = \sum_{v \in V} \mathbb{P}[X_v \leq t]$$

*Dowód.* Mamy  $Y_t = |\{v \in V : X_v \leq t\}|$  zatem  $Y_T = \sum_{v \in V} \mathbf{1}_{\{X_v \leq t\}}$ . Nakładając na tą równość operator  $\mathbb{E}$  otrzymujemy:

$$\mathbb{E}[Y_t] = \mathbb{E} \left[ \sum_{v \in V} \mathbf{1}_{\{X_v \leq t\}} \right] = \sum_{v \in V} \mathbb{E}[\mathbf{1}_{\{X_v \leq t\}}] = \sum_{v \in V} \mathbb{P}[X_v \leq t]$$

□

Przejdźmy teraz to obliczania średniej liczby zainfekowanych wierzchołków w czasie  $t$ . Oznaczmy przez  $F(t; m, p)$  CDF zmiennej o rozkładzie  $\text{NegBin}(m, p)$ . Z Lematu 2 otrzymujemy

$$\mathbb{E}[Y_t] = \sum_{v \in V} F(t; d_v, p)$$

Położmy  $n_j = |\{v \in V : d_v = j\}|$  dla  $0 \leq j \leq h$ . Wtedy

$$\mathbb{E}[Y_t] = \sum_{j=0}^h n_j \cdot F(t; j, p)$$

Ponadto gdy  $t < j \leq h$  to  $F(t; j, p)$  bo żaden wierzchołek w odległości od korzenia większej niż liczba rund od korzenia nie może zostać zarażony. Możemy więc zmniejszyć granice sumowania

$$\mathbb{E}[Y_t] = \sum_{j=0}^{\min\{h, t\}} n_j \cdot F(t; j, p)$$

Oszacujmy teraz średni czas całkowity czas propagacji drzewa. Niech  $\{u_1, \dots, u_m\}$  będą liśćmi w  $G$ . Wtedy mamy  $Z = \max_{1 \leq i \leq m} X_{u_i}$ . Zauważmy, że  $\epsilon(s) = \max_{1 \leq i \leq m} d_{u_i}$  i jest to wysokość drzewa. Oznaczmy ją przez  $h$ . Z nierówności Jensena (Fakt 8) dla funkcji  $\max\{x_1, \dots, x_m\}$  otrzymujemy

$$\mathbb{E}[Z] = \mathbb{E}[\max_{1 \leq i \leq m} X_{u_i}] \geq \max_{1 \leq i \leq m} \mathbb{E}[X_{u_i}] = \max_{1 \leq i \leq m} \frac{d_{u_i}}{p} = \frac{h}{p}$$

Największą wysokość ma drzewo, które jest ścieżka i wtedy  $h = n-1$ . Zgodnie z poprzednimi wyliczeniami jest to dobre oszacowanie. Aby ogarniczyć  $\mathbb{E}[Z]$  z góry skorzystamy z Twierdzenia 2:

$$\mathbb{E}[Z] \leq h + h \cdot \frac{\log(\frac{n-1}{h}) + 1}{\log(\frac{1}{1-p})}$$