Generative Model

2020. 09. 18

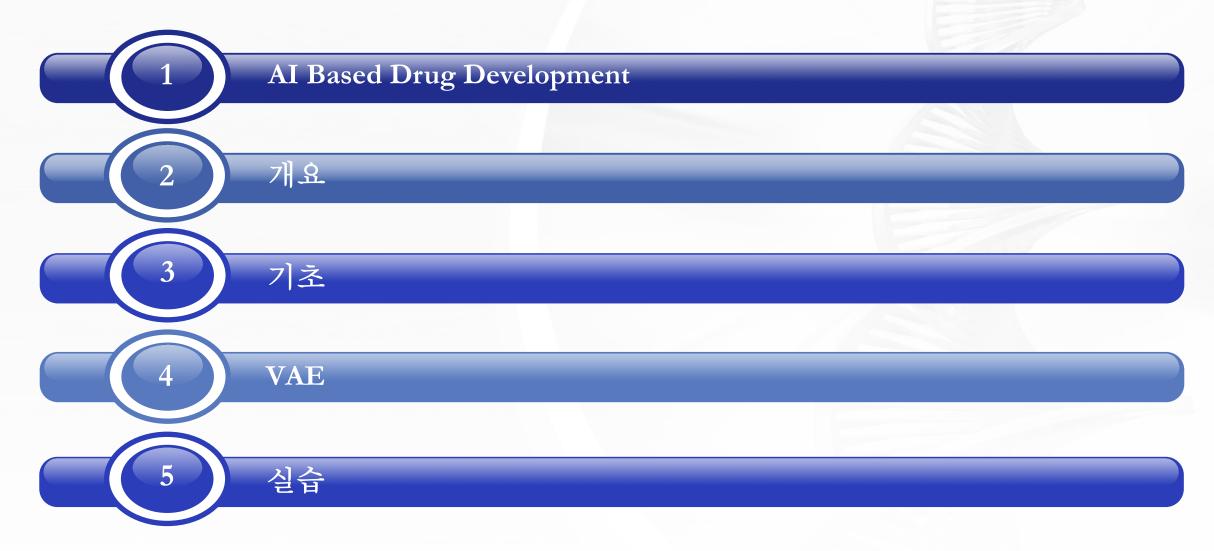
방준일



Korea AI Center for Drug Discovery and Development





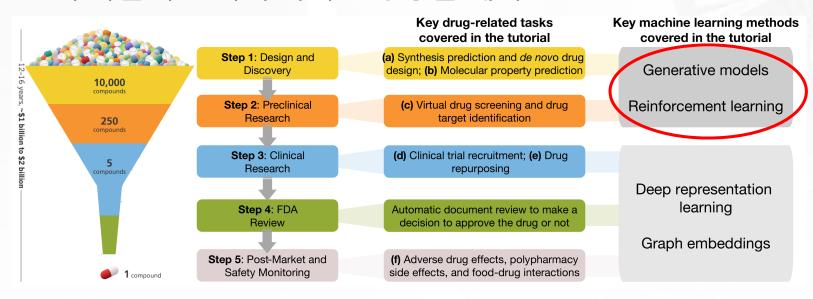


1. AI Based Drug Development



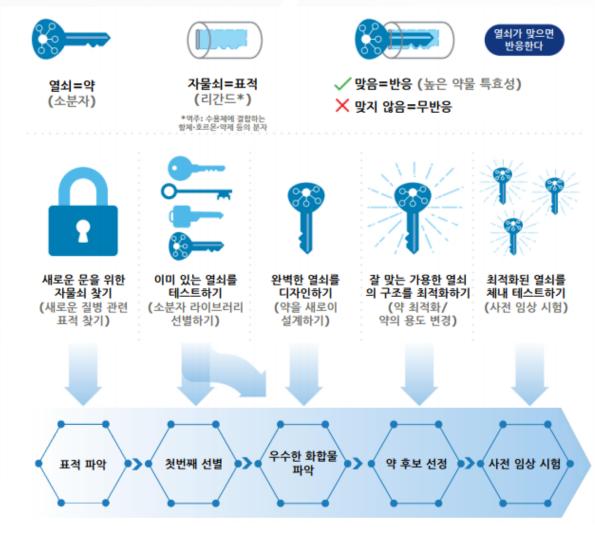
AI Based Drug Development

- a : 합성 예측 및 새로운 **약물 설계**, 복잡한 분자 합성을 지원하기 위해 화학적으로 올바른 구조를 생성
- b : 분자 특성 예측, 분자 데이터에서 효능, 생물 활성 및 독성과 같은 특성을 예측하여 분자의 치료 효과를 식별
- c : 가상 약물 스크리닝 및 약물 표적 식별, 약물이 표적 단백질에 결합하고 다운 스트림 활동에 영향을 줌으로써 약물이 인체에 미치는 영향을 예측









* 출처: 딜로이드 분석

2. 개요

Classification

■ 분류 문제에서 사용되는 모델은 크게 2가지

■ Discriminative Model – 판별 모델

■ Generative Model – 생성 모델



Discriminative Classifiers

- Logistic regression
- Scalar Vector Machine
- Traditional neural networks
- Nearest neighbour
- Conditional Random Fields (CRF)s

Generative classifiers

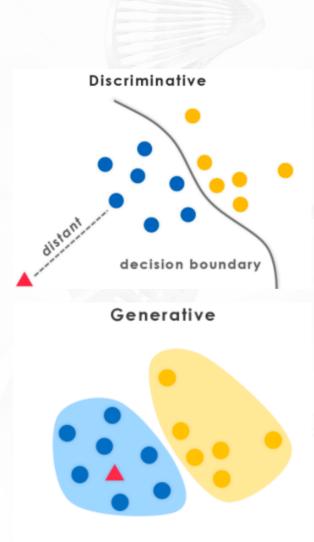
- Naïve Bayes
- Bayesian networks
- Markov random fields
- Hidden Markov Models (HMM)

Classification

한국인공지능신약개발지원센터 Korea Al Center for Drug Discovery and Development

- Class의 **차이점**에 주목하여 확률적 계산을 통해 판별
- 데이터가 충분할수록 좋은 성능
- 구분만이 목적, 본질에 대한 이해가 어려움

- Class의 **분포**(거리, 밀도 등)에 주목
- 데이터가 충분하지 않아도 성능을 보임
- 본질 파악 가능
- 유사 데이터 생성 가능







Loss 값의 계산과 Back Propagation(역전파) 학습이 어려움

■ 성능을 명확히 수치화하기 어려워 사용이 많지 않았음

• 여러 방식들의 활용 보고로 인하여 가능성이 조명을 받게 됨

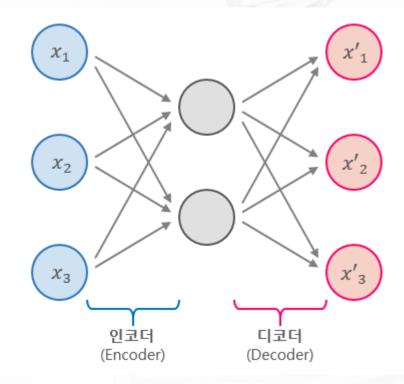
3. 기초





■ 자기 자신을 **재생산**하는 모델

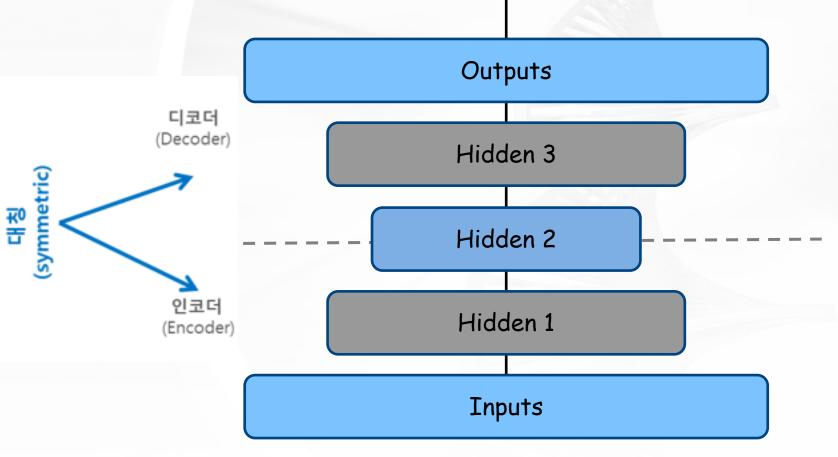
- Recognition network encoder
- Generative network decoder





한국인광지능신약개발지원센터
Korea Al Center for Drug Discovery and Development

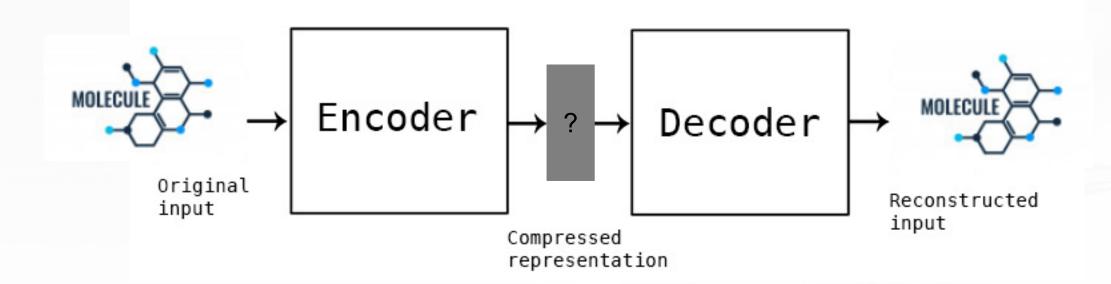
- Stacked Auto Encoder
- 여러 개의 히든 레이어를 가짐
- 보다 복잡한 학습 가능





한국인광지능신약개발지원센터
Korea Al Center for Drug Discovery and Development

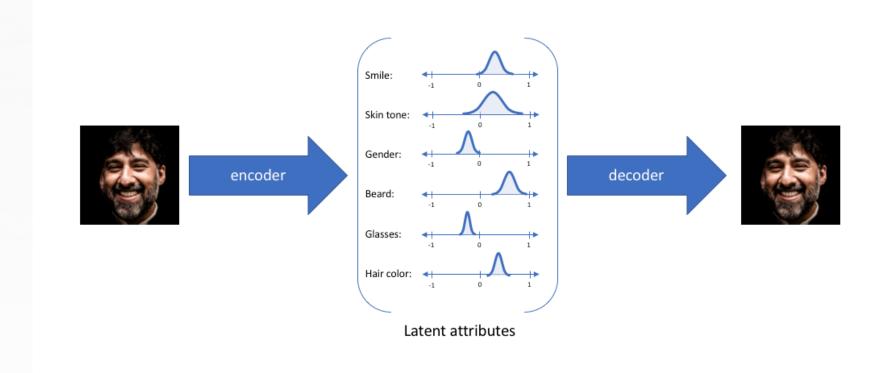
- 압축된 Latent Space는 input 데이터의 특징을 가지고 있음
- 해당 특징을 보존하여 output 생성



Auto Encoder

■그림 예시





참조: https://www.jeremyjordan.me/variational-autoencoders/



Auto Encoder

■ Data- Specific : 훈련된 데이터와 비슷한 데이터로만 압축 및 생성 가능

■ 자동적 학습 : 특정 입력값에 대하여 잘 작동하는 모델로 훈련

■ 손실 값 존재 : 압축 해제, 즉, 디코딩되어 생성된 값은 원본 보다 손실된 결과

방준일 (KAICD) September 18, 2020





■ Auto Encoder는 타 알고리즘들의 활용 빈도수 보다 낮았으며, 실제 응용이 드물었음

■ 다만, 비지도 학습의 문제를 풀어낼 KEY로 생각되었음

■ Deep Auto Encoder, Convolutional Auto Encoder, Sequence-to-sequence Auto Encoder(used RNN) 등의 방향으로 발전

4. VAE Korea AI Center for Drug Discovery and Development





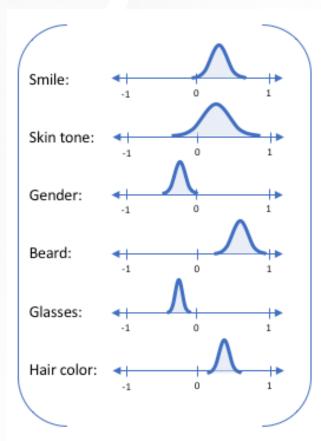
■ 제약 조건이 추가된 Auto Encoder

■ 입력 데이터에 대한 Latent Variable Model을 학습

■ 임의의 함수 학습 대신, 데이터를 모델링하는 확률 분포의 매개변수를 학습





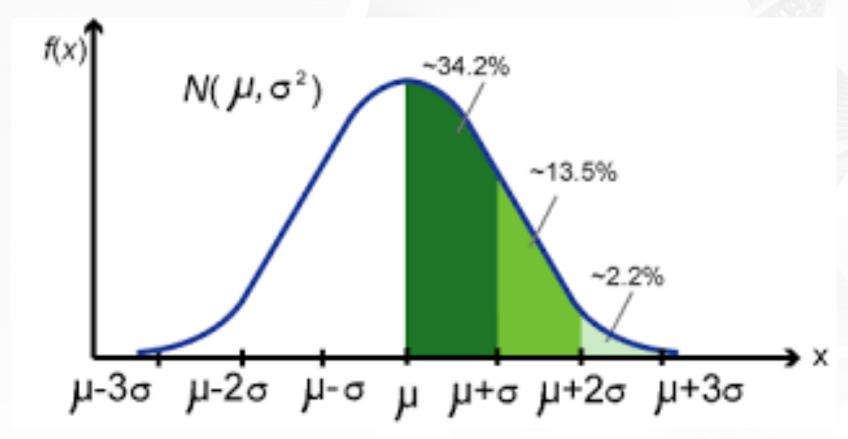


Latent attributes





$$z=\mu(x)+\sigma(x)\times\epsilon,\epsilon\sim N(0,1)$$



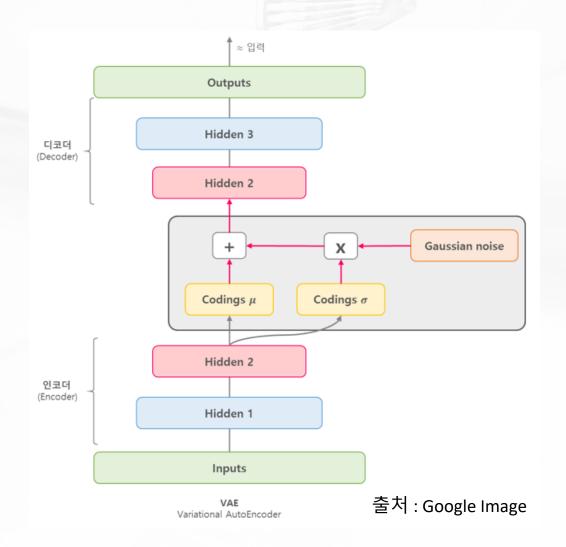
Variational Auto Encoder



■ 확률적 오토인코더 : 학습이 끝난 후에도 출력이 부분적으로 우연에 의해 결정 – 가우시안 노이즈 영향

■ 생성 오토인코더 : 데이터셋에서 샘플링 된 것과 같은 새로운 샘플을 생성 가능 – 가우시안 분포 영향

■ 2014년 D.Kingma와 M.Welling Auto-Encoding Variational Bayes







■ 보통의 Auto Encoder와 다르게, 주어진 입력에 추가적 연산

- 평균이 μ이고 표준편차가 σ 인 가우시안 분포에서 랜덤하게 샘플링 후, 디코더가 원본 입력으로 재구성
 - -> 가우시안 분포(정규분포)에서 샘플링 된 것처럼 보이는 연산 $z=\mu(x)+\sigma(x)\times\epsilon,\epsilon\sim N(0,1)$
- 학습하는 동안 손실함수가 가우시안 분포와 유사한 형태의 Latent Sapce(잠재변수 공간)을 따르도록 함

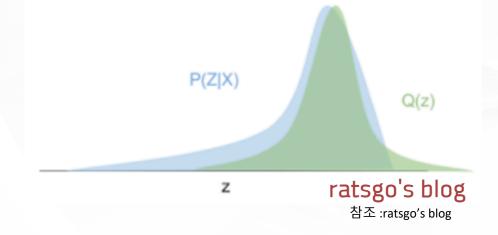




- KL Divergence 쿨백-라이블러 발산(Kullback-Leibler divergence, KLD)
- 두 확률분포의 차이를 계산하는 데 사용하는 함수

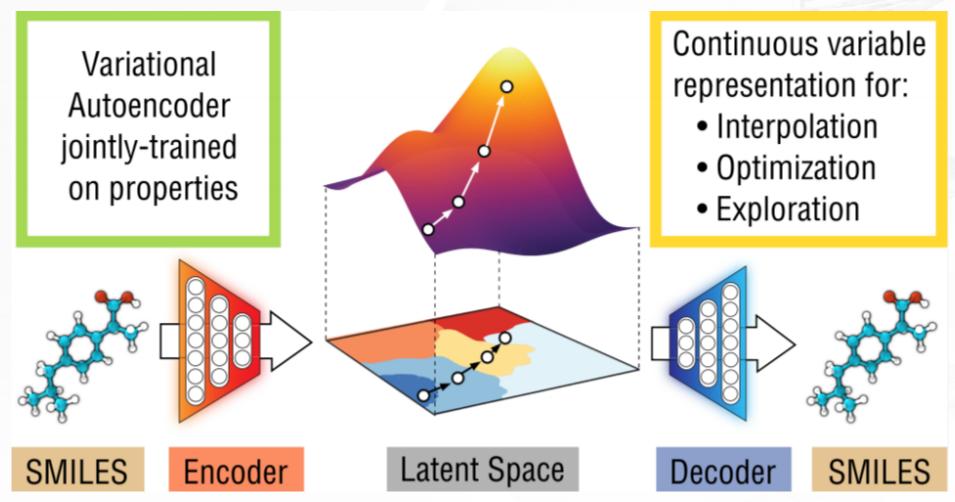
$$D_{KL}(P||Q) = E_{X \sim P} \left[\log \frac{P(x)}{Q(x)} \right] = E_{X \sim P} \left[-\log \frac{Q(x)}{P(x)} \right]$$

- 두 확률 분포의 차이를 줄이는 것으로 학습



Variational Auto Encoder

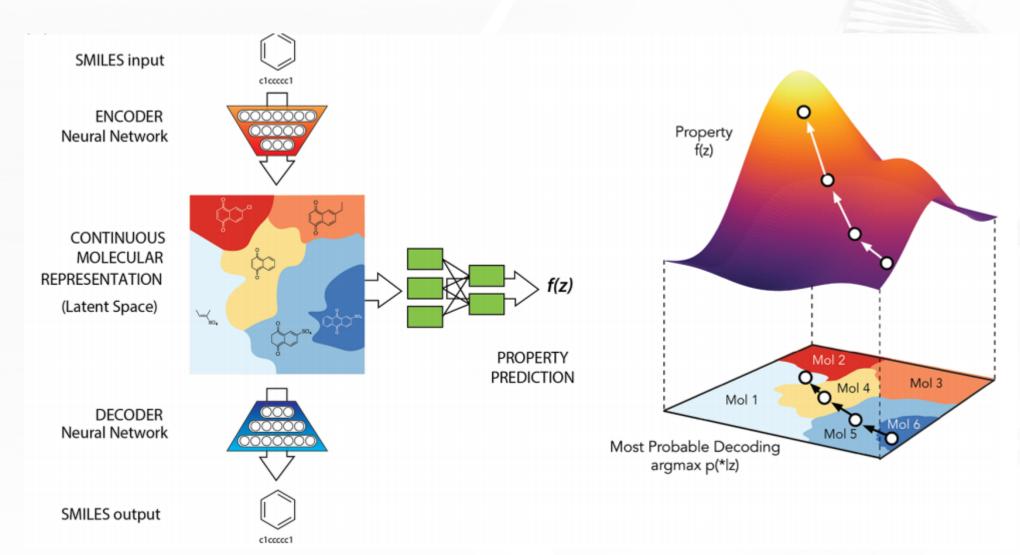




참조: Automatic Chemical Design Using a Data-Driven Continuous Representation of Molecules







참조 : Automatic Chemical Design Using a Data-Driven Continuous Representation of Molecules





■복잡한 데이터 생성 모델을 설계하고 대규모 set에 적응 할 수 있게 해줌

■VAE는 data 분포가 잘 학습되기만 하면 sampling (=data generation)이 자연스럽게 따라옴





■Generative Adversarial Networks (GAN) 의 특성 :

- Generator Model의 목적 자체가 어떤 data의 분포를 학습하는 것이 아님

- 진짜 같은 Sample을 Generate하는 것이 목적



Korea AI Center for Drug Discovery and Development

예제



- ■VAE 실습
- Automatic Chemical Design Using a Data-Driven Continuous Representation of Molecules - Rafael Gomez-Bombarelli, et al

https://nextjournal.com/a/MyupVXGXaCQxLpJfKKe1H/