

기계학습 개론

- Feature selection (특징 선택)

정보통신공학과

Prof. Jinkyu Kang



MYONGJI
UNIVERSITY

이번주 수업의 목차

- 특징 선택
 - 특징의 분별력
 - 특징 선택 문제의 이해
 - 탐색 알고리즘

들어가는 말

- 특징 선택
 - 원래 특징 벡터 $\mathbf{x}_{\text{org}} = (x_1, x_2, \dots, x_D)$ 에서 쓸모없거나 중복성이 강한 특징을 찾아 제거하는 작업
 - 차원을 낮추어 주므로 계산 속도 향상 그리고 일반화 능력 증대 효과

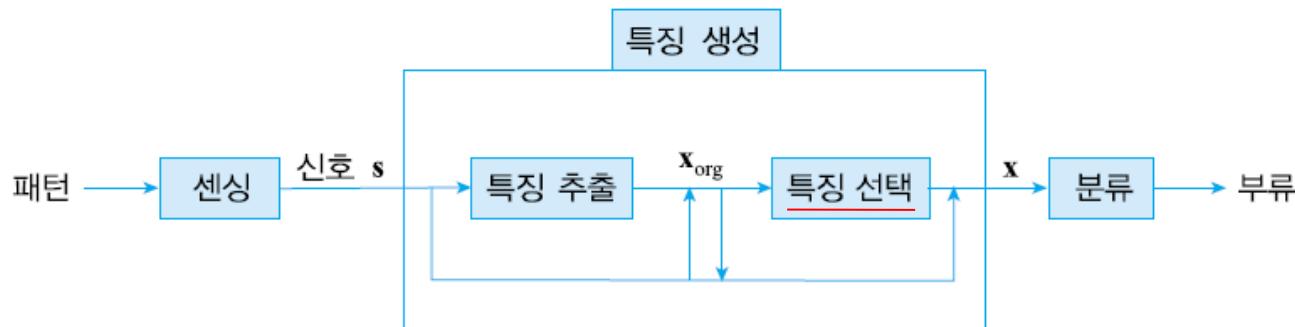
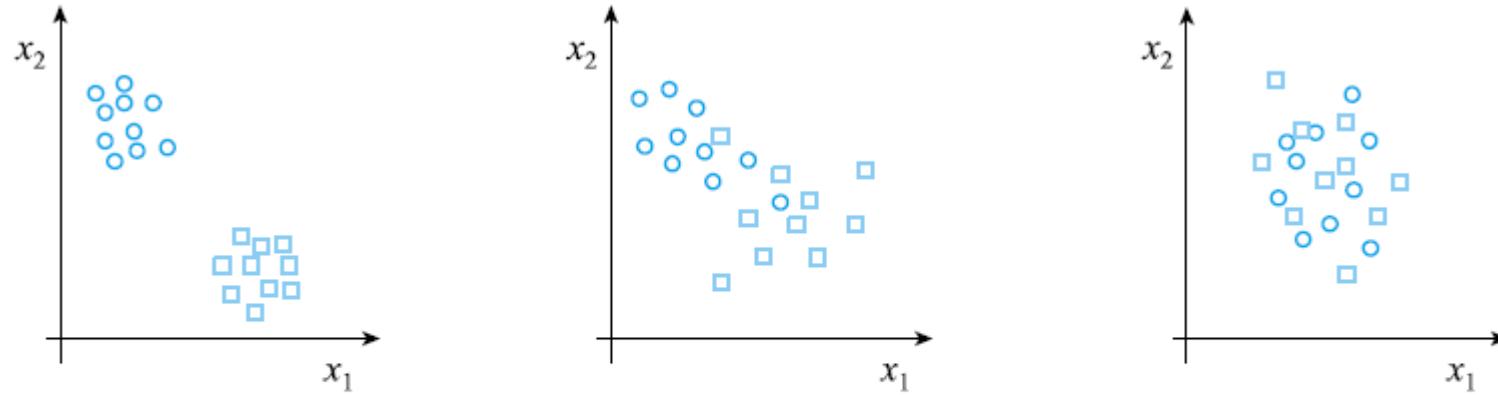


그림 8.2 특징 생성의 절차



특징의 분별력 | 직관적 이해



(a) 부류내 분산은 작고 부류간
분산은 큰 상황

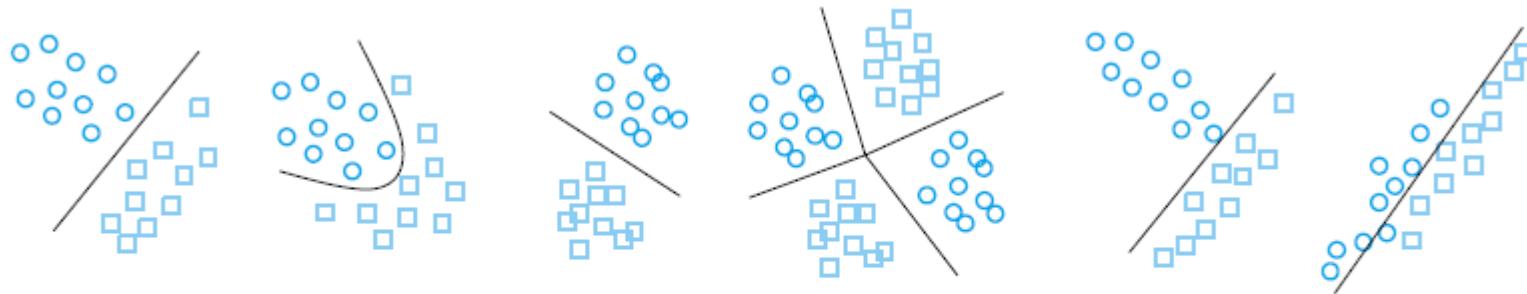
(b) 부류내 분산은 크고 부류간
분산은 작은 상황

(c) 부류간 분산이 0에 가까워
분별력이 없는 상황

그림 9.1 특징 벡터 $\mathbf{x}=(x_1, x_2)^T$ 의 분별력

- 부류내 분산과 부류간 분산
 - 부류내 분산 *within-class variance*: 같은 부류에 속하는 샘플이 얼마나 퍼져있는지 척도
 - 부류간 분산 *between-class variance*: 서로 다른 부류의 분포가 얼마나 떨어져 있는지 척도
- 부류내 분산은 작고 부류간 분산은 크게 해줄수록 좋은 특징 벡터

특징의 분별력 | 직관적 이해



(a) 선형 분리 가능과 불가능

(b) 단일 모드와 다중 모드

(c) 다른 공분산과 같은 공분산

그림 9.2 샘플 분포가 만드는 여러 가지 모양

- 매우 높은 차원의 데이터는 특징 공간의 시각적 표현이 어려움
 - 얼굴인식: 수십 차원의 특징 벡터 / 필기 문자 인식: 수백 차원의 특징 벡터

특징의 분별력 | 분별력 측정

- 분별력 (discriminatory power) / 부류 분리 (class separation)
 - 특징 벡터의 좋고 나쁨을 수량적으로 평가 할 수 있는 기준 함수 필요
 - 사용 되는 척도
 - 다이버전스
 - 훈련 샘플의 거리
 - 분류기 성능



특징의 분별력 | 분별력 측정

- 다이버전스
 - 확률 분포 간의 거리를 이용 (거리를 멀게 해주는 특징일수록 좋다.)

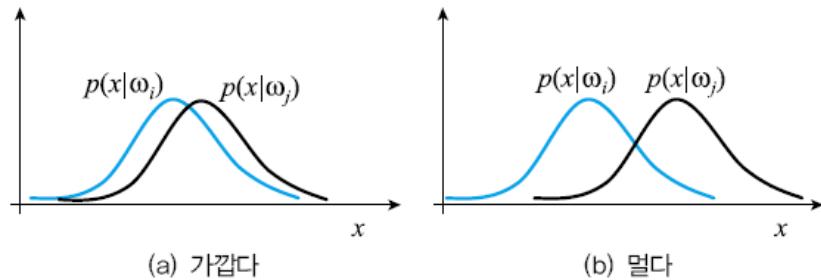


그림 9.3 두 확률 분포 간의 거리

- 거리 측정은 어떻게 하나? KL 다이버전스 활용

$$d_{ij} = KL(p(\mathbf{x}|\omega_i), p(\mathbf{x}|\omega_j)) + \underline{KL(p(\mathbf{x}|\omega_j), p(\mathbf{x}|\omega_i))} \quad (9.1) \quad 2 \text{ 부류}$$

$$d = \sum_{i=1}^M \sum_{j=1}^M P(\omega_i)P(\omega_j) d_{ij} \quad KL(P \parallel Q) = \sum_x P(x)\log_2 \frac{P(x)}{Q(x)} \quad (9.2) \quad M \text{ 부류}$$

- 현실적 문제: 확률 분포를 알 때 적용 가능
 - 확률 추정이 안고 있는 차원의 저주 같은 문제를 이어받는다.

특징의 분별력 | 분별력 측정

- 훈련 샘플의 거리
 - 훈련 집합에 있는 샘플을 가지고 직접 측정 (현실 적용이 쉽다.)

$$d_{ij} = \frac{1}{N_i N_j} \sum_{k=1}^{N_i} \sum_{m=1}^{N_j} dist(\mathbf{x}_i^k, \mathbf{x}_j^m) \quad (9.3)$$

- \mathbf{x}_i^k 는 부류 ω_i 의 k 번째 샘플
- $dist(\mathbf{x}_i^k, \mathbf{x}_j^m)$ 은 두 샘플 간의 거리 (마할라노비스/유클리디언 거리)

특징의 분별력 | 분별력 측정

예제 9.1 부류간 거리

그림 9.4는 $X_i = \{(1,1)^T, (1,2)^T\}$ 이고 $X_j = \{(3,1)^T, (4,1)^T, (4,2)^T\}$ 인 상황을 보여 준다. $N_i = 2$ 와 $N_j = 3$ 이다. 두 부류 ω_i 와 ω_j 에 간의 거리를 (9.3)을 이용하여 계산해 보면 2.760이 됨을 알 수 있다.

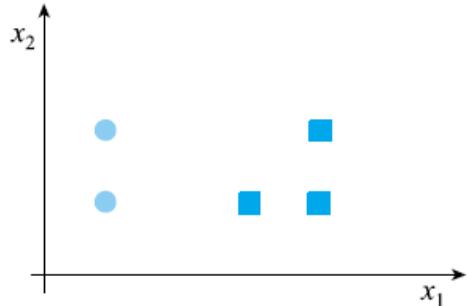


그림 9.4 부류간 거리 측정을 위한 예

$$\begin{aligned} d_{ij} &= \frac{1}{2*3} (dist((1,1),(3,1)) + dist((1,1),(4,1)) + dist((1,1),(4,2)) + dist((1,2),(3,1)) \\ &\quad + dist((1,2),(4,1)) + dist((1,2),(4,2))) \\ &= \frac{1}{6} (2 + 3 + \sqrt{10} + \sqrt{5} + \sqrt{10} + 3) = 2.760 \end{aligned}$$

특징의 분별력 | 분별력 측정

- 분류기 성능

- 만약 분류기로 SVM을 사용하기로 결정 하였다면, 특징 벡터 x 를 SVM으로 평가
- 주어진 특징 벡터 x 에 대해 훈련집합을 가지고 SVM을 훈련하고 검증 집합을 가지고 성능 측정
- 성능을 특징 벡터의 분별력으로 판단
- 장점: 사용하고자 하는 분류기에 딱 맞는 특징 벡터를 찾을 수 있음
- 단점: 새로운 특징 벡터마다 분류기를 훈련이 필요 → 상당한 계산 시간 필요



특징 선택 문제의 이해

- 간단한 두 가지 예
 - 개와 고양이를 분류하는데 눈의 개수와 같은 특징은 쓸모 없다.
 - 그림 9.5: 두 특징은 매우 높은 중복성 → 하나만 있어도 된다.

00001110	$u=7$	$T=21$
00010010		
00100000	$d=14$	
01000000		
10011000		
10100110		
01000011		
00111100		

$$\mathbf{x} = (x_1, x_2)^T = (u/T, d/T)^T = (1/3, 2/3)^T$$

그림 9.5 숫자 인식의 예에서 특징의 중복성

- 실제 상황에서는 이런 직관을 사용하기 힘들다.
 - 효과적인 알고리즘이 필요하다.

특징 선택 문제의 이해

- 특징 선택 문제

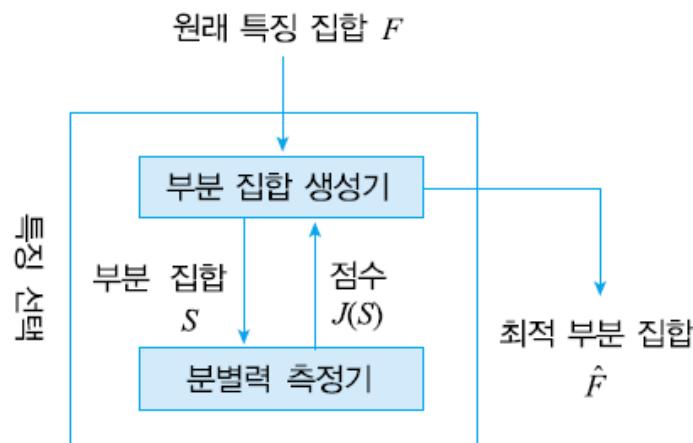


그림 9.6 특징 선택 알고리즘의 골격

- 조합적 최적화 문제
 - 방대한 탐색 공간

표 9.1 d 에 따른 특징 선택 시간의 추정

d	10	20	30	40	50
수행 시간	1초	17분	12일	35년	35700년

부분 집합 하나를 평가하는데 1/1000 초가 걸린다고 가정함

특징 선택 문제의 이해

- 임의 탐색 알고리즘
 - 아무 생각 없이 여기 저기 뒤져보는 순진한 알고리즘

알고리즘 [9.1]

임의 탐색 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, 계산 시간 T , 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

1. $score = 0;$
2. 현재 시간 t 를 0으로 설정한다.
3. **while** ($t < T$) {
 4. F 의 부분 집합 $S, \hat{d}_1 \leq S \leq \hat{d}_2$ 를 임의로 생성한다.
 5. $s = J(S);$ // (9.5)
 6. **if** ($s > score$) { $\hat{F} = S ; score=s;$ }
 7. 현재 시간 t 를 측정한다.
 8. }
9. **return** $\hat{F};$



특징 선택 문제의 이해

- 개별 특징 평가 알고리즘
 - 특징들 간의 상관 관계를 전혀 고려하지 않음
 - 특징의 중복성 (그림 9.5)을 무시

알고리즘 [9.2]

개별 특징 평가 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

1. **for** ($i = 1$ **to** d) $s_i = J(\{x_i\})$;
2. x_i 를 s_i 에 따라 내림차순으로 정렬한다.
3. $score = 0$;
4. **for** ($i = \hat{d}_1$ **to** \hat{d}_2) {
5. 가장 좋은 i 개의 특징으로 부분 집합 S 를 만든다.
6. $s = J(S)$;
7. **if** ($s > score$) { $\hat{F} = S$; $score = s$; }
8. }
9. **return** \hat{F} ;

탐색 알고리즘 | 전역 탐색 알고리즘

- 전역 탐색 알고리즘
 - 전체 특징 공간에서 가능성 있는 영역을 모두 탐색
 - 가능성 여부를 따지지 않고 모든 해를 평가하는 낱낱 탐색 알고리즘
 - 탐색 도중에 가능성이 없다고 판단되는 영역은 배제하여 효율을 높이는 한정 분기 알고리즘
 - 항상 전역 최적해를 보장
 - 하지만, 차원이 커지면 현실적인 시간 내에 해를 구하지 못하는 한계 존재



탐색 알고리즘 | 전역 탐색 알고리즘

- 낱낱 탐색 알고리즘 exhaustive search algorithm
 - 모든 해를 다 살피는 매우 우직한 알고리즘 (d 가 큰 경우 비현실적)

알고리즘 [9.3]

낱낱 탐색 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

1. $score=0;$
2. **while** (TRUE) {
 3. $S = \text{next_subset}(F, \hat{d}_1, \hat{d}_2);$ // 다음 부분 집합을 생성한다.
 4. **if** ($S \neq \text{NULL}$) {
 5. $s = J(S);$ // (9.5)
 6. **if** ($s > score$) { $\hat{F} = S ; score=s;$ }
 7. }
 8. **else break;**
 9. }
 10. **return** $\hat{F};$



탐색 알고리즘 | 전역 탐색 알고리즘

- 한정 분기 알고리즘 branch and bound algorithm

- 탐색 과정에서 가능성 없는 영역을 배제하여 계산 효율 얻음
- 단조성 조건을 만족하는 경우에 적용 가능

알고리즘 [9.4] 한정 분기 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

```
// |S| = 집합 S의 크기  
// next_children(S): S보다 크기가 하나 줄어든 부분 집합을 생성하는 함수  
1. score = 0;  
2. BranchBound(F); // 순환 호출을 기동시킴  
3. return  $\hat{F}$ ;  
  
4. BranchBound(S) {  
5.     for (next_children(S)로 생성되는 부분 집합  $S_1$  각각에 대해) {  
6.         s = J( $S_1$ );  
7.         if ( $s > score$ ) {  
8.             if ( $|S_1| = \hat{d}_2$ ) { $\hat{F} = S_1$ ; score = s;}  
9.             else if ( $|S_1| > \hat{d}_2$ ) BranchBound( $S_1$ ); // 순환 호출  
10.        }  
11.    }  
12. }
```



탐색 알고리즘 | 전역 탐색 알고리즘

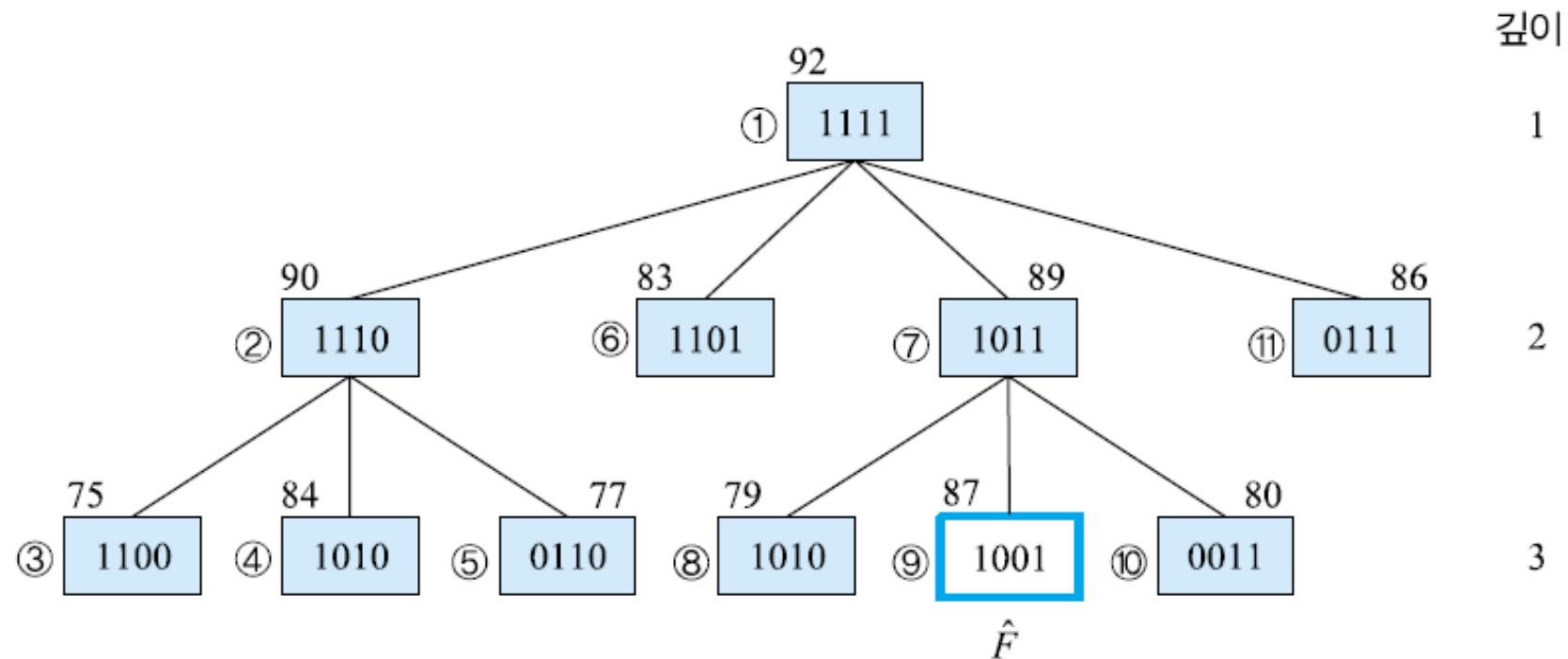


그림 9.7 한정 분기의 예 ($d=4$ 와 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2] = [2,2]$ 인 경우)



탐색 알고리즘 | 순차 탐색 알고리즘

두 가지 부분 집합을 정의해 보자. 알고리즘이 수행되는 어느 순간에 F_1 은 선택된 특징의 집합을 지칭하며 F_2 는 F_1 의 여집합이다. 즉 $F = F_1 \cup F_2$ 이다. 이제 지역 탐색 연산 두 가지를 정의해 보자. (9.7)의 연산 *add*는 F_1 에 특징 하나를 추가한다. 추가할 특징은 F_2 에서 고르는데, 추가했을 때 가장 큰 성능 증가를 가져오는 특징 x_k 가 F_2 에서 F_1 로 이동한다. (9.8)의 연산 *rem*은 F_1 에서 특징 하나를 제거한다. 제거했을 때 가장 적은 성능 저하를 가져오는 특징 x_k 가 F_1 에서 F_2 로 이동한다.

$$add : x_k = \arg \max_{x_i \in F_2} J(F_1 \cup \{x_i\}) \text{ 를 } F_2 \text{에서 } F_1 \text{로 옮겨라.} \quad (9.7)$$

$$rem : x_k = \arg \max_{x_i \in F_1} J(F_1 - \{x_i\}) \text{ 를 } F_1 \text{에서 } F_2 \text{로 옮겨라.} \quad (9.8)$$



탐색 알고리즘 | 순차 탐색 알고리즘

- SFS 알고리즘 sequential forward search algorithm
 - 한번에 하나씩 특징을 추가해 나가는 방식

알고리즘 [9.5]

SFS 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

```
1. score=0;  
2.  $F_1=\emptyset; F_2=F$ ; //  $F_1$ 은 공집합,  $F_2$ 는  $F$ 를 가지고 출발  
3. for ( $i = 1$  to  $\hat{d}_2$ ) {  
4.     add;  
5.     if ( $\hat{d}_1 \leq |F_1| \leq \hat{d}_2$ ) {  
6.          $s = J(F_1)$ ;  
7.         if ( $s > score$ ) { $\hat{F} = F_1$ ;  $score=s$ ;}  
8.     }  
9. }  
10. return  $\hat{F}$ ;
```



탐색 알고리즘 | 순차 탐색 알고리즘

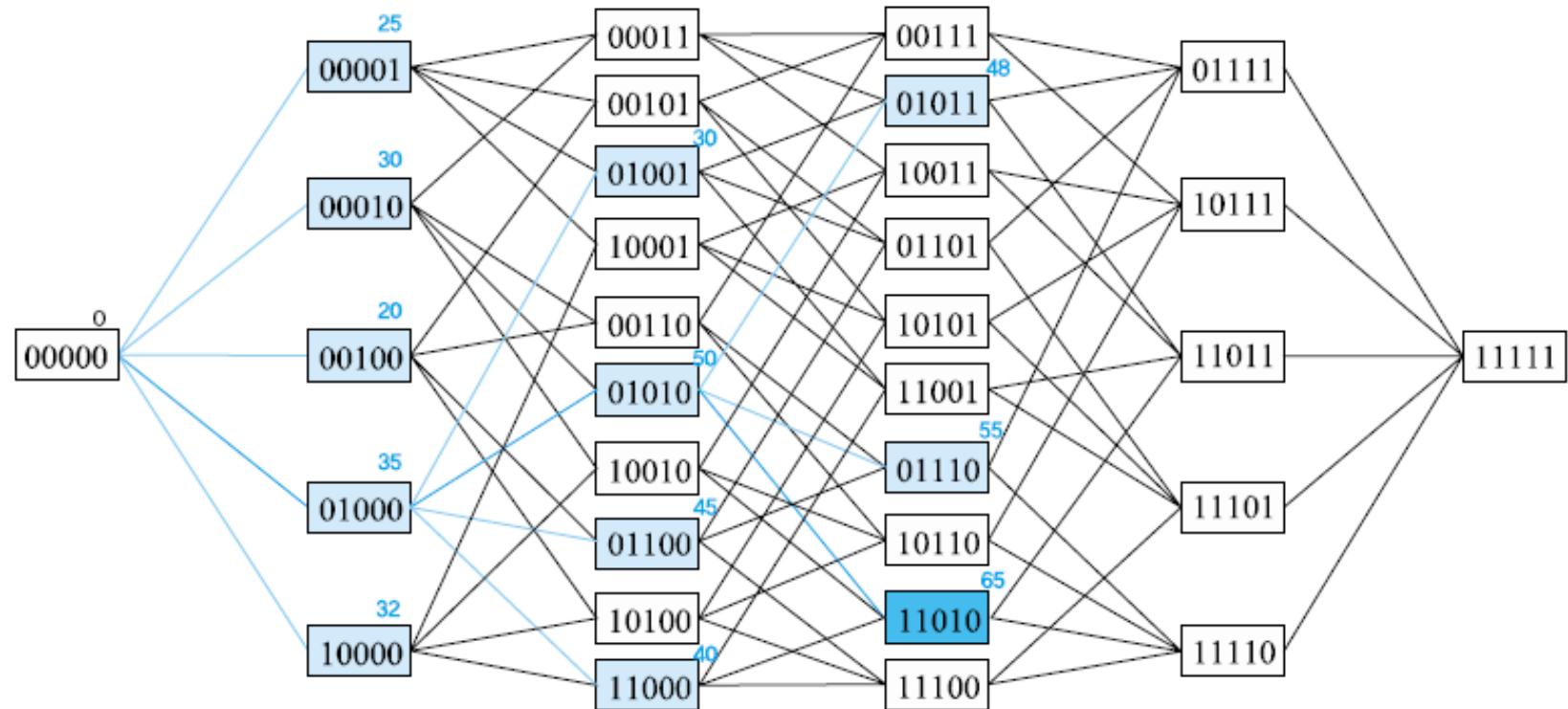


그림 9.8 SFS 알고리즘의 동작 ($d=5$ 와 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2] = [2,3]$ 인 경우)

탐색 알고리즘 | 순차 탐색 알고리즘

- PTA 알고리즘 plus- p -take-away- q algorithm
 - p 개의 특징을 추가하고 q 개를 제거하는 연산을 반복

알고리즘 [9.7]

PTA (plus- p -take-away- q) 알고리즘

입력: 특징 집합 $F = \{x_1, x_2, \dots, x_d\}$, p 와 q ($p > q$), 부분 집합의 크기 $[\hat{d}_1, \hat{d}_2]$

출력: 부분 집합 \hat{F}

알고리즘:

```
1. score = 0;  
2.  $F_1 = \emptyset$ ;  $F_2 = F$ ; //  $F_1$ 은 공집합;  $F_2$ 는  $F$ 를 가지고 출발  
3. while ( $|F_1| \leq \hat{d}_2$ ) {  
4.     for ( $i = 1$  to  $p$ ) add;  
5.     for ( $i = 1$  to  $q$ ) rem;  
6.     if ( $\hat{d}_1 \leq |F_1| \leq \hat{d}_2$ ) {  
7.          $s = J(F_1)$ ;  
8.         if ( $s > score$ ) {  $\hat{F} = F_1$ ;  $score = s$ ;}  
9.     }  
10. }  
11. return  $\hat{F}$ ;
```



탐색 알고리즘 | 통계적 탐색 연산을 가진 알고리즘

- 모든 순차 탐색 알고리즘은 욕심^{greedy} 알고리즘이다.
 - 전역 최적점이 아니라 지역 최적점에 빠질 가능성
- 이를 극복하기 위한 통계적 탐색 알고리즘
 - 시뮬레이티드 어닐링 (담금질 기법)
 - 유전 알고리즘

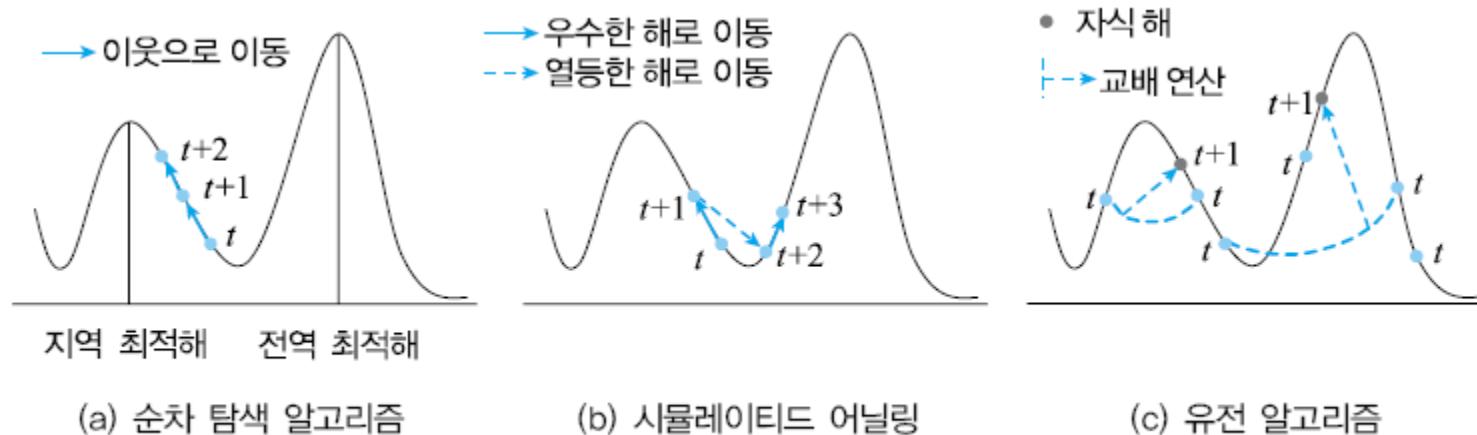


그림 9.10 여러 탐색 알고리즘의 동작 원리 (최대화 문제)

Thank you