Code explication.md 2025-05-05

# Explication ligne par ligne du script script1.py

```
# @ Auteur: Basri, Miahy
# @ Crée le : 05/05/2025 13:54:25
# @ Description: fichier de script pour le projet en outils numériques
```

Lignes 1-3 : Commentaires d'en-tête indiquant l'auteur, la date de création et une brève description du script.

```
#%%
# Importation des modules
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
```

**Lignes 4-8 :** Définition d'une section (souvent pour l'organisation dans certains IDE) et importation des modules numpy (pour les calculs numériques) et matplotlib.pyplot (pour la visualisation).

```
# définition des variables
N = 1000 # population totale
I0 = 1 #personnes infectées
R0 = 0 #personnes rétablis
V0 = 0 #personnes vaccinées
tf = 150 #jours
S0 = N - I0 - R0 - V0 #personnes susceptibles
β = 0.4 #taux de contact
γ = 0.05 #taux de rétablissement
α = 0.02 #taux de vaccination
```

# Lignes 9-17 : Initialisation des paramètres du modèle :

- N : population totale.
- I0, R0, V0 : conditions initiales pour infectés, rétablis, vaccinés.
- tf: durée totale de la simulation.
- 50 : susceptibles initiales, calculées par différence.
- $\beta$ ,  $\gamma$ ,  $\alpha$ : taux de transmission, de rétablissement, de vaccination.

```
# tableaux
t = np.arange(0, tf+1, 0.1) #temps
S = np.zeros(len(t)) #personnes susceptibles
I = np.zeros(len(t)) #personnes infectées
R = np.zeros(len(t)) #personnes rétablies
V = np.zeros(len(t)) #personnes vaccinées
```

Code explication.md 2025-05-05

**Lignes 18-23 :** Création des tableaux pour le temps (t) et pour stocker l'évolution des populations (S, I, R, V) initialisés à zéro.

```
# conditions initiales
I[0] = I0
R[0] = R0
S[0] = S0
V[0] = V0
```

**Lignes 24-27 :** Affectation des conditions initiales aux premiers éléments des tableaux.

```
#variations
for i in range(len(t)-1):
    dS = -β*S[i]*I[i]/N - α*S[i] #variation de S
    dI = β*S[i]*I[i]/N - γ*I[i] #variation de I
    dR = γ*I[i] #variation de R
    dV = α*S[i] #variation de V

S[i+1] = S[i] + dS * 0.1
    I[i+1] = I[i] + dI * 0.1
    R[i+1] = R[i] + dR * 0.1
    V[i+1] = V[i] + dV * 0.1
```

### Lignes 28-36 : Boucle pour l'intégration numérique :

- Calcul des variations (dS, dI, dR, dV) à chaque pas, selon les équations différentielles.
- Mise à jour des populations pour l'étape suivante en utilisant la méthode d'Euler avec un pas de 0.1.

```
X = V + R
Y = np.abs(X - 0.75*N).argmin()
```

**Lignes 37-38 :** Calcul du moment où la somme des vaccinés et rétablis (V + R) est la plus proche de 75% de la population (0.75 \* N) :

- X : somme à chaque instant.
- Y: indice du tableau où cette somme est la plus proche de 75%.

```
#affichage
plt.figure(figsize=[10,6])
plt.plot(t, S, label='S')
plt.plot(t, I, label='I')
plt.plot(t, R, label='R')
plt.plot(t, V, label='V')
plt.xlabel('temps')
plt.ylabel('population')
plt.axvline(t[Y], color='k', linestyle='--', label=f'75% atteint à t = {t[Y]:.1f}
```

Code explication.md 2025-05-05

```
jours')
plt.title('Modèle SIRV')
plt.legend()
plt.grid(ls='dashed')
plt.show()
```

# Lignes 39-47: Visualisation graphique:

- Création d'une figure.
- Tracé des courbes pour chaque population (S, I, R, V) en fonction du temps.
- Ajout d'une ligne verticale indiquant le moment où 75% de la population est vaccinée ou rétablie.
- Ajout de légendes, titre, axes, grille, puis affichage.

#### Résumé:

Ce script modélise la dynamique d'une épidémie avec vaccination en utilisant la méthode d'Euler. Il calcule l'évolution des populations susceptibles, infectés, rétablis et vaccinés, puis identifie le moment où 75% de la population est protégée, en visualisant le tout dans un graphique.