Introductie moving avarage filter

- Meest voorkomende filter in DSP
- Optimaal voor verwijderen van random ruis terwijl een scherpe stapresponse behouden blijft
- > Zeer geschikt voor tijdsdomein, slechtste filter voor frequentiedomein
 - Weinig vermogen om een bepaalde frequentieband af te scheiden van anderen

Aanverwante filters van Moving Average filters zijn onder andere de Gauss, Blackman, en multiplepass filter.

Deze hebben (iets) betere prestaties in het frequentiedomein maar met nadeel dat ze meer rekentijd vergen om het resultaat te bekomen dan Moving Average.



Gemiddelde gebruiken als filter

- Voor de berekening van de huidige waarde, deze uit het verleden of in de toekomst kunnen n samplewaarden gebruikt worden.
- De toekomstige waarden kunnen enkel gebruikt worden in OFF-line berekeningen.
 Enkel dan is er beschikking over de toekomstige waarden.
- Bij ON-line berekeningen kunnen enkel de waarden uit het verleden en de huidige waarde in de berekeningen worden opgenomen.



Gemiddelde gebruiken als filter

• Werken met factor 1,0

$$y = \frac{1, 0.x_{n-2} + 1, 0x_{n-1} + 1, 0x}{3}$$

Andere manier van opbouw:

$$y = 0,33 \cdot x_{n-2} + 0,33x_{n-1} + 0,33x$$



Gemiddelde gebruiken als filter

• Werken met factoren (gewichten)

$$y = \frac{0,75.x_{n-2} + 0,75x_{n-1} + 1,5x}{3}$$

Andere manier van opbouw:

$$y = 0.25 \cdot x_{n-2} + 0.25 x_{n-1} + 0.50 x$$



Voorbeeld opbouw moving avarage filter

Stel dat we een vergelijk willen maken tussen de filter met gelijke gewichten $y = 0,33 \cdot x_{n-2} + 0,33x_{n-1} + 0,33x$ en de filter met verschillende gewichten: $y = 0,25 \cdot x_{n-2} + 0,25x_{n-1} + 0,50x$

We maken de vergelijking met een signaal bestaande uit 50 random samples

De code schrijven we in Scilab. Hiervoor gebruiken we SciNotes als editer (terug te vinden onder het hoofdmenu *Applications*)



Hoe in scilab een "signaal" opbouwen, bestaande uit 50 randomwaarden?

```
moving_avarage_filter_vb1.sce (C:\Users\pvanh\Downloads\moving_avarage_f...
                                                                           File Edit Format Options Window Execute ?
      moving_avarage_filter_vb1.sce (C:\Users\pvanh\Downloads\moving_avarage_filter_vb1.sce) - SciNotes
moving_avarage_filter_vb1.sce | | | | |
   //.moving.average.filter.
   // filter met factoren 1.0
  // random · signaal · "signal" · opbouwen · bestaande · uit · 50 · randomwaarden ·
   signal = rand(50,1, 'normal');
  //.origineel.signal.plotten.in.grafiek.met.groene.kleur
  plot (signal, 'g')
```



signal = rand(50,1,'normal'); <u>plot</u> (signal,'g')

Hoe in scilab een "signaal" opbouwen, bestaande uit 50 randomwaarden?

```
clf
signal = rand(50,1,'normal');
plot (signal,'g')
```

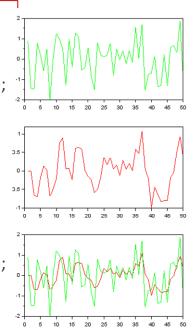
Parameter voor rand()

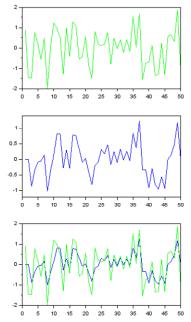
'normal' = verdeling volgens gausachtige curve 'uniform' = gelijkmatige verdeling

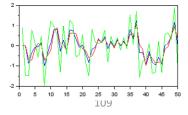


Vergelijk: $y = 0.33 \cdot x_{n-2} + 0.33x_{n-1} + 0.33x$ met $y = 0.25 \cdot x_{n-2} + 0.25x_{n-1} + 0.50x$

```
filter output = zeros(50,1)
// filter werking met factoren 0,33 x[n-2] 0,33 x[n-1] 0,33
for i=3:length (signal)
 filter_output(i) = 0.33 * signal(i-2) + 0.33 * signal(i-1) + 0.33 * signal(i);
end
subplot (2,1,2)
plot (filter output, 'r');
filter output = zeros(50,1)
// filter werking met factoren 0,33 x[n-2] 0,33 x[n-1] 0,33
for i=3:length (signal)
 filter_output(i) = 0.25 * signal(i-2)+0.25 * signal(i-1) + 0.50 * signal(i);
end
subplot (2,1,2)
plot (filter_output, 'r');
```

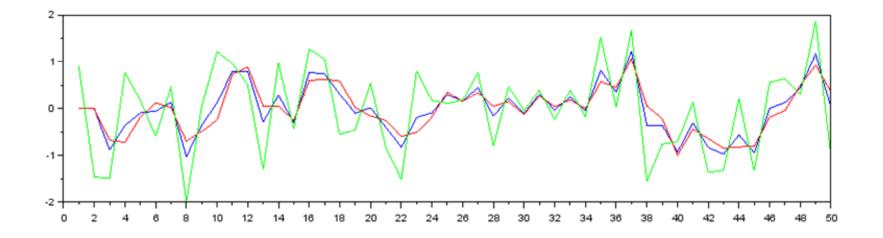








Vergelijk: $y = 0.33 \cdot x_{n-2} + 0.33x_{n-1} + 0.33x$ met $y = 0.25 \cdot x_{n-2} + 0.25x_{n-1} + 0.50x$





Stapresponse van de Moving Average Filter

 Met de stapresponse kan gemakkelijk het verschil tussen de transfertfuncties worden aangetoond.

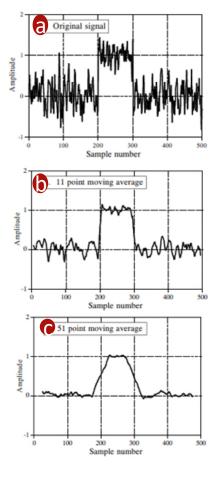
```
1 //Moving average filter met stapresponse
           //opbouw.met.factoren.1.0.
  3 clc
 4 stap = \( [0 \cdot 0 \cdot 0 \cdot 1 \cdot 1
  5 filter output = zeros (length(stap),1)
  6 //origineel.signaal.in.groen.weergeven
 7 plot (stap, 'g')
  8 //filter werking met factoren 0.33xn-2, 0.33xn-1 0.33 n
 9 for i=3:length(stap)
            filter output(i)=0.33*stap(i-2)+...
11 \cdot \cdot \cdot \cdot \cdot 0.33*stap(i-1) + \cdot 0.33*stap(i)
12 end
13 //filteroutput · weergegeven · in · rood
14 plot(filter output, 'r')
15 //filter-werking-met-factoren-0.25xn-2,-0.25xn-1-0.50-n
16 filter output2 = zeros (length(stap),1)
17 for i=3:length(stap)
            filter output2(i)=0.25*stap(i-2)+...
19 \cdot \cdot \cdot \cdot \cdot 0.25 * stap(i-1) + \cdot 0.50 * stap(i)
20 end
21 //filteroutput2 · (met · verschillende · factoren · of · gewichten)
22 //weergegeven · in · blauw
23 plot (filter output2, 'b')
```



Ruisonderdrukking via Moving Average Filter

Moving Average Filter is vooral geschikt voor onderdrukking van witte ruis terwijl de scherpste stapresponsie behouden blijft.

- Origineel pulssignaal met veel ruis op
- Invloed van de filter vermindert de amplitude van de ruis (goed)
- Maar verlaagt de scherpte van de randen (slecht)





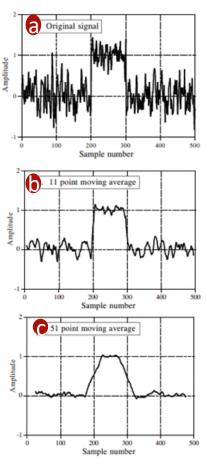
Ruisonderdrukking via Moving Average Filter

De hoeveelheid ruisonderdrukking is gelijk aan de vierkantswortel van het aantal punten in het gemiddelde.

Voorbeeld: 100 punt Moving Average Filter vermindert de ruis met een factor 10

De ruis op het signaal dat we proberen te verminderen is willekeurig => geen zin om speciale gewichten op bepaalde plaatsen toe te passen.

Beste ruisonderdrukking wordt bekomen door alle samples gelijkwaardig te behandelen (dus moving average filter)





Eventjes herhalen

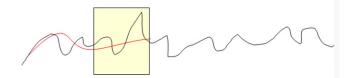
Moving Average Filter is optimaal voor het verwijderen van random ruis terwijl een scherpe stapresponse behouden blijft

Zeer geschikt voor filtering in het tijdsdomein

Niet geschikt voor filtering in het frequentiedomein



Eventjes herhalen



- Bewegen van venster kan met for-loop verwezenlijkt worden
- Bepalen van het gemiddelde, enkel berekeningen van het huidige en een aantal van het verleden in rekening gebracht

```
clf
signal = rand(50,1,'normal');
filter_output = zeros(50,1)

for i=3:length (signal)
   filter_output(i) = 0.33 * signal(i-2)+0.33 * signal (i-1) + 0.33 * signal(i);
end
```

Eventjes herhalen

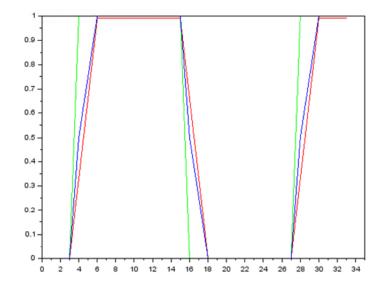
• Som van de gewichten (factoren) is steeds gelijk aan 1 (100 %)

•
$$y = 0, 10.x_{n-2} + 0, 20x_{n-1} + 0, 70x$$

•
$$y = 0, 20.x_{n-2} + 0, 20x_{n-1} + 0, 20x + 0, 20.x_{n+1} + 0, 20.x_{n+2}$$

Moving Average Filter is vooral geschikt voor onderdrukking van witte ruis terwijl de scherpste

stapresponsie behouden blijft.



- Praktisch: filters in het frequentiedomein getest (bv. via bodediagram)
- In scilab gebruik maken van bode() –functie
- Om bode() te kunnen gebruiken zijn eerst een aantal omvormingen noodzakelijk



- Stel filter met volgende gewichten : $y = 0, 25 \cdot x_{n-2} + 0, 25x_{n-1} + 0, 50x$
- Doorlopen for-lus
 - → samples tijdsdomein in y-vector
 - → transferfunctie nodig om deze om te zetten naar frequentiedomein
 - hierin zijn de transferparameters $Z^{-1}, Z^{-2}, ...$

$$\Rightarrow$$
 y = 0, 25 . x_{n-2} + 0, 25 x_{n-1} + 0, 50 x => y = 0, 25 . z^{-2} + 0, 25. z^{-1} + 0, 50. z (f_s genormaliseerd naar 1)



- Hoe praktisch te werk gaan?
- \triangleright Parameters moving avarage filter opslaan als rijvector $(Z, Z^{-1}, Z^{-2}, Z^{-3}, \dots, Z^{-n})$
- > De rijvector is niet automatisch omgezet => eerst scilab duidelijk maken dat de rijvector een veelterm of polynoom bevat
- Eerste stap: scilab duidelijk maken dat de rijvector een polynoom bevat via de poly()-functie
 - transferp = poly(parameter, 'z', coeff)

naam voor de polynoom (vrij te kiezen)



De opgeslagen parameters in een rijvector



- Hoe praktisch te werk gaan?
- > Tweede stap: polynoom omvormen van z-representatie naar 1/z-representatie => transferfunctie wordt bekomen
- Via horner() gebeurt de omvorming van z naar 1/z
- transferh = horner(transferp, (1/%z))

naam voor de 1/zrepresentatie (vrij te kiezen)

Aangeven 1/z-representatie gewenst

De polynoom die gevormd is van de samples uit het tijdsdomein



- Hoe praktisch te werk gaan?
- > Derde stap: scilab duidelijk maken dat de functie die beschreven wordt een discrete transferfunctie is
- > Via syslin() en de parameter 'd' kan dit verwezenlijkt worden
- transfersys = syslin('d',transferh)

naam voor de 1discrete transferfunctie (vrij te kiezen)

Vector met de 1/z-representatie

Aangeven discrete transferfunctie maken



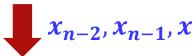
- Hoe praktisch te werk gaan?
- ➤ Vierde stap: bodediagram maken van de moving avarage filter
- bode(transfersys)



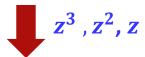
Bodediagram van een filter weergeven in scilab:

- Stap 1: de uitgangsvector met de samplewaarden in het tijdsdomein van de filter omzetten naar een polynoom in z-representatie
- Stap 2 : polynoom omvormen van zrepresentatie naar 1/z representatie
- Stap 3: duidelijk maken dat de 1/z-representatie een discrete transferfunctie is.
- Stap 4 : gebruik van de bodefunctie

$$y = 0,25 \cdot x_{n-2} + 0,25x_{n-1} + 0,50x$$



poly(uitgangsvector, 'z',coeff)



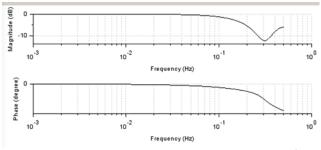
horner(polynoom, (1/%z))

$$z^{-3}, z^{-2}, z^{-1}$$

syslin('d', 1/Z-representatievector)



Bode(syslin_omgetransformeerde_vector)



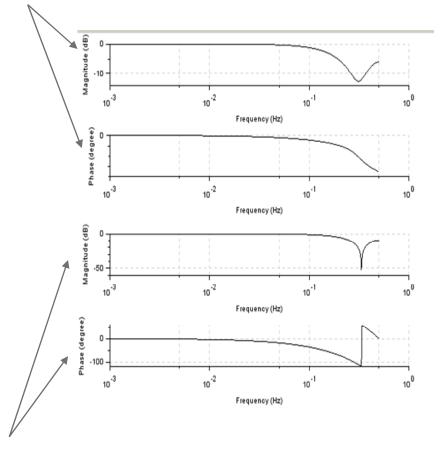
frequentieresponse



Codevoorbeeld:

$$y = 0.25.Z^{-2} + 0.25.Z^{-1} + 0.5Z$$

```
//bodediagram.van.moving.average.filter
   //-filter-y=0.25z-2-+-0.25-z-1-+-0.5-z
   //-opgave-parameters-van-filter
   subplot (2,1,1)
5 parameter -= - [1/4-1/4-1/2]
  //-bepalen-van-polynoom
  transferp = poly(parameter, 'z', 'coef')
  //omvormen.transfer.poly.in.z.via.horner()naar.1/z
g transferh = horner (transferp, (1/%z))
10 transfersys = syslin('d', transferh)
11 bode (transfersys)
12 subplot (2,1,2)
13 parameter = [1/3 - 1/3 - 1/3]
14 // bepalen - van - polynoom
15 transferp = poly(parameter, 'z', 'coef')
16 //omvormen transfer poly in z via horner() naar 1/z
17 transferh = horner (transferp, (1/%z))
18 //omzetten · naar · een · discrete · transferfunctie
19 transfersys = syslin('d', transferh)
20 //teken-van-bodediagram-van-de-filter
21 bode (transfersys)
```





$$y = 0.33 \cdot Z^{-2} + 0.33 \cdot Z^{-1} + 0.33 \cdot Z$$