MIRA SIRVENT

Compte-rendu de projet-LO21

Choix de conception

```
typedef unsigned char Bit; // définition d'un bit compris entre 0 et 1
 typedef struct Elemb
□ {
     Bit value;
     struct Elemb* next;
L} ElemBit; // Element de la liste de bits
 typedef struct ListeBit
□ {
     ElemBit* head;
     int longIndiv; // Taille de la liste de bits
L} Individu; // La liste de bits
     Individu* value;
     struct Elemi* precedent;
     struct Elemi* next;
BlemIndiv; // Element de la liste d'individu
 typedef struct ListeIndiv
□ {
     ElemIndiv* head;
     ElemIndiv* tail;
     int taillePop; // Taille de la liste d'indiv
Population; // Une population est une liste d'individu
```

Nous avons décidé de créer une structure « ElemBit » et « Individu ». En temps normal, la structure « ElemBit » aurait suffi afin de pouvoir manipuler des Individus. Cependant, nous avions besoin d'intégrer le paramètre « longIndiv » (un entier) afin de pouvoir rendre la taille des Individus variable, d'où l'existence de la structure « Individu ».

La même démarche s'est appliquée à « ElemIndiv » et « Population » avec en plus l'ajout d'un pointeur vers l'élément précédent de la liste qui permettra de rendre les manipulations plus faciles (notamment avec le QuickSort)

Algorithmes des sous-programmes

Fonction initialisation (ITERATIVE)

Lexique	
Données	entier i, Individu l
Résultat	Individu l initialisé avec des bits aléatoires

```
Individu Initialisation (Individu I)
   Pour i de 0 à valeur_longIndiv(l) de 1 en 1
        ajouter_tete (I, entier aléatoire entre 0 et 1)
  Fin Pour
  <u>Initialisation</u> (Individu I)←I
Fin
```

Fonction initialisation (RECURSIVE)

Lexique	
Données	entier i, Individu I, entier longIndiv, Elembit p
Résultat	Individu I initialisé avec des bits aléatoires

Individu initialisation (Individu I, entier longIndiv)

```
Si (longIndiv > 0) Alors
      p \leftarrow tete(I)
     longIndiv ← longIndiv – 1
     I ← ajouter_tete (I, entier aléatoire entre 0 et 1)
      p ← suivant(p)
      initialisation (I, longIndiv)
  Fin Si
  initialisation (Individu I, entier longIndiv) ←I
Fin
```

Fonction décodage

Lexique	
Données	Element temp, entier i, entier LONGINDIV
Résultat	Entier valIndiv

```
Entier decodage (Individu I)
  valIndiv ← 0
  i ← LONGINDIV - 1
  temp = tete(I)
  Tant que(suivant(temp) != INDEFINI)
     valIndiv ← valIndiv + (valeur(temp))*pow(2,i)
     i←i-1
     temp ← suivant(temp)
  Fait
  decodage (Individu I) ← valIndiv
Fin
```

Fonction Initialisation de Population:

Lexique	
Données	Individu indiv, entier i, entier LONGINDIV
Résultat	Population Pop

Population init_pop(Population pop, Entier taillePop)

Début

```
Pour i allant de 0 à taillePop
        Indiv ← nouveau(Individu)
        Indiv←init_indiv(Indiv, LONGINDIV)
        ajouterT(pop, indiv)
fait
```

Population init_pop(Population pop, Entier taillePop)←pop

FIN

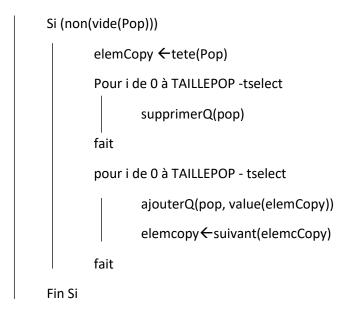
SIRVENT

Sélectionner population:

Lexique	
Données	elemPop elemCopy, entier i, entier LONGINDIV
Résultat	Population Pop

Population select_pop(Population Pop, Entier tSelect)

Début



Population select_pop(Population pop, Entier tSelect)←Pop

Fin

Trier Population:

Lexique	
Données	elemPop droite, elemPop gauche, Réel pivot
Résultat	Population Pop

Trier_pop(Population Pop, elemPop début, elemPop fin)

```
Si (non(vide(pop)))

Si(début != fin)

Pivot ← qualité(début)

Gauche ← début

Droite ← fin
```

Trier_pop(Population Pop, elemPop début, elemPop fin) \leftarrow Pop

Fait

Fin Si

Fin Si

Fin

Lexique	
Données	elemPop elemCroise, Entier i, Entier j, Entier rnd1, Entier rnd2, individu indiv1, individu indiv2, Population P2
Résultat	Population P2

```
Population croiser pop(population P1)
```

Début

```
Si(non(vide(P1)))
       Pour i de 0 à TAILLEPOP/2
               Rnd1← alea(1, TAILLEPOP)
               elemCroise ← tete(P1)
               pour j de 0 à rnd1
                       elemCroise ← suiv(elemCroise)
               fait
               indiv1←value(elemCroise)
               faire
                       rnd2 ← alea(1, TAILLEPOP)
               tanque(rnd1 = rnd2)
               elemCroise ← tete(P1)
               pour j de 0 à rnd2
                       elemCroise ← suiv(elemCroise)
               fait
               indiv2 ← value(elemCroise)
               croiser_indiv(indiv1, indiv2)
               ajouterT(P2, indiv1)
               ajouterT(P2, indiv2)
       fait
       si(impair(TAILLEPOP))
               Rnd1← alea(1, TAILLEPOP)
```

```
LO|21
```

```
elemCroise←tete(P1)
       pour j de 0 à rnd1
               elemCroise ← suiv(elemCroise)
       fait
       indiv1←value(elemCroise)
       faire
               rnd2 ← alea(1, TAILLEPOP)
       tanque(rnd1 = rnd2)
       elemCroise←tete(P1)
       pour j de 0 à rnd2
               elemCroise ← suiv(elemCroise)
       fait
       indiv2 ← value(elemCroise)
       croiser_indiv(indiv1, indiv2)
       ajouterT(P2, indiv1)
fin SI
```

fin Si

Population croiser pop(population P1)←P2

Fin

MIRA

Jeux d'essais et commentaires

Une fois le programme finalisé, nous retrouvons un résultat comme celui-ci-dessous ;

```
Le meilleur individu de cette population est :
[ 0 1 1 1 1 1 1 ]

Qualite : -0.000244
```

Nous allons donc tester maintenant les résultats qu'on trouve en utilisant les différentes fonctions qu'on a écrite (les valeurs décimales étant la qualité du meilleur individu)

Fonction 1: TaillePopulation = 20/%deSelection = 10/Ngenerations = 20/LongIndiv = 8										
N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	-0,000244	0	-0,000244	-0,019775	-0,002197	-0,011963	-0,019775	-0,000244	0	-0,002197
TaillePo	TaillePopulation = 20/%deSelection = 90/Ngenerations = 200/LongIndiv = 8									
N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Fonction	1 2 : TaillePo	opulation =	20/%deSel	ection = 10	/Ngenerati	ons = 20/Lc	ngIndiv = 1	.6		
N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	1,866072	1,630393	2,198981	1,705691	2,207103	1,848826	2,252993	0,893452	2,100212	2,080858
TaillePo	oulation = 2	:00/%deSel	ection = 90	/Ngeneration	ons = 200/L	ongIndiv =	16			
N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	2,302585	2,301091	2,302585	2,302585	2,302585	2,302585	2,302585	2,302585	2,302585	2,302585
Fonction	1 3 : TaillePo	opulation =	20/%deSel	ection = 10	/Ngenerati	ons = 20/Lc	ngIndiv = 3	2		
N°					_					

N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	0,994792	0,706001	1	1	0,977654	0,998751	0,999999	0,999998	0,999998	0,999978

TaillePopulation = 200/%deSelection = 90/Ngenerations = 200/LongIndiv = 32

N°										
Essais	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Qualité	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1

Pour la fonction 1, on observe que plus on augmente le nombre de répétitions et la dureté de la sélection, plus la qualité du meilleur individu se rapproche de 0. Et cela fait sens car la fonction f1 étant $f1(X) = -X^2$ donc un nombre qui sera toujours inférieur ou égal à 0, le résultat le plus grand sera forcément 0. Notre programme semble donc efficace.

Pour la fonction 2, les résultats tendent vers une qualité de 2,3025825 lorsque que l'on cherche les meilleurs individus avec les paramètres optimaux. Le minimum de cette fonction étant atteint lorsque x=0 et donc X=0.1 est -ln(0.1)=2.30259. Les résultats obtenus semblent cohérents étant donné que la probabilité d'obtenir un individu "00000000000000000" est très faible. En effet si l'on a pu obtenir des résultats semblables au maximum pour f1, c'est à cause de la longueur des individus qui était bien plus faible et donc permettait une possibilité d'obtention de l'individu "00000000" beaucoup plus importante.

Pour la fonction 3, les résultats tendent tous vers 1 avec des paramètres permettant de trouver un individu optimal. Cela s'explique car la plus grande valeur que peut atteindre la fonction f3 est atteinte en $X=-\pi[2\pi]$ et est donc $f3(-\pi)=1$. Ce qui explique que ce résultat soit obtenu beaucoup plus souvent c'est le modulo 2π qui permet d'avoir plusieurs maximums, ce qui est une propriété de la fonction cosinus alors que le logarithme népérien lui n'a qu'une limite qui n'est jamais atteinte.

Conclusion:

On peut donc en conclure que notre programme fonctionne correctement et permet effectivement l'obtention d'une population avec des individus d'une qualité de plus en plus proche de leur maximal si les paramètres choisis permettent un grand nombre de répétition, d'une sélection importante ainsi qu'un nombre d'individus élevé. La longueur des individus joue également beaucoup sur la probabilité d'obtenir le meilleur individu possible, en effet plus un individu est complexe plus il est rare d'obtenir l'individu idéal que l'on recherche et le dernier facteur est bien évidemment la fonction qui détermine la qualité d'un individu, si elle a plusieurs antécédents à ses valeurs, il sera plus facile d'obtenir un individu avec une bonne qualité et inversement. Cela permet donc de mettre en avant des effets réels que l'on peut constater en génétique.