|  |  |
| --- | --- |
| replace.synonyms | a função deve substituir automaticamente os sinônimos? |
| suggest.names | a função deve tentar corrigir nomes com erros ortográficos? |
| life.form | incluir a forma de vida do táxon? |
| habitat | incluir o habitat do táxon? |
| vegetation.type | incluem os tipos de vegetação listados? |
| vernacular | incluir nomes vernaculares e localidades? |
| states | incluir dados de ocorrência? |
| establishment | incluem o tipo de estabelecimento (nativo, cultivado ou naturalizado)? |
| domain | retornar domínios fitogeográficos? |
| endemism | o táxon é endêmico do Brasil? |
| drop | NULL ou vetor de caracteres com nomes de colunas com informações taxonômicas a serem removidas do quadro de dados retornado. Nomes disponíveis: "id", "scientific.name", "accepted.name", "family", "genus", "specific.epiteth", "infra.epiteth", "taxon.rank", "authorship", " taxon.status", "name.status", "threat.status" e "search.str". |
| suggestion.distance | um valor entre 0 e 1 indicando quão conservador o algoritmo de sugestão de nome deve ser. Valores mais próximos de 1 são muito conservadores. Tenha muito cuidado, valores mais baixos podem dar sugestões erradas. |
| parse | Analisar nomes através do analisador GBIF para remover autores? |

O quadro de dados retornado conterá um número variável de linhas e colunas dependendo de como a função foi chamada. Por exemplo, como pode haver mais de um nome vernacular para cada táxon, algumas linhas serão duplicadas se vernacular for definido como TRUE. Todos os táxons com erros ortográficos são corrigidos automaticamente se a função puder apresentar uma estimativa razoável para o nome. O estado de conservação segue a nomenclatura da IUCN.