

CONSIGNES STRICTES

Vous devez m'envoyer un mail à : laurent.debraux@univ-reims.fr pour le
au plus tard :

Groupes S4F3b et S6O5 : Jeudi 07/03/19 - 20H00
Groupes S4F3a et S4F4a: Jeudi 21/03/19 - 20h00

Subject: TP1_MINF0402_NOM1_NOM2

(Notez les chiffres «0» et les lettres «O» et les underscores «_»!).

Vous devez rendre vos rapports strictement par binôme.
Les monômes ne seront pas corrigés.

Les plagats et copies à l'identique seront sanctionnés et tant pis si il n'est pas possible de distinguer le copieur du copié, ceci vaut aussi pour la copie de rapports des années antérieures que je possède archivés et les outils informatiques rendent très faciles la détection des plagats.

Vous devez utiliser votre compte de messagerie de l'université.

NOM1 et NOM2 seront si nécessaire abrégés à 6 caractères - en majuscules et sans caractère accentué ni espace.

Le préfixe « **TP1_MINF0402** » est indispensable - respectez la casse indiquée

Dans le corps du message vous devez préciser :

0) Au tout début de votre message indiquez à nouveau: **TP1_MINF0402_NOM1_NOM2** puis

1) les noms complets de chaque membre du binôme

2) vous devez joindre **un répertoire (g)zippé** de nom similaire au sujet:

Répertoire: « TP1_NOM1_NOM2.gz » (ou .z ou zip)

ou si vous renvoyez une version modifiée de votre TP, renvoyez là au complet sous la forme:

Subject: TP1_MINF0402_NOM1_NOM2_v2

Répertoire: « TP1_NOM1_NOM2_v2.gz » (ou .z ou .zip)

NE METTEZ PAS DE MOT DE PASSE sur ce fichier sinon votre message risque d'être éliminé par le service de messagerie. **Ne pas utiliser de .rar, .7z et similaires mais uniquement du zip ou gzip standard.** Les outils associés sont toujours disponibles sous linux et le sont aussi sous MacOS xxx et Windows xxx.

3) Vous devez vous mettre en copie ainsi que votre binôme (En utilisant vos mails universitaires) comme destinataires de votre message. Assurez vous de la bonne réception de votre mail et du fichier attaché!!!!

Respectez strictement les consignes si vous voulez éviter que votre fichier soit perdu, ou considéré comme illisible ou non conforme ce qui vous vaudrait alors la note zéro!

Vous devez impérativement garder une copie de votre travail.

La partie à rendre concerne uniquement les exercices 5 et 6. (L'exercice 7 sera à rendre dans le prochain TP)

Les noms de fonctions des exercices 5 et 6 sont imposés dans l'énoncé et doivent être respectés. Dans l'exercice 6, pour la fonction REDUC il sera commode d'utiliser A et b en entrée comme en sortie (c'est à dire que $U=A$ et $b=y$ au sein de REDUC)

Dans le répertoire **TP1_NOM1_NOM2** il devra y avoir (liste non exhaustive):

- 1) Un fichier **ALIRE.txt** détaillant tous les fichiers et leurs utilités
- 2) Des fichiers vides créables par «touch» :

A_NOM1_COMPLET.txt (en majuscules et sans espace)

A_NOM2_COMPLET.txt (en majuscules et sans espace)

3) Votre fichier de fonctions (.sci) qui seront regroupées dans un seul fichier, ou bien - et c'est une solution bien pratique - se trouver au début de vos fichiers de scripts. Ces fonctions devront être commentées.

4) Vos fichiers de scripts. Les scripts devront donc en particulier - si nécessaire - charger le fichier de fonctions nécessaires à leur déroulement. Les fichiers de scripts illustreront le fonctionnement de vos algorithmes de façon significative, et devront mettre en évidence que les solutions trouvées sont correctes !

Ils pourront être aussi commentés.

Ne pas faire un absurde et fastidieux script de saisie de matrices ou vecteurs en ligne. Produisez des matrices ou des vecteurs aléatoires de taille raisonnable que vous vous formez dans vos scripts. Il n'est pas nécessaire d'avoir des matrices à coefficients entiers. Des matrices de taille 5x5 semblent un minimum pour les exercices 5 et 6, la taille doit être immédiatement ajustable dans les scripts. Vérifier que votre résultat est correct en utilisant les facilités de Scilab - dans l'exercice 5 en comparant AX et b ou en comparant X et $A \backslash b$! Dans l'exercice 6, comme il est indiqué cela sera un peu plus compliqué. Assurez vous en quittant Scilab et en le relançant que ces scripts fonctionnent et indépendamment les uns des autres!

A priori un fichier de script pour chacun des exercices 5 et 6. Soit donc 2 scripts. Vous pouvez faire des pauses dans un script en utilisant la fonction `>sleep` voir le help.

5) Un unique fichier rapport pdf illustrant les déroulements de vos scripts.

Vous devez comprendre ces scripts et fonctions car vous êtes susceptibles d'être interrogés sur ceux ci.

Les noms de fichiers et les identificateurs de variables, fonctions... ne devront compter aucun caractère accentué, spécial ou espace.

L'énoncé du TPs vous laisse une grande liberté, c'est à vous qu'il appartient d'illustrer le fonctionnement de vos programmes et de choisir les tests les plus judicieux.

NB: les séances de TPs sont là pour traiter le TP du moment (séance 1: TP0, Séances 2 et 3: TP1 et Séances 4 et 5: TP2), elles ne sont pas là pour finaliser un travail ou établir un rapport de TP ce qui fait partie de votre travail personnel «maison» avec votre binôme. Les remises des rapports se faisant de toute façon une semaine (ou plus) après la fin des séances associées. Mais je peux bien entendu à vos questions sur un travail en cours.