

CONSIGNES STRICTES

Vous devez envoyer votre rapport par mail à :
stephanie.salmon@univ-reims.fr groupe S4F4A
laurent.debraux@univ-reims.fr tous les autres groupes

pour au plus tard le :

Groupes S4F3A, S4F3B, S4F4A, S4F4B+S6O5A : Lundi 2/03/2020 - 20H00

Groupe S4F5A: Mercredi 18/03/2020 - 20h00

Groupe S4F5B: Mercredi 25/03/2020 - 20H00

Les étudiants rattrapant des séances TP me contacteront au besoin directement (L.Debraux)

Subject: TP1_MINF0402_NOM1_NOM2_GroupeTP
(Notez les chiffres «0» et les lettres «O» et les underscores «_»!).

Vous devez rendre vos rapports strictement par binôme.

Les monômes ne seront pas corrigés.

Les plagats et copies à l'identique seront sanctionnés et tant pis si il n'est pas possible de distinguer le copieur du copié, ceci vaut aussi pour la copie de rapports des années antérieures que nous possédons archivés et les outils informatiques rendent très faciles la détection des plagats.

Vous devez utiliser votre compte de messagerie de l'université.

Vos noms: NOM1 et NOM2 seront si nécessaire abrégés à 6 caractères - en majuscules et sans caractère accentué ni espace et vous devez donc aussi préciser le groupe TP

Le préfixe « **TP1_MINF0402** » est indispensable - respectez la casse indiquée

Dans le corps du message vous devez préciser :

0) Au tout début de votre message indiquez à nouveau: TP1_MINF0402_NOM1_NOM2 puis

1) les noms complets de chaque membre du binôme

2) vous devez joindre un répertoire (g)zippé de nom similaire au sujet:

Répertoire: « TP1_NOM1_NOM2.gz » (ou .z ou zip)

ou si vous devez renvoyer une version modifiée de votre TP pour corriger un oubli ou une erreur, renvoyez là **au complet** sous la forme:

Subject: TP1_MINF0402_NOM1_NOM2_GroupeTP_v2

Répertoire: « TP1_NOM1_NOM2_v2.gz » (ou .z ou .zip)

NE METTEZ PAS DE MOT DE PASSE sur ce fichier sinon votre message risque d'être éliminé par le service de messagerie. **Ne pas utiliser de .rar, .7z et similaires mais uniquement du zip ou gzip standard.** Les outils associés sont toujours disponibles sous linux et le sont aussi sous MacOS xxx et Windows xxx.

3) Vous devez vous mettre en copie ainsi que votre binôme (En utilisant vos mails universitaires) comme destinataires de votre message. Assurez vous ainsi de la bonne réception de votre mail et du fichier attaché!!!!

Respectez strictement les consignes si vous voulez éviter que votre fichier soit perdu, ou considéré comme illisible ou non conforme ce qui vous vaudrait alors la note zéro!

Vous devez impérativement garder une copie de votre travail.

Suite -> ...

La partie à rendre concerne uniquement les exercices 4 5 et 6.

Les noms de fonctions des exercices 4, 5 et 6 sont imposés dans l'énoncé et doivent être respectés. Dans l'exercice 6, pour la fonction REDUC il sera commode d'utiliser A et b en entrée comme en sortie (c'est à dire que $U=A$ et $b=y$ au sein de REDUC)

Dans le répertoire **TP1_NOM1_NOM2** qui ne devra compter aucun sous-répertoire, il devra y avoir (liste non exhaustive:

- 1) Un fichier **ALIRE.txt** détaillant tous les fichiers et leurs utilités
- 2) Des fichiers vides créables par «touch» :

A_NOM1_COMPLET.txt (en majuscules et sans espace)

A_NOM2_COMPLET.txt (en majuscules et sans espace)

- 3) **Votre fichier de fonctions** (.sci) qui seront regroupées dans un seul fichier, ou bien - et c'est une solution souvent pratique - se trouver au début de vos fichiers de scripts. Ces fonctions devront être commentées.
- 4) **Vos fichiers de scripts** (.sce). Les scripts devront donc en particulier - si nécessaire - charger le fichier de fonctions nécessaires à leur déroulement. Les fichiers de scripts illustreront le fonctionnement de vos algorithmes de façon significative, et devront mettre en évidence que les solutions trouvées sont correctes ! Ils pourront être aussi commentés.

Ne pas faire un absurde et fastidieux script de saisie de matrices ou vecteurs en ligne. Produisez des matrices ou des vecteurs aléatoires de taille raisonnable (au moins 5 par exemple pour les exercices 4 et 5 et 10 pour l'exercice 6) que vous vous formez dans vos scripts. Il n'est pas nécessaire d'avoir des matrices à coefficients entiers. La taille doit être immédiatement ajustable dans les scripts. Vérifier que votre résultat est correct en utilisant les facilités de Scilab - dans l'exercice 5 en comparant AX et b ou en comparant X et $A \backslash b$! Dans l'exercice 6, comme il est indiqué cela sera un peu plus compliqué. Assurez vous en quittant Scilab et en le relançant que ces scripts fonctionnent et indépendamment les uns des autres !.

A priori un fichier de script pour chacun des exercices 4, 5 et 6 soit donc 3 scripts. Vous pouvez faire des pauses dans un script en utilisant la fonction `>sleep` voir le help de scilab.

- 5) **Un unique fichier rapport pdf** illustrant les déroulements de vos scripts avec vos remarques et commentaires.

Vous devez comprendre ces scripts et fonctions car vous êtes susceptibles d'être interrogés sur ceux ci. On considère que l'exécution de vos scripts s'effectuera directement depuis votre répertoire - celui que vous avez zippé et qu'il n'est de ce fait a priori pas nécessaire de s'occuper du PATH.

Les noms de fichiers et les identificateurs de variables, fonctions... ne devront compter aucun caractère accentué, spécial ou espace.

L'énoncé du TPs vous laisse une grande liberté, c'est à vous qu'il appartient d'illustrer le fonctionnement de vos programmes et de choisir les test les plus judicieux.
