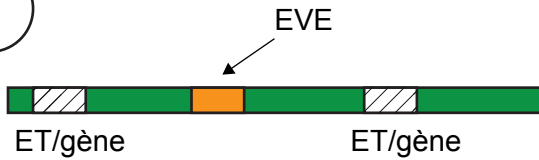


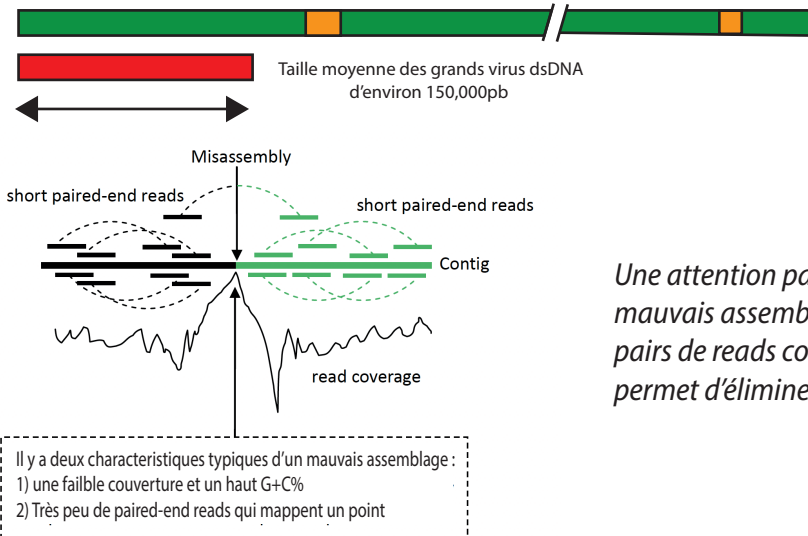
Définir les Éléments Viraux Endogènes (EVEs)

1



Définir la présence d'éléments transposables et/ou de gènes d'insectes autour des EVEs candidats peut permettre d'appuyer le caractère intégré du loci viral

2

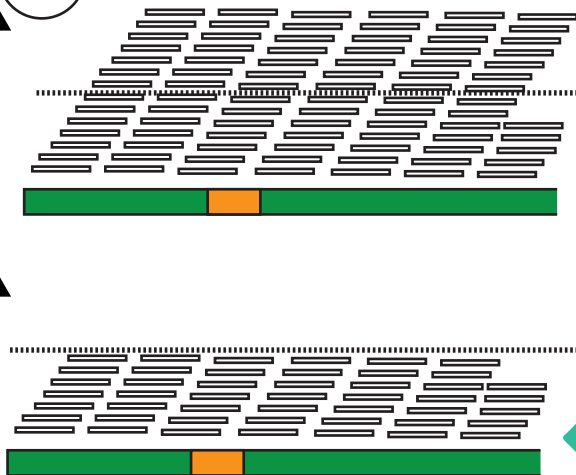


Définir la présence d'un EVEs candidat à l'intérieur d'un scaffold dont la taille est supérieure à l'attendu connu chez les virus de la famille virale donneuse peut permettre d'appuyer le caractère intégré du loci viral.

Une attention particulière doit tout de même être prise concernant les mauvais assemblages issus de séquençage illumina dans lesquels très peu de pairs de reads couvrent un point du scaffold. Utiliser le programme MEC permet d'éliminer ces mauvais assemblages (Wu et al 2020).

3

Couverture de séquençage



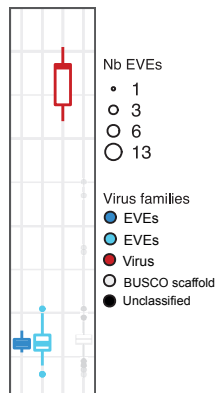
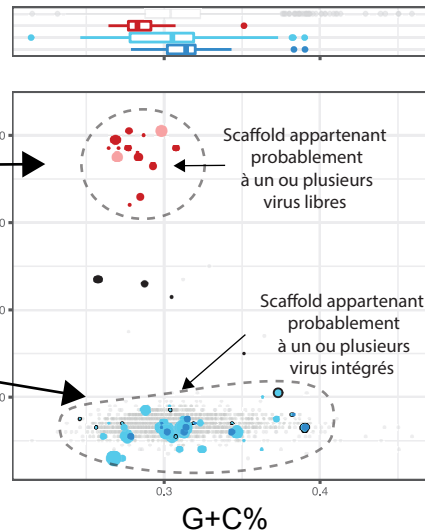
Moyenne de couverture des scaffolds qui contiennent des gènes BUSCOS



Moyenne de couverture des scaffolds qui contiennent des gènes BUSCOS



Exemple chez *P. orseoliae*



4

Degré de confiance envers une endogénisation virale

