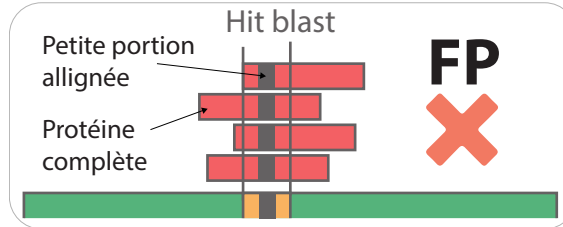
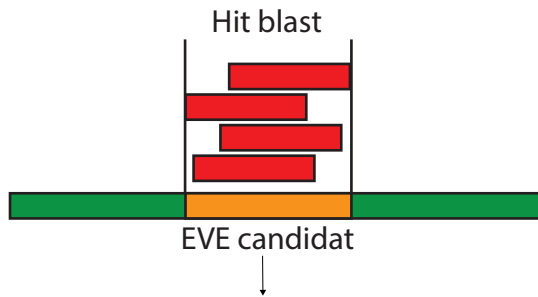
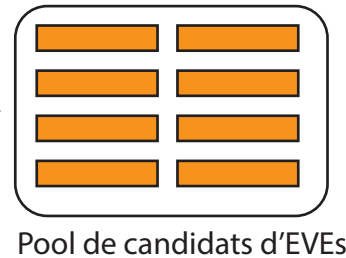
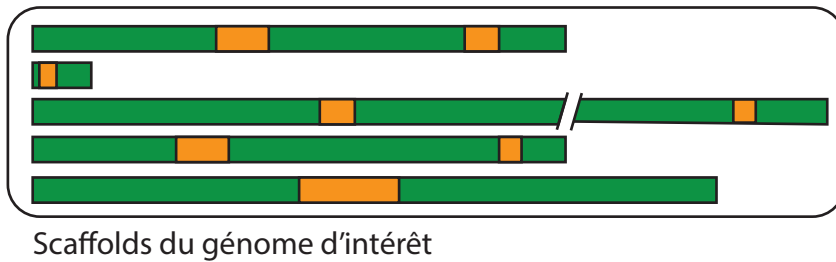


Définir des loci homologues à des protéines virales

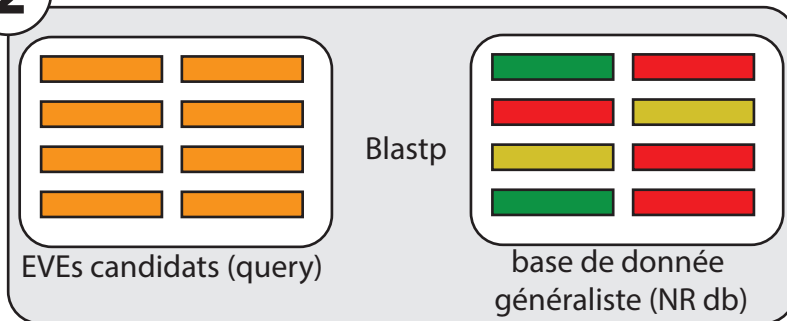
1



Forte homologie sur des domaines très conservés

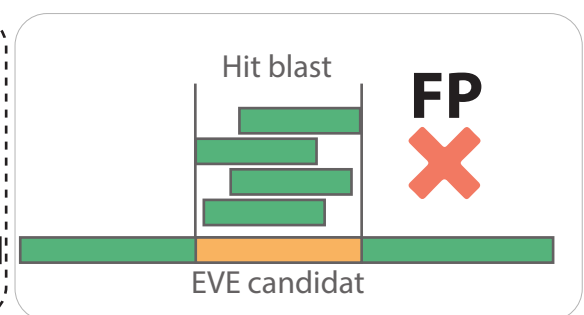
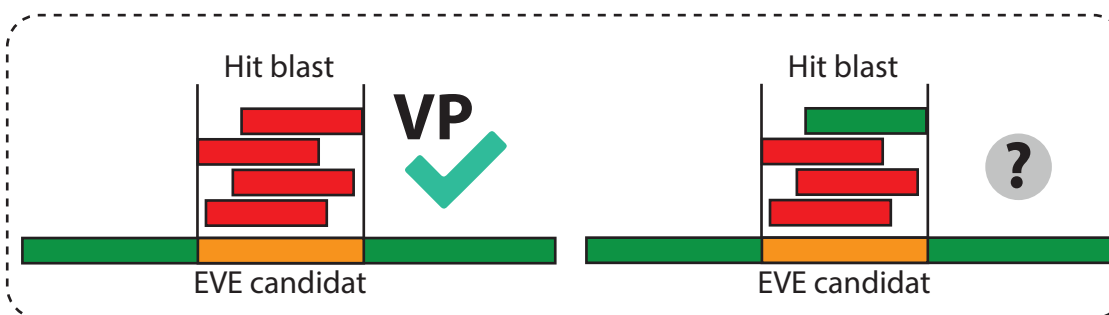


2



Le blast contre une base de donnée généraliste permet d'éliminer les EVEs candidats provenant de génomes eucaryotes et ayant été capturé par un virus.

■ Annotation taxonomique non-virale
■ (ex: eucaryote, bacterien, archée)



EVEs candidats filtrés seulement si ils ne présentent pas de signes clairs d'homologies avec des séquences eucaryotes non Hyménoptères