

Virus 1	Virus 2	Homologs	Patristic distance	Synteny score	Fragmentation score	Classification Virus 1	Classification Virus 2
DFV	LhFV	58	0,01	0,250	4,00	LbFV-like	
CcFV1	CcFV2	68	1,52	0,024	41,52		
CcFV1	LbFV	42	2,37	0,005	220,50		
CcFV1	EffV	39	2,81	0,016	63,38		
CcFV2	LbFV	41	2,32	0,007	140,08		
CcFV2	EffV	38	2,76	0,017	59,67		
LbFV	EffV	42	2,15	0,023	43,98		
MdSGHV	GpSGHV	74	1,65	0,058	17,09	Hytrosavirus	
LbFV	MdSGHV	30	3,12	0,000	NC	LbFV-like Hytrosavirus	
LbFV	GpSGHV	34	2,99	0,014	72,25		
EffV	MdSGHV	25	3,55	0,000	NC		
EffV	GpSGHV	27	3,42	0,000	NC		
CcFV1	MdSGHV	27	3,33	0,000	NC		
CcFV1	GpSGHV	34	3,20	0,000	NC		
CcFV2	MdSGHV	28	3,28	0,010	98,00		
CcFV2	GpSGHV	38	3,06	0,006	180,50		
NeseNPV	CpV	34	1,64	0,026	38,21	Gammabaculovirus Betabaculovirus	
NeseNPV	AcMNPV	37	1,65	0,035	28,52		
NeseNPV	LdMNPV	38	1,68	0,031	32,09		
GbNV	DmNV_tom	64	1,3	0,059	17,07	Alphanudivirus	
GbNV	OrNV	72	1,3	0,053	18,80		
DhNV	HzNV1	36	1,68	0,015	64,80	Gammanudivirus	Betanudivirus
DhNV	ToNV	36	1,7	0,016	64,00		Deltanudivirus