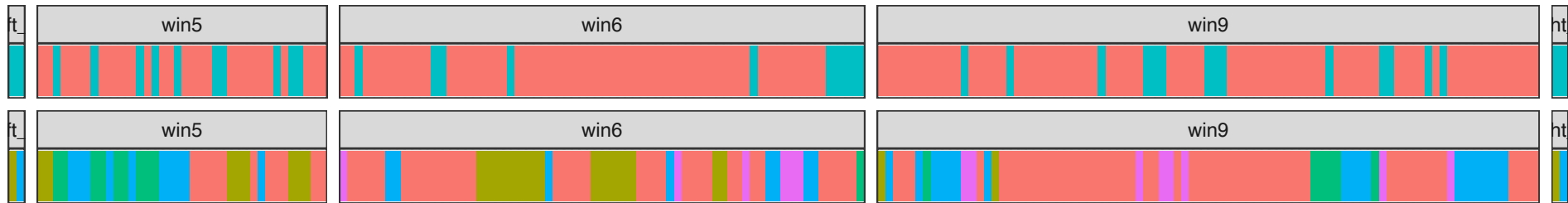


haplotag ■ no ■ yes



as.factor(loci_id)

tidy_annot ■ intergenic ■ intron ■ NS ■ S ■ UTR