# Interprétation de mutations génotypiques pour la résistance aux antiviraux (HSV-1)

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Date du séquençage:** | SEQDATE | **Numéro de tube:** | IDTUBE |
| **Initials du patient:** | IDPATIENT | **Matériel:** | Serum |

## Résultat du séquençage du gène UL23[[1]](#footnote-1) RES-UL23-HHV1

## Résultat du séquençage du gène UL301 RES-UL30-HHV1

**Conclusion de l’analyse :**

CONCLUSIONSDELANALYSE

**Virus probablement résistant à :**

**Virus probablement susceptible à :** LISTESUSCEPTIBLES

1. Résultat non accrédité. Séquençage avec la technologie Oxford Nanopore à lectures longues. Séquençage comparé à la souche de référence NC\_001806.2 connu susceptible.

   \* Ce symbole représente la formation d’un codon d’arrêt prématuré de la traduction. [↑](#footnote-ref-1)