

# 大人群基因组学 一站式解决方案

超高通量・超低成本・超强定制



- ☑ 大人群基因组解决方案;
- ☑ 超高通量,单台测序仪年产高深度WGS≥5万个;
- ☑ 超低成本,新型测序方案可有效降低成本;
- ☑ 超强组合,全流程可定制,满足5万到百万级基因组测序需求;
- ☑ 全程监控,从样本到报告全程自动化。

# ◎ DNBSEQ-T10×4RS 简介

DNBSEQ-T10×4RS 基因测序系统是一款基于华大智造 DNBSEQ™ 专利测序技术打造的高通量测序仪,专注于满足超大通量测序需求

读长	PE100
有效 Reads 数 **	360Gb
平均数据产出	72Tb
运行时间 ***	96h
数据质量 ****	Q30 ≥ 85%

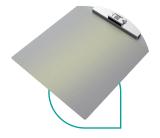
# 测序参数

一台 DNBSEQ-T10×4RS 支持 8 张测序载片同时运行,每天生产最高达 20Tb(约 200 个高深度\*人类全基因组)的测序数据。单套测序系统可年产超过 5 万个高深度 WGS。

- \* 测序深度为 30 ×;
- \*\* 数据量以运行8张测序芯片为标准;
- \*\*\* 运行时间包括 DNB 装载和测序,但不包括 FASTQ 文件生成,该过程不占用测序仪时间;
- \*\*\*\* ≥Q30 的碱基比例基于使用 DNBSEQ-T10×4RS 对 WGS 标准文库进行测序计算而得到。



首创浸没测序生化技术, 实现测序试剂重复利用, 支持大尺寸测序载片, 显著节约耗材成本。



DNBSEQ-T10×4RS 开放式测序载片 装载密度达到 4 百万 /mm<sup>2</sup>, 单张载片可装载 70Gb DNB。

# 创新技术

不同于其他平台采用的流道式芯片(Flowcell)和封闭式反应体系,DNBSEQ-T10×4RS运用了浸没式生化方案和开放式反应体系,实现了测序读长、测序通量、数据质量以及成本投入之间的最佳平衡。

	PE100				
Sample	NA12878	NA24694	NA24695		
Clean data rate	99.97	99.98	99.98		
Clean Q30(%)	91.565	91.625	91.62		
Mapping rate(%)	99.81	99.81	99.81		
Duplicate rate(%)	1.03	0.83	0.88		
Mismatch rate(%)	0.3	0.3	0.3		
Average sequencing depth(×)	30.66	30.76	30.71		
Coverage(%)	99.2	99.89	99.21		
Coverage at least 20×(%)	94.39	90.91	94.39		
SNP_Precision	0.9994	0.9991	0.9992		
SNP_Sensitivity	0.9908	0.9929	0.9927		
INDEL_Precision	0.9901	0.9918	0.9917		
INDEL_Sensitivity	0.9807	0.9803	0.9802		

### 测序数据质量

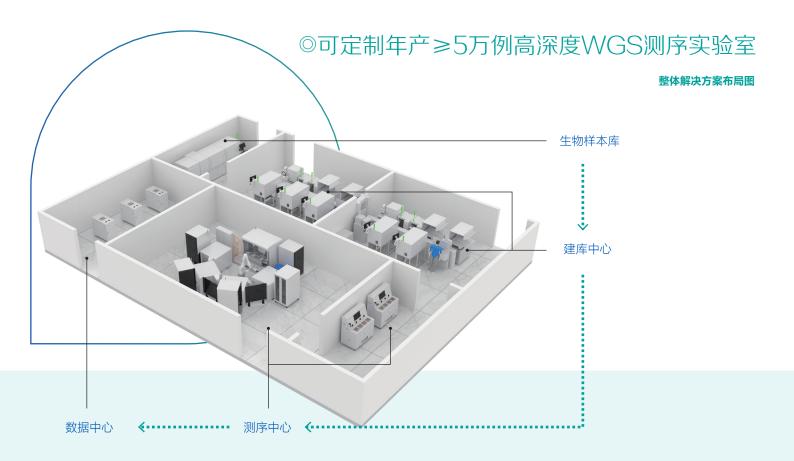
我们用 DNBSEQ-T10×4RS 对人类参考基因组 NA12878、NA24694 和 NA24695 进行了 PE100 测序。

30×WGS 数据的生信分析表明,结合华大智造的 PCR free 技术,DNBSEQ-T10×4RS 检测 SNP 的准确度和灵敏度都达到或超过了 99%; 检测 Indel 的准确度和灵敏度也达到或超过了 98%,达到行业内领先水平。

- ◎ 样本 —— 人细胞系
- 试剂盒 MGIEasy 酶切 PCR-Free DNA 文库制备试剂套装
- ◎ 测序类型— PE100
- 数据分析─ MegaBOLT

# ◎ 整体解决方案-可定制化和自动化





### 5万级和50万级测序整体解决方案规划\*

	区域名称	生物样本库	建库中心		测点点心	数据中心
			文库制备	DNB 制备	测序中心	数据 <b>平</b> 心
	主要功能	全血分离为血浆 和白膜层,完成 gDNA 提取	从 gDNA 开始 制备文库	从文库开始制备 DNB	DNB 装载、测序	Write Fq,生信分析, 实验室管理系统
	面积 ( m² ) **	50	50	50	100	20
5万高深度 WGS/年	关键设备	MGISP-960	MGISP-96XL	MGISP-96XL	DNBSEQ-T10×4RS	ZLIMS/ZTRON/ MegaBOLT Pro
50 万 高深度 WGS/ 年	面积 ( m² )	100	150	150	500	50
	关键设备	MGIGLab-S MGISP-960	MGIGLab-L	MGISP-96XL	DNBSEQ-T10×4RS	ZLIMS Elite/ZTRON/ MegaBOLT Pro

- 通过定制化设备数量与配置、场地、人员,可支持年产 5万~50万的全基因组测序(测序深度:30×)。此为核心功能区域建议面积,需根据现场实际情况具体规划。

## 深圳华大智造科技股份有限公司

深圳市盐田区 北山工业区综合楼 518083

www.mgi-tech.com

MGI-service@mgi-tech.com

Twitter: https://twitter.com/MGI\_BGI

LinkedIn: https://www.linkedin.com/company/mgi-bgi

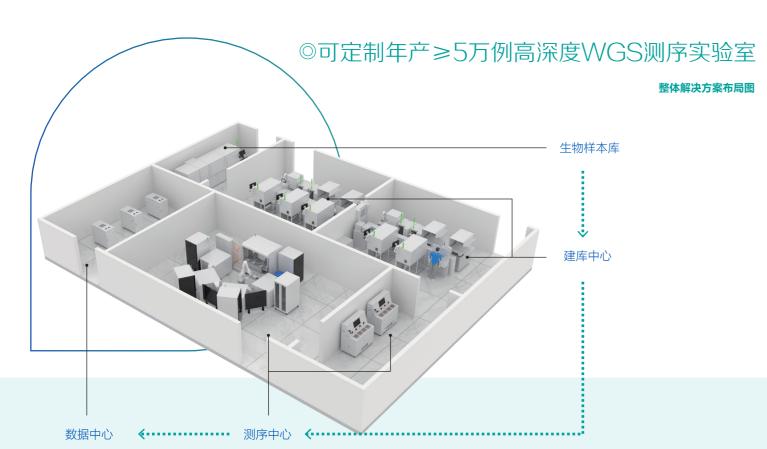
4000-966-988

版权声明: 本手册版权属于深圳华大智造科技股 份有限公司所有,未经本公司书面许可,任何其他 个人或组织不得以任何形式将本手册中的各项内 容进行复制、拷贝、编辑或翻译为其他语言。本手 册中所有商标或标识均属于深圳华大智造科技股

版本: 2020年11月版 | MGPB0912201









区域名称		4+4/m+Y- <del></del>	建库中心			whin it i	
		区或名称	生物样本库	文库制备	DNB 制备	测序中心	数据中心
		主要功能	全血分离为血浆和白膜层,完成gDNA提取	从 gDNA 开始 制备文库	从文库开始制备 DNB	DNB 装载、测序	Write Fq,生信分析, 实验室管理系统
5万 高深度 WGS/ 年		面积 ( m²) **	50	50	50	100	20
	万 高深度 WGS/ 年	关键设备	MGISP-960	MGISP-96XL	MGISP-96XL	DNBSEQ-T10×4RS	ZLIMS/ZTRON/ MegaBOLT Pro
50 万 高深度 WGS/ 年		面积 ( m² )	100	150	150	500	50
	关键设备	MGIGLab-S MGISP-960	MGIGLab-L	MGISP-96XL	DNBSEQ-T10×4RS	ZLIMS Elite/ZTRON/ MegaBOLT Pro	

- \* 通过定制化设备数量与配置、场地、人员,可支持年产5万~50万的全基因组测序(测序深度:30×)。
  \*\* 此为核心功能区域建议面积,需根据现场实际情况具体规划。

# 深圳华大智造科技股份有限公司

深圳市盐田区 北山工业区综合楼 518083



MGI-service@mgi-tech.com

Twitter: https://twitter.com/MGI\_BGI

LinkedIn: https://www.linkedin.com/company/mgi-bgi

4000-966-988



版本: 2020年11月版 | MGPB0912201





# 大人群基因组学 一站式解决方案

超高通量・超低成本・超强定制



- ☑ 大人群基因组解决方案;
- ☑ 超高通量,单台测序仪年产高深度WGS≥5万个;
- ☑ 超低成本,新型测序方案可有效降低成本;
- ☑ 超强组合,全流程可定制,满足5万到百万级基因组测序需求;
- ☑ 全程监控,从样本到报告全程自动化。

# ◎ DNBSEQ-T10×4RS 简介

DNBSEQ-T10×4RS 基因测序系统是一款基于华大智造 DNBSEQ™ 专利测序技术打造的高通量测序仪,专注于满足 超大通量测序需求

读长	PE100
有效 Reads 数 **	360Gb
平均数据产出	72Tb
运行时间 ***	96h
数据质量 ****	Q30 ≥ 85%

测序参数

一台 DNBSEQ-T10×4RS 支持8 张测序载片同时运行,每天生产最高达20Tb(约200个高深度\*人类全基因组)的测序数据。单套测序系统可年产超过5万个高深度WGS。

- \* 测序深度为 30×
- \*\* 数据量以运行8张测序芯片为标准;
- \*\*\* 运行时间包括 DNB 装载和测序,但不包括 FASTO 文件生成,该过程不占用测序仪时间
- \*\*\*\* ≥Q30 的碱基比例基于使用 DNBSEQ-T10×4RS 对 WGS 标准文库进行测序计算而得到。







DNBSEQ-T10×4RS 开放式测序载片 装载密度达到 4 百万 /mm<sup>2</sup>, 单张载片可装载 70Gb DNB。

## 创新技术

不同于其他平台采用的流道式芯片(Flowcell)和封闭式反应体系,DNBSEQ-T10×4RS运用了浸没式生化方案和开放式反应体系,实现了测序读长、测序通量、数据质量以及成本投入之间的最佳平衡。

	PE100				
Sample	NA12878	NA24694	NA24695		
Clean data rate	99.97	99.98	99.98		
Clean Q30(%)	91.565	91.625	91.62		
Mapping rate(%)	99.81	99.81	99.81		
Duplicate rate(%)	1.03	0.83	0.88		
Mismatch rate(%)	0.3	0.3	0.3		
Average sequencing depth(x)	30.66	30.76	30.71		
Coverage(%)	99.2	99.89	99.21		
Coverage at least 20×(%)	94.39	90.91	94.39		
SNP_Precision	0.9994	0.9991	0.9992		
SNP_Sensitivity	0.9908	0.9929	0.9927		
INDEL_Precision	0.9901	0.9918	0.9917		
INDEL_Sensitivity	0.9807	0.9803	0.9802		

## 测序数据质量

我们用 DNBSEQ-T10×4RS 对人类参考基因组 NA12878、NA24694 和 NA24695 进行了 PE100 测序。

30×WGS 数据的生信分析表明,结合华大智造的PCR free 技术,DNBSEQ-T10×4RS 检测SNP 的准确度和灵敏度都达到或超过了99%;检测Indel 的准确度和灵敏度也达到或超过了98%,达到行业内领先水平。

- 样本 人细胞系
- 试剂盒 MGIEasy 酶切 PCR-Free DNA 文库制备试剂套装
- ◎ 测序类型— PE100
- ◎ 数据分析─ MegaBOLT

# ◎ 整体解决方案-可定制化和自动化

