Práctica 3

Alejandro Borrego Megías, Blanca Cano Camarero

Curso 2020-2021

Índice

Communities and Crime Data Set	3
Consideraciones previas	3
Descripción del problema	3
Interés de la variable	4
Codificación de los datos de entrada	4
Separación test y entrenamiento	4
Eliminación de valores atípicos	5
Normalizamos los datos	5
Reducción de dimensión PAC	6
Métrica de error	7
Modelo Lineal: SVM aplicado a Regresión con Kernel Lineal.	8
Estimación de Parámetros	_
	12
runcion i eruida y itegularizacion	14
Random Forest	13
Función Pérdida y Regularización	19
Perceptrón multicapa regresión	21
, , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	22
r	23
	25 25
Estudiaremos anora er learning rate	20
Estimadores dummy	28
Tabla comparativa modelos	30
Selección del modelos	30
Errores fuera de la muestra	30

Apéndice																31
Attribute Information																31

Communities and Crime Data Set

Consideraciones previas

• Para ejecutar el problema la estructura de fichero debe de ser la siguiente:

- Todos los tiempos que se muestren estarán en segundos.
- Las prestaciones del equipo en que han sido medidas son:
 - Procesador Intel core i5 de las séptima generación.
 - 8 gigas de ram.

Los datos han sido obtenidos de

https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/communities+and+crime

Descripción del problema

Estamos ante un problema de regresión (aprendizaje supervisado) donde se pretende determinar el número total de crímenes violentos por cada 10^5 habitantes

Esta vez se trata de 1994 instancias que recogen información diversa (raza, renta per cápita, divorciados...) sobre la población de regiones de Estados Unidos,

Los datos que nos da están normalizado, por lo que consideramos la matriz de característica $\mathcal{X} = [0,1]^{122}$, el vector de etiquetas $\mathcal{Y} = [0,1]$ y queremos aprender una función $f: \mathcal{X} \to \mathcal{Y}$ que asigne a cada ejemplo la cantidad (normalizada) de crímenes violentos que se producen por cada 100,000 habitantes.

Enfoque elegido para resolver el problema

- Preprocesado de datos (eliminar tributos perdidos, quitar outliers, normalización).
- Intento de resolución mediante modelo lineal.
- E intentamos modelos no lineales (SVM, random forest, boosting, MLP).

Interés de la variable

Las etiquetas aportadas son en total 122 predictivas, 5 no predictivas (state, country, community, community, community, ame y fold) y una objetivo (ViolentCrimesPerPop). Para leerlas de forma explícita consultar Attribute Information del apéndice.

Buscando los mejores hiperparámetros.

Codificación de los datos de entrada

Para leer los datos nos enfrentamos a dos problemas:

- Existencia de atributos nominales y no predictivos.
- Hay pérdida de datos.

Atributos no predictivos y nominales

Atendiendo a Attribute Information tenemos que los cinco primeros atributos son no predictivos, luego los eliminamos directamente en el programa de las prácticas.

El resto de valores son decimales, luego los procesamos sin problema.

Pérdida de datos

Como se indica en la documentación hay datos perdidos, cierta cantidad de datos perdidos en un mismo atributo da lugar a que esta sea de poca utilidad.

Aplicamos el criterio dado en el guión, eliminamos los atributos que tengan una pérdida mayor o igual del 20 %, para el resto los completamos con la media de valores válidos de ese atributo más un valor aleatorio dentro del intervalo $[-1,5\sigma,1,5\sigma]$ siendo σ la desviación típica de la variable dicha.

Todo esto se implementa en nuestra función TratamientoDatosPerdidos(x, porcentaje_eliminacion = 20).

Separación test y entrenamiento

Utilizamos la separación clásica: $20\,\%$ de los datos para test y el resto para entrenamiento , ya que el tamaño de muestra 1994 los consideramos suficiente. Antes de hacer la separación se han desordenado los datos y a partir de ahora solo se trabajará con los datos del conjunto de entrenamiento.

Eliminación de valores atípicos

Vamos conservar los datos dentro de un intervalo de confianza del 0.997, para eliminar posibles ruidos.

La función utilizada para esto ha sido

```
def EliminaOutliers(y, proporcion_distancia_desviacion_tipica = 3.0):
    OUTPUT
    (muestra en pantalla alguna información sobre el cálculo de la máscara)
    mascara_y_sin_outliers
    y: etiquetas a las que quitar el outliers
   proporcion_distancia_desviacion_tipica = 3.0
    Información sobre cómo elegir la proporcion distancia desviacion tipica:
    Alguna relaciones:
    distancia / intervalo de confianza:
             1 0.683
    1.282
              1 0.8
             1 0.9
    1.644
             1 0.954
    3
             1 0.997
    3.090
            1 0.998
             1 0.9999367
    5
             1 0.99999942
    111
```

Normalizamos los datos

Nos dicen que todos los datos están normalizados al intervalo [0,1], pero por preprocesados anteriores como haber eliminado outliers es necesario tipificar.

El interés de esto es que algunos de los modelos utilizados son sensibles al escalado de los datos y se recomienda en su documentación normalizarlos primero.

Existen diferentes métodos de transformación (z-score, min-max, logística...), nosotros hemos optado por el Z-score. ("Sobre normalización En Aprendizaje Automático" n.d.) Que consiste en una transformación de la variable aleatoria X a otra, Z de media cero y varianza uno.

$$Z = \frac{x - \bar{x}}{\sigma}$$

Donde \bar{x} representa la media de X y σ la desviación típica.

Para la implementación utilizamos la función StandardScaler() y los métodos fit_transform(x_train) y scaler.transform(x_test). (StandardScaler?)

La necesidad de estos método es normalizar a partir de los datos de entrenamiento, guardar la media y varianza de estos datos y luego aplicar la misma transformación (con los mismo datos de entrenamiento) al test, esto se realiza así ya que si se aplicara la transformación a todos los datos se estaría cometiendo data snopping.

Reducción de dimensión PAC

Las ventajas que nos puede aplicar una reducción PAC es a nivel computacional o para poder visualizar los datos. Puesto que nuestro data set es de tamaño razonable no consideramos conveniente su utilización ya que solo nos restaría en bondad del ajuste.

Tampoco creemos que nos vaya a aportar ninguna ventaja la visualización de los datos por T-SNE, es por ello que prescindimos de ella también.

Procesado aplicado a los datos

Acabamos el preprocesado con los siguientes posibilidades para conjunto de entrenamiento:

- x_train: Sin outliers, normalizado.
- x_train_sin_normalizado: sin outliers, normalizado.
- x_train_outliers_normalizado: con outliers, normalizado.
- x_train_con_outliers: con outliers, sin normalizar.

Si nos fijamos en la dimensión de la matriz de características x dependiendo de la transformación utilizada podemos observar lo siguiente:

Tabla 1: Dimensiones obtenidas en X tras preprocesado de los datos

Datos	dimensión
x_train	(1556, 100)
x_train_con_outliers	(1595, 100)

Como podemos observar, de las 122 características posibles que tenía nuestra matriz x de entrenamiento en un principio, como 5 no son predictivos y la última columna son las etiquetas correspondientes a cada fila, el conjunto de atributos se nos queda en 116.

Después, tras la gestión de atributos perdidos se eliminaron 16 atributos (pues tenían más de un $20\,\%$ de valores perdidos), quedándose así un total de 100 características que utilizaremos para entrenar nuestros modelos.

Por otra parte, en el proceso de eliminar outliers (como se puede ver en el número de filas) se eliminan un total de 39 filas.

- SVM con kernel lineal
- Random forest

Métrica de error

Para este problema vamos a utilizar el coeficiente de determinación \mathbb{R}^2 para analizar la bondad de un ajuste.

El motivo principal es que se encuentra acotado en el intervalo [0,1] siendo uno el mejor ajuste posible.

Esta métrica se calcula de la siguiente manera:

$$R^2(y,\hat{y}) = 1 - \frac{\sum_{i=1}^{n} (y_i - \hat{y_i})^2}{\sum_{i=1}^{n} (y_i - \bar{y})^2}$$

Donde $\bar{y} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} y_i$

Cabe destacar que aunque teóricamente el valor está acotado, por le método de cálculo de la propia biblioteca de scikit learn, existen caso en que es arbitrariamente peor. En estos casos nosotros hemos optado por plasmar ese cálculo negativo en la memoria, pero a nivel teórico se considerará que el modelo no explica nada, es decir que $R^2=0$.

Modelo Lineal: SVM aplicado a Regresión con Kernel Lineal.

Hemos optado por usar este modelo lineal implementado en la clase LinearSVR de sklearn usando como función de pérdida la de epsilon_insensitive (que explicaremos más adelante). Una vez entrenado el modelo, como en todos los modelos siguientes, usaremos el coeficiente de determinación R^2 para determinar la bondad del ajuste.

No vamos reducir la dimensionalidad del problema, ya que no lo vimos oportuno por el poco número de características y por la información que se podía perder. Finalmente comentar que usaremos los datos normalizados y sin Outliers, además haremos una transformación polinómica a la matriz de entrenamiento para añadir características cuadráticas.

Estimación de Parámetros

Nota:Este proceso es costoso computacionalmente hablando, y por esto el código se encuentra comentado, para comprobar los valores que se describen aquí abajo descomentar el código:

En este modelo solo vamos a estimar el hiperparámetro **epsilon** y \mathbf{C} , el primero determina la anchura del pasillo en torno al estimador y C es el término de regularización, ambos se usan en la función de error (epsilon_insensitive). El resto de parámetros los mantendremos por defecto. Así los resultados que obtenemos son los siguientes:

Parámetro C:

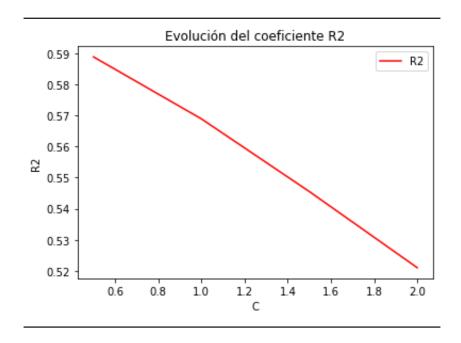
El valor por defecto es 1, así que vamos a tomar valores entorno al 1, como son el 0.5, 1, 1.5 y 2.

Mejores parámetros: {'C': 0.5}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.5888467272010589

Tabla 2: Tabla para el parámetro C

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
C 0.5	0.5888	1	34.0404
C 1	0.5689	2	35.6532
C 1.5	0.5455	3	34.6849
C 2	0.5210	4	20.8280

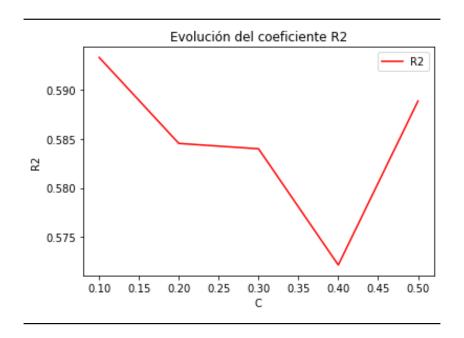


Como podemos observar el máximo parece estar antes del 0.5, por eso vamos a probar entre 0.1 y 0.5 con pasos de 0.1:

Mejores parámetros: {'C': 0.1} Con una \mathbb{R}^2 de: 0.5932866031483144

Tabla 4: Tabla para el parámetro C

	abia 1. 1abi	a para er pe	arametro e
Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
C 0.1	0.5933	1	29.1086
C 0.5	0.5888	2	25.9276
C 0.2	0.5845	3	30.6160
C 0.3	0.5840	4	31.5158
C 0.4	0.5722	5	31.6116



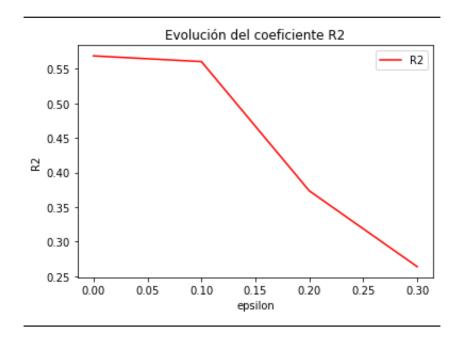
Así, como podemos ver el máximo se alcanza en 0.1, y será ese el valor que tomemos para $\mathcal C$

Pasamos ahora a estudiar el parámetro ϵ :

En primero como el valor por defecto es 0, vamos a tomar estos valores: 0.0,0.1,0.2,0.3.

Mejores parámetros: {'epsilon': 0.0} Con una \mathbb{R}^2 de: 0.56890579922534

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
epsilon 0.0	0.5689	1	33.0511
epsilon 0.1	0.5607	2	24.7232
epsilon 0.2	0.3734	3	8.7525
epsilon 0.3	0.2636	4	0.2419



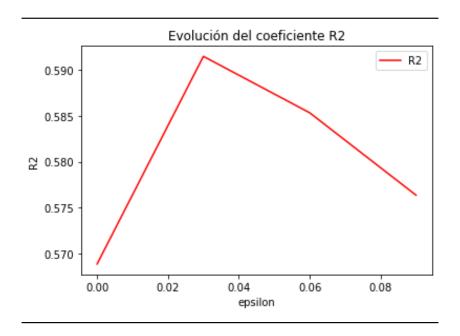
Como vemos la gráfica es decreciente, lo que nos hace pensar que para este modelo lo mejor es que el pasillo sea prácticamente con $\epsilon=0$. No obstante vamos a probar con algunos valores entre 0 y 0.1, como son 0.03,0.06 y 0.09:

Mejores parámetros: {'epsilon': 0.03}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.5914477460146103

Tabla 8: Parámetro ϵ

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
epsilon 0.03	0.5914	1	35.6540
epsilon 0.06	0.5853	2	35.3626
epsilon 0.09	0.5764	3	18.8831
epsilon 0.0	0.5689	4	34.6573



Como vemos, el máximo se alcanza en $\epsilon=0.03$ luego este será el valor que usemos para nuestro modelo. Tras esto aplicamos nuestro modelo al conjunto de datos de test obteniendo los siguientes resultados:

Evaluando SVM aplicado a Regresión

E_in en entrenamiento: 0.6872076565729107
E_test en validación: 0.6252723796692914

Función Pérdida y Regularización

En nuestro caso, el objetivo es minimizar el siguiente problema primal:

$$\min_{w,b} rac{1}{2} w^T w + C \sum_{i=1} \max(0, |y_i - (w^T \phi(x_i) + b)| - arepsilon),$$

como hemos comentado, solo computan aquellos errores fuera del pasillo marcado por ϵ , y C es el término de regularización.

Los mejores hiperparámetros encontrados han sido caso C=0.1 y $\epsilon = 0.03$.

Random Forest

En el modelo Random Forest se construyen n_estimators árboles de decisión usando la totalidad de la muestra para la construcción de cada uno, pero sólo un subconjunto de las características para disminuir la correlación entre los árboles. Vamos a usar, tal y como se vió en teoría, la raíz cuadrada del número de características, ya que la propia función de sklearn lo recomienda y porque empíricamente se sabe que esa cantidad da unos buenos resultados. Después de esto, se hace la media de los árboles obtenidos para evitar el overfitting y reducir la variabilidad.

Hemos optado por este modelo por su capacidad para lograr un bajo sesgo y una baja variabilidad (aunque para esto tendremos que usar regularización, como se explicará más adelante).

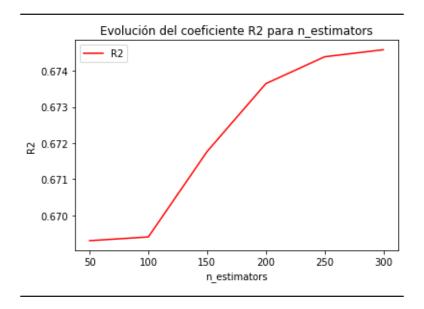
Los conjuntos de datos que usaremos serán los de entrenamiento estandarizados con y sin Outliers.

Estimación de parámetros

La función de sklearn.ensemble que usaremos es RandomForestRegressor, y como podemos observar esta función dispone de múltiples hiperparámetros para modificar (profundidad máxima de cada árbol, máximo número de nodos terminales, mínimo número de muestras en cada nodo, . . .) pero de todos estos hiperparámetros sólo nos centraremos en uno: n_estimators. Éste nos permite controlar el número de árboles que usaremos para entrenar los datos. El resto de estimadores los tomamos por defecto.

En primer lugar, probamos a usar los datos de entrenamiento estandarizados con y sin Outliers, obteniendo un mejor error de validación cruzada en los datos con Outliers (0.6317frente a 0.6746), por lo que a partir de ahora serán los que usemos para afinar el modelo.

Para elegir un valor de $n_{estimators}$, representamos el coeficiente de determinación R^2 usando validación cruzada con diferentes valores de éste parámetro entre 50 y 300, obteniendo los siguientes resultados



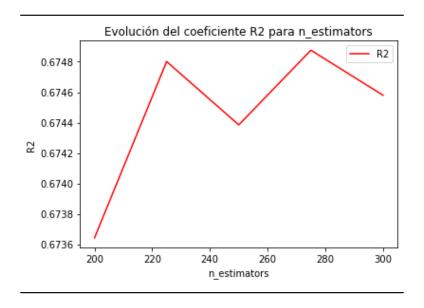
Mejores parámetros: {'max_features': 'sqrt,' 'n_estimators': 300}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.6317213836930409

Tabla 12: Tabla de parámetros usados

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
max_features sqrt n_estimators 300	0.6317	1	2.2426
max_features sqrt n_estimators 150	0.6307	2	1.2035
max_features sqrt n_estimators 250	0.6307	3	2.0007
max_features sqrt n_estimators 200	0.6298	4	1.6041
max_features sqrt n_estimators 100	0.6288	5	0.7928
$max_features\ sqrt\ n_estimators\ 50$	0.6248	6	0.4569

Observamos que \mathbb{R}^2 es creciente a medida que aumentan los árboles del bosque, pero dicho aumento conlleva también un mayor coste computacional, y es por eso que nos preguntamos si merece la pena usar un número muy elevado de árboles. Además como podemos ver en el gráfico anterior, entre 200 y 300 parece que la curva crece mucho más lentamente, por eso vamos a tomar nuevas mediciones entre 200 y 300 de 25 en 25 obteniendo lo siguiente:



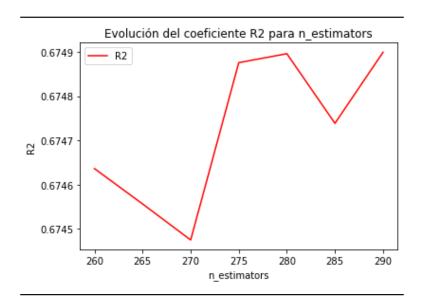
Mejores parámetros: {'max_features': 'sqrt,' 'n_estimators': 275}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.6748757239989758

Tabla 14: Tabla de parámetros usados

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
max_features sqrt n_estimators 275	0.6749	1	2.6051
max_features sqrt n_estimators 225	0.6748	2	1.8878
max_features sqrt n_estimators 300	0.6746	3	2.3295
max_features sqrt n_estimators 250	0.6744	4	2.1491
$max_features\ sqrt\ n_estimators\ 200$	0.6736	5	1.6467

Dónde vimos que parece que se alcanza el máximo entorno a 260-290 árboles. Así, decidimos que el valor óptimo estaría dentro de este intervalo y repetimos ahí el experimento con un salto de 5 árboles en cada iteración como podemos ver aquí:



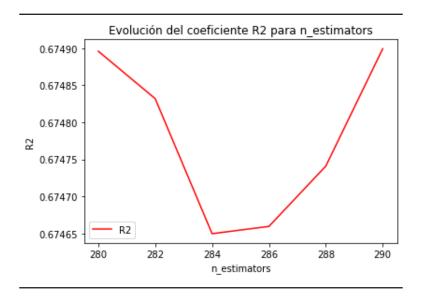
Mejores parámetros: {'max_features': 'sqrt,' 'n_estimators': 290}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.6748993027349519

Tabla 16: Tabla de parámetros usados

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
max_features sqrt n_estimators 290	0.6749	1	1.9222
max_features sqrt n_estimators 280	0.6749	2	2.3503
max_features sqrt n_estimators 275	0.6749	3	2.4055
max_features sqrt n_estimators 285	0.6747	4	2.4256
max_features sqrt n_estimators 260	0.6746	5	2.1476
max_features sqrt n_estimators 265	0.6746	6	2.3622
max_features sqrt n_estimators 270	0.6745	7	2.5613

Obtuvimos el valor máximo con 290 árboles, y finalmente para afinar un poco más, se repitió por última vez el experimento entre 280 y 290 con saltos de 2 en 2:



Mejores parámetros: {'max_features': 'sqrt,' 'n_estimators': 290}

Con una \mathbb{R}^2 de: 0.6748993027349519

Tabla 18: Tabla de parámetros usados

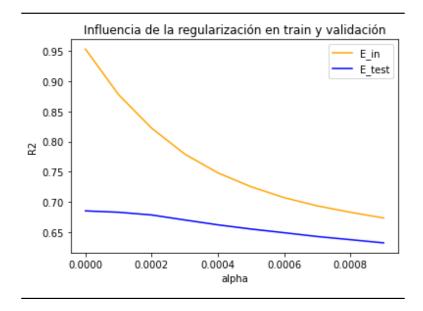
Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Desviación tipica \mathbb{R}^2	Ranking	tiempo medio ajuste
max_features sqrt n_estimators 290	0.6749	0.0198	1	1.9802
max_features sqrt n_estimators 280	0.6749	0.0196	2	2.3991
max_features sqrt n_estimators 282	0.6748	0.0195	3	2.4906
max_features sqrt n_estimators 288	0.6747	0.0197	4	2.4111
max_features sqrt n_estimators 286	0.6747	0.0197	5	2.4811
max_features sqrt n_estimators 284	0.6746	0.0197	6	2.7908

Al ver que de nuevo el máximo era 290 decidimos establecer ese valor para $n_estimators$.

A continuación medimos el coeficiente R^2 sobre el conjunto de train, obteniendo 0.9532. Esto nos hace pensar que el modelo sobreajusta e intentamos regularizar para reducir la complejidad (el número de nodos) de cada árbol penalizando con el parámetro $\mathbf{ccp}_{-}\mathbf{alpha}$.

El valor por defecto de ccp_alpha es 0 y para probarlo hemos dividido el conjunto de Train en dos, un 80 % para probar diversos valores de ccp_alpha y el otro 20 % como conjunto de validación, para ver cómo afecta la regularización al error de validación.

Variaremos el alfa entre 0.0001 y 0.001 con saltos de 0.0001 unidades en cada iteración. Los resultados obtenidos son los siguientes:



Como podemos observar, la regularización reduce considerablemente el sobreajuste sobre los datos de entrenamiento y en cambio el error de validación apenas se reduce, por lo que consideramos como valor el ccp_alpha=0.0006, ya que consideramos que consigue un buen comportamiento tanto en el conjunto de entrenamiento como en validación.

alpha= 0.000600000000000001

Evaluando Random Forest

E_in en entrenamiento: 0.7070096167353577 E_val en validación: 0.6489352273229924

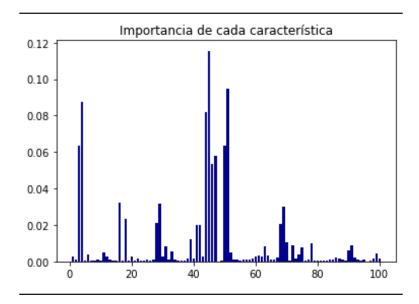
Así los resultados finales sobre entrenamiento y test con el modelo serían:

Evaluando Random Forest

E_in en entrenamiento: 0.6944214297507898

E_test en test: 0.6126615255453305

Finalmente, comentar los atributos que tienen más importancia en el árbol de decisión que hemos obtenido:



Donde podemos apreciar que los atributos más importantes serían los que ocupan la posición 44,49 y 3 en orden de mayor a menor.

Función Pérdida y Regularización

La función de pérdida que intenta minimizar cada uno de los árboles de decisión que promedia random forest es:

$$R(T) = \sum_{m=1}^{|T|} N_m Q_m(T) + \alpha |T|$$

Veamos qué significa cada elemento: |T| es el número de nodos del árbol T, N_m es el número de instancias que caen en el nodo terminal m, α el coeficiente que penaliza la complejidad del árbol (para regularizar) y $Q_m(T)$ la medida de impureza del nodo terminal m.

Como medida de impureza, tomamos Gini Index, que es la siguiente:

$$Q_m(T) = \sum_{k=1}^K p_{mk}(1-p_{mk})$$

dónde p_{mk} es la proporción de la clase k en el nodo m.

Dado que nosotros usaremos una regularización con alpha=0,0006 nuestra función a minimizar será:

$$R(T) = \sum_{m=1}^{|T|} N_m Q_m(T) + 0,\!0006|T|$$

Perceptrón multicapa regresión

Elegimos este modelo porque sabemos que es un aproximador universal (Hornik, Kurt; Tinchcombe, Maxwell; White, Halbert (1989). Multilayer Feedforward Networks are Universal Approximators (PDF). Neural Networks, Vol. 2, pp. 359-366, 1989. Pergamon Press plc.)

Para esta implementación vamos a utilizar la función

```
sklearn.neural_network.MLPRegressor(
hidden_layer_sizes=100, activation='relu', *, solver='adam',
alpha=0.0001, batch_size='auto', learning_rate='constant',
learning_rate_init=0.001, power_t=0.5, max_iter=200,
shuffle=True, random_state=None, tol=0.0001,
verbose=False, warm_start=False, momentum=0.9,
nesterovs_momentum=True, early_stopping=False, validation_fraction=0.1,
beta_1=0.9, beta_2=0.999, epsilon=1e-08,
n_iter_no_change=10, max_fun=15000)
```

de la biblioteca de sklearn

https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.neural_network.MLPRegressor.html (Añadir enlace a la bibliografía más adelantes)

Además utilizaremos los siguientes argumentos:

- hidden_layer_sizes número de unidades por capa en el rango 50-100, que afinaremos por validación cruzada. Usaremos tres capas, ya que es lo que se nos pide, esto además nos parece coherente ya que con una capa oculta ya sabemos que es un aproximador universal (Hornik, Kurt; Tinchcombe, Maxwell; White, Halbert (1989). Multilayer Feedforward Networks are Universal Approximators (PDF). Neural Networks, Vol. 2, pp. 359-366, 1989. Pergamon Press plc.).
- activation: logistic sería indiferente usar una tanh, ninguna presenta ninguna ventaja frente a otra.
- solver la técnica para minimizar adam ya que según la documentación este método es el que funciona mejor con miles datos como es nuestro caso, profundizaremos en este método más adelante.
- alpha método de regularización.
- learning_rate: {'constant', 'invscaling', 'adaptative'}.
- learning_rate_init aquí si hay que utilizarlo.

Explicación del método de minimización de adam

Bibliografía:

Kingma, Diederik, and Jimmy Ba. "Adam: A method for stochastic optimization." arXiv preprint arXiv:1412.6980 (2014).

Es un método basado en la optimización de gradiente descendiente. Requiere de gradiente de primer orden.

Las ventajas que supone frente al sgd clásico, según el propio artículo de publicación son las siguientes:

- Computacionalemente eficiente.
- En memoria también es eficiente.
- Invariante a reescaladodos de la diagonal del gradiente. (Aunque esto no nos afecta en nuestro problema).
- Apropiado para objetivos no estacionarios, en nuestro caso la documentación ofrecida por UCI, no nos proporciona información explícita de alguno de nuestros datos se correspondan a este tipo. Sin embargo al leer los variables que se han analizado, no sería descabellado. De todas formas haremos una compatativa con el sgd tradicional.
- Apropiado para problemas con mucho ruído.

Además como heurística en la documentación del sklearn se recomendaba para tamaños de entrenamiento de miles, como el nuestro.

Información consultada sobre datos no estacionarios: Bibliografía:

- https://boostedml.com/2020/05/stationarity-and-non-stationary-time-series-with-applications-in-r.html
- https://www.investopedia.com/articles/trading/07/stationary.asp

El algoritmo indicado en el artículo de 2015 donde se publicó es el siguiente:

•

Algorithm 1: Adam, our proposed algorithm for stochastic optimization. See section 2 for details, and for a slightly more efficient (but less clear) order of computation. g_t^2 indicates the elementwise square $g_t \odot g_t$. Good default settings for the tested machine learning problems are $\alpha = 0.001$, $\beta_1 = 0.9$, $\beta_2 = 0.999$ and $\epsilon = 10^{-8}$. All operations on vectors are element-wise. With β_1^t and β_2^t we denote β_1 and β_2 to the power t.

```
Require: \alpha: Stepsize
Require: \beta_1, \beta_2 \in [0, 1): Exponential decay rates for the moment estimates
Require: f(\theta): Stochastic objective function with parameters \theta
Require: \theta_0: Initial parameter vector

m_0 \leftarrow 0 (Initialize 1^{\text{st}} moment vector)

v_0 \leftarrow 0 (Initialize 2^{\text{nd}} moment vector)

t \leftarrow 0 (Initialize timestep)

while \theta_t not converged do

t \leftarrow t + 1

g_t \leftarrow \nabla_{\theta} f_t(\theta_{t-1}) (Get gradients w.r.t. stochastic objective at timestep t)

m_t \leftarrow \beta_1 \cdot m_{t-1} + (1 - \beta_1) \cdot g_t (Update biased first moment estimate)

v_t \leftarrow \beta_2 \cdot v_{t-1} + (1 - \beta_2) \cdot g_t^2 (Update biased second raw moment estimate)

\widehat{m}_t \leftarrow m_t/(1 - \beta_1^t) (Compute bias-corrected first moment estimate)

\widehat{v}_t \leftarrow v_t/(1 - \beta_2^t) (Compute bias-corrected second raw moment estimate)

\theta_t \leftarrow \theta_{t-1} - \alpha \cdot \widehat{m}_t/(\sqrt{\widehat{v}_t} + \epsilon) (Update parameters)

end while

return \theta_t (Resulting parameters)
```

Figura 1: Descripción del algoritmo de minimización estocástico de Adam

Exploración inicial de los datos

Comenzaremos un estudio preliminar ajustando tan solo el tamaño de dos capas ocultas y el método de minimización, si Adam o SGD.

Los valores fijados han sido:

- max_iter = 500 El número de iteraciones máximas.
- shuffle = True Desordena los datos en cada iteración, es una heurísitica para mejorar la convergencia.
- activation = 'logistic' Función logística que devuelve $f(x) = \frac{1}{1 + exp(-x)}$. Vista en teoría justo a tahn, no hay ningún motivo para el que preferir una sobre otra.
- alpha = 0.0001 Por defecto la función aplica regularización a ese valor, como es una primera aproximación lo dejamos fijo.

Los resultados obtenidos son los siguientes:

```
Mejores parámetros: {'hidden_layer_sizes': (100, 50), 'solver': 'adam'} Con una \mathbb{R}^2 de: 0.6205065254947334
```

Tabla 21: Comparativa preliminar número de capas método

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Des típ \mathbb{R}^2	Ranking	t medio
hidden_layer_sizes (100, 50) solver adam	0.6205	0.0135	1	2.2745
hidden_layer_sizes (100, 75) solver adam	0.6188	0.0158	2	2.5420
hidden_layer_sizes (50, 100) solver adam	0.6182	0.0134	3	1.7802
hidden_layer_sizes (75, 75) solver adam	0.6175	0.0133	4	2.5021
hidden_layer_sizes (100, 100) solver adam	0.6170	0.0174	5	3.4487
hidden_layer_sizes (75, 50) solver adam	0.6168	0.0166	6	2.0171
hidden_layer_sizes (75, 100) solver adam	0.6137	0.0146	7	2.6748
hidden_layer_sizes (50, 50) solver adam	0.6131	0.0117	8	1.2846
hidden_layer_sizes (50, 75) solver adam	0.6087	0.0202	9	1.8376
hidden_layer_sizes (100, 50) solver sgd	0.0731	0.0142	10	1.5981
hidden_layer_sizes (50, 75) solver sgd	0.0724	0.0067	11	0.9025
hidden_layer_sizes (75, 75) solver sgd	0.0287	0.0103	12	1.5344
hidden_layer_sizes (50, 50) solver sgd	0.0129	0.0075	13	0.8827
hidden_layer_sizes (75, 100) solver sgd	0.0121	0.0046	14	1.8657
hidden_layer_sizes (100, 75) solver sgd	0.0091	0.0055	15	2.0079
hidden_layer_sizes (75, 50) solver sgd	-0.0277	0.0060	16	0.9771
hidden_layer_sizes (50, 100) solver sgd	-0.0383	0.0095	17	1.2715
hidden_layer_sizes (100, 100) solver sgd	-0.0448	0.0092	18	2.1985

Es notoria la diferencia entre utilizar un método de minimización u otro, de hecho esto nos hace plantearnos qué puede estar pasando con el sgd ¿Son insuficientes el número de iteraciones? Sea como fuere, el método de minimización de adam es mejor así continuaremos trabajando con él para comprobar si podemos refinarlo.

Estudiaremos ahora el learning rate

Los argumentos fijos son los anteriores, cambiando el máximo número de iteraciones a 200 y añadiento el mejor resultado anterior hidden_layer_sizes = (100, 50) y solver = 'adam'.

Los resultados son los siguientes:

Tabla 22: Error cambiando la tasa de aprendizaje

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Ranking	tiempo medio ajuste
learning_rate_init 0.001	0.6205	1	2.2736
learning_rate_init 0.0001	0.5418	2	3.5609
learning_rate_init 0.1	0.4921	3	7.0441
learning_rate_init 0.01	0.4705	4	7.6932
learning_rate_init 1	-0.4716	5	3.8819



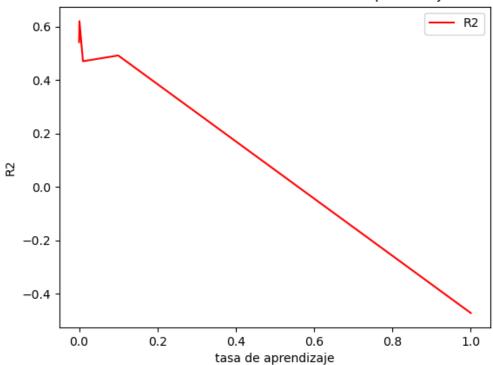


Figura 2: Variación de \mathbb{R}^2 conforme aumenta el learning rate

.

El learning_rate_init 0.0001 tiene un R^2 probablemente por el número de iteraciones, no vamos a estudiar su comportamiento aumentando el número de iteraciones porque con un learning_rate_init de 0.001 se ha conseguido el mismo R^2 que en el mejor de los casos anteriores y en menos iteraciones, luego resulta más interesante su exploración.

Dicho esto observamos que en un intervalo entre (0.0001, 0.01) se encuentra el mejor valor asociado a la tase de variación.

Si bien en los experimentos realizados hasta ahora mantenemos constante el método de adaptación del learing rate. Podría contemplarse un estudio utilizando un criterio adaptativo: adaptative.

Éste consiste en un método de actualización de la tasa de aprendizaje: la mantiene constante siempre que el error de entrenamiento siga decreciendo, si se dan dos épocas consecutivas en el que la variación es menor que la tolerancia entonces es dividida entre 5

Sin embargo no es compatible con Adam según la documentación oficial, así pues estudiaremos la regularización.

Para ello mantenemos condiciones iniciales anteriores y variamos los valores de regularización, obteniendo con ellos los siguietne errores:

Tabla 23: Evolución \mathbb{R}^2 con regularización.

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Desviación tipica \mathbb{R}^2	Ranking	tiempo medio ajuste
alpha 0.01	0.6228	0.0129	1	1.8559
alpha 0.001	0.6205	0.0135	2	1.7910
alpha 0.0001	0.6205	0.0135	3	1.8227
alpha 0	0.6205	0.0135	4	1.8057
alpha 1	0.5338	0.0139	5	3.9193

Obtenemos por tanto que la regularización mejor está entre (0,0001,0,001) da resultados similares y la diferencia entra dentro de la desviación típica, así que cualquiera de las tres sería aceptada, a partir de ahora trabajaremos con la de 0.01.

.

Finalmente veamos que aumentar las iteraciones no mejora el error.

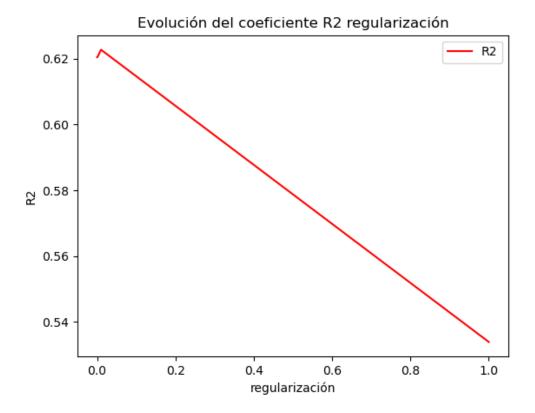


Figura 3: Variación de \mathbb{R}^2 conforme aumenta el learning rate

Tabla 24: Comparativa del número de iteraciones máximas y el \mathbb{R}^2 .

Parámetros	\mathbb{R}^2 medio	Desviación tipica \mathbb{R}^2	Ranking	tiempo medio ajuste
max_iter 50	0.6228	0.0129	1	2.4215
\max_{i} iter 100	0.6228	0.0129	1	2.5108
$\max_{\text{iter } 200}$	0.6228	0.0129	1	2.3298
$\max_{\text{iter } 350}$	0.6228	0.0129	1	2.4216
$\max_iter~10$	0.5987	0.0172	5	1.0262

Modelo definitivo seleccionado

Los hiperparámetros seleccionados han sido:

```
random_state=1
shuffle = True,
early_stopping = False,
activation = 'logistic',
hidden_layer_sizes = (100, 50),
solver = 'adam',
alpha = 0.01
learning_rate_init = 0.001

R^2_in : 0.6437 , R^2_test :0.6055
Tras entrenar con todos los datos: R^2_in : 0.6507
```

Estimadores dummy

Utilizaremos el estimador *dummy* para comparar la bondad de los ajustes anteriores. Ya que éste es un modelo de regresión que utiliza predicción a partir de reglas simples.

Usaremos la función de la biblioteca de scikit-learn class sklearn.dummy.DummyRegressor(*, strategy='mean', constant=None, quantile=None)

Las estrategias que vamos a probar son:

- mean que predice la media.
- median que predice la mediana.

Los resultados son:

Mejores parámetros: {'strategy': 'mean'} Con una \mathbb{R}^2 de: -0.004209704148944527

Parámetros R^2 medio Desviación tipica R^2 Ranking tiempo medio ajuste strategy mean -0.0042 0.0057 1 0.0109 strategy median -0.1249 0.0244 2 0.0063

Tabla 25: R^2 para estimador dummy

Evaluación del modelo ingenuo

```
R^2_i : 0.0000 , R^2_t :-0.0005
```

Tras entrenar con todos los datos: R^2_i : 0.0000

Como observamos los datos son considerablemente peores, lo cual nos indica que no estamos antes un problema simple.

Tabla comparativa modelos

Tabla 26: Comparativa errores entre los modelos finales

Modelo	E_{in}	E_{val}
SVR Lineal	0.6872	0.5914
Random Forest	0.6944	0.6749
MLP	0.6437	0.66228
Dummy	0	0

Selección del modelos

Comparando los errores de validación (columan E_{val}) podemos ver que el mejor modelo es el Random Forest seguido del MLP y del lineal.

Vamos a ver ahora el desempeño de estos modelos sobre el conjunto de test. Esta información no es relevante para tomar decisiones, ya que en un problema real carecemos de un subconjunto de test para realizar estas pruebas, por lo que todas las decisiones deben tomarse sobre la información obtenida a partir de los datos del subconjunto de entrenamiento y de validación.

Tabla 27: Comparativa errores entre los modelos finales con error de test

Modelo	E_{in}	E_{val}	E_{test}
SVR Lineal	0.6872	0.5914	0.6252
Random Forest	0.6944	0.6749	0.6127
MLP	0.6437	0.66228	0.65005
Dummy	0	0	0

Errores fuera de la muestra

El errer de test E_{test} es un estimador insesgado; luego el error fuera de la muestra sería aproximadamente E_{test} , para nuestro caso seleccionado $E_{test}=0.6127$.

Apéndice

Attribute Information

Attribute Information: (122 predictive, 5 non-predictive, 1 goal)

- state: US state (by number) not counted as predictive above, but if considered, should be consided nominal (nominal)
- county: numeric code for county not predictive, and many missing values (numeric)
- community: numeric code for community not predictive and many missing values (numeric)
- community name not predictive for information only (string)
- fold: fold number for non-random 10 fold cross validation, potentially useful for debugging, paired tests not predictive (numeric)
- population: population for community: (numeric decimal)
- householdsize: mean people per household (numeric decimal)
- racepetblack: percentage of population that is african american (numeric decimal)
- racePctWhite: percentage of population that is caucasian (numeric decimal)
- racePctAsian: percentage of population that is of asian heritage (numeric decimal)
- racePctHisp: percentage of population that is of hispanic heritage (numeric decimal)
- agePct12t21: percentage of population that is 12-21 in age (numeric decimal)
- agePct12t29: percentage of population that is 12-29 in age (numeric decimal)
- agePct16t24: percentage of population that is 16-24 in age (numeric decimal)
- agePct65up: percentage of population that is 65 and over in age (numeric decimal)
- numbUrban: number of people living in areas classified as urban (numeric decimal)
- pctUrban: percentage of people living in areas classified as urban (numeric decimal)
- medIncome: median household income (numeric decimal)
- pctWWage: percentage of households with wage or salary income in 1989 (numeric decimal)
- pctWFarmSelf: percentage of households with farm or self employment income in 1989 (numeric decimal)
- pctWInvInc: percentage of households with investment / rent income in 1989 (numeric decimal)
- pctWSocSec: percentage of households with social security income in 1989 (numeric decimal)
- pctWPubAsst: percentage of households with public assistance income in 1989 (numeric decimal)
- pctWRetire: percentage of households with retirement income in 1989 (numeric decimal)
- medFamInc: median family income (differs from household income for non-family households) (numeric decimal)
- perCapInc: per capita income (numeric decimal)
- whitePerCap: per capita income for caucasians (numeric decimal)
- blackPerCap: per capita income for african americans (numeric decimal)

- indianPerCap: per capita income for native americans (numeric decimal)
- AsianPerCap: per capita income for people with asian heritage (numeric decimal)
- OtherPerCap: per capita income for people with 'other' heritage (numeric decimal)
- HispPerCap: per capita income for people with hispanic heritage (numeric decimal)
- NumUnderPov: number of people under the poverty level (numeric decimal)
- PctPopUnderPov: percentage of people under the poverty level (numeric decimal)
- PctLess9thGrade: percentage of people 25 and over with less than a 9th grade education (numeric decimal)
- PctNotHSGrad: percentage of people 25 and over that are not high school graduates (numeric decimal)
- PctBSorMore: percentage of people 25 and over with a bachelors degree or higher education (numeric decimal)
- PctUnemployed: percentage of people 16 and over, in the labor force, and unemployed (numeric decimal)
- PctEmploy: percentage of people 16 and over who are employed (numeric decimal)
- PctEmplManu: percentage of people 16 and over who are employed in manufacturing (numeric decimal)
- PctEmplProfServ: percentage of people 16 and over who are employed in professional services (numeric decimal)
- PctOccupManu: percentage of people 16 and over who are employed in manufacturing (numeric decimal)
- PctOccupMgmtProf: percentage of people 16 and over who are employed in management or professional occupations (numeric decimal)
- MalePctDivorce: percentage of males who are divorced (numeric decimal)
- MalePctNevMarr: percentage of males who have never married (numeric decimal)
- FemalePctDiv: percentage of females who are divorced (numeric decimal)
- TotalPctDiv: percentage of population who are divorced (numeric decimal)
- PersPerFam: mean number of people per family (numeric decimal)
- PctFam2Par: percentage of families (with kids) that are headed by two parents (numeric decimal)
- PctKids2Par: percentage of kids in family housing with two parents (numeric decimal)
- PctYoungKids2Par: percent of kids 4 and under in two parent households (numeric decimal)
- PctTeen2Par: percent of kids age 12-17 in two parent households (numeric decimal)
- PctWorkMomYoungKids: percentage of moms of kids 6 and under in labor force (numeric decimal)
- PctWorkMom: percentage of moms of kids under 18 in labor force (numeric decimal)
- NumIlleg: number of kids born to never married (numeric decimal)
- PctIlleg: percentage of kids born to never married (numeric decimal)
- NumImmig: total number of people known to be foreign born (numeric decimal)
- PctImmigRecent: percentage of *immigrants* who immigated within last 3 years (numeric decimal)
- PctImmigRec5: percentage of *immigrants* who immigated within last 5 years (numeric
- decimal)

- PctImmigRec8: percentage of *immigrants* who immigated within last 8 years (numeric decimal)
- PctImmigRec10: percentage of *immigrants* who immigated within last 10 years (numeric decimal)
- PctRecentImmig: percent of *population* who have immigrated within the last 3 years (numeric decimal)
- PctRecImmig5: percent of *population* who have immigrated within the last 5 years (numeric decimal)
- PctRecImmig8: percent of *population* who have immigrated within the last 8 years (numeric decimal)
- PctRecImmig10: percent of *population* who have immigrated within the last 10 years (numeric decimal)
- PctSpeakEnglOnly: percent of people who speak only English (numeric decimal)
- PctNotSpeakEnglWell: percent of people who do not speak English well (numeric decimal)
- PctLargHouseFam: percent of family households that are large (6 or more) (numeric decimal)
- PctLargHouseOccup: percent of all occupied households that are large (6 or more people) (numeric decimal)
- PersPerOccupHous: mean persons per household (numeric decimal)
- PersPerOwnOccHous: mean persons per owner occupied household (numeric decimal)
- PersPerRentOccHous: mean persons per rental household (numeric decimal)
- PctPersOwnOccup: percent of people in owner occupied households (numeric decimal)
- PctPersDenseHous: percent of persons in dense housing (more than 1 person per room) (numeric decimal)
- PctHousLess3BR: percent of housing units with less than 3 bedrooms (numeric decimal)
- MedNumBR: median number of bedrooms (numeric decimal)
- Hous Vacant: number of vacant households (numeric decimal)
- PctHousOccup: percent of housing occupied (numeric decimal)
- PctHousOwnOcc: percent of households owner occupied (numeric decimal)
- PctVacantBoarded: percent of vacant housing that is boarded up (numeric decimal)
- PctVacMore6Mos: percent of vacant housing that has been vacant more than 6 months (numeric decimal)
- MedYrHousBuilt: median year housing units built (numeric decimal)
- PctHousNoPhone: percent of occupied housing units without phone (in 1990, this was rare!) (numeric decimal)
- PctWOFullPlumb: percent of housing without complete plumbing facilities (numeric decimal)
- OwnOccLowQuart: owner occupied housing lower quartile value (numeric decimal)
- OwnOccMedVal: owner occupied housing median value (numeric decimal)
- OwnOccHiQuart: owner occupied housing upper quartile value (numeric decimal)
- RentLowQ: rental housing lower quartile rent (numeric decimal)
- RentMedian: rental housing median rent (Census variable H32B from file STF1A)

(numeric - decimal)

- RentHighQ: rental housing upper quartile rent (numeric decimal)
- MedRent: median gross rent (Census variable H43A from file STF3A includes utilities) (numeric decimal)
- $\operatorname{MedRentPctHousInc}$: median gross rent as a percentage of household income (numeric
- decimal)
- MedOwnCostPctInc: median owners cost as a percentage of household income for owners with a mortgage (numeric decimal)
- MedOwnCostPctIncNoMtg: median owners cost as a percentage of household income for owners without a mortgage (numeric decimal)
- NumInShelters: number of people in homeless shelters (numeric decimal)
- NumStreet: number of homeless people counted in the street (numeric decimal)
- PctForeignBorn: percent of people foreign born (numeric decimal)
- PctBornSameState: percent of people born in the same state as currently living (numeric decimal)
- PctSameHouse85: percent of people living in the same house as in 1985 (5 years before) (numeric decimal)
- PctSameCity85: percent of people living in the same city as in 1985 (5 years before) (numeric decimal)
- PctSameState85: percent of people living in the same state as in 1985 (5 years before) (numeric decimal)
- LemasSwornFT: number of sworn full time police officers (numeric decimal)
- LemasSwFTPerPop: sworn full time police officers per 100K population (numeric decimal)
- LemasSwFTFieldOps: number of sworn full time police officers in field operations (on the street as opposed to administrative etc) (numeric decimal)
- LemasSwFTFieldPerPop: sworn full time police officers in field operations (on the street as opposed to administrative etc) per 100K population (numeric decimal)
- LemasTotalReq: total requests for police (numeric decimal)
- LemasTotReqPerPop: total requests for police per 100K popuation (numeric decimal)
- PolicReqPerOffic: total requests for police per police officer (numeric decimal)
- PolicPerPop: police officers per 100K population (numeric decimal)
- RacialMatchCommPol: a measure of the racial match between the community and the police force. High values indicate proportions in community and police force are similar (numeric decimal)
- PctPolicWhite: percent of police that are caucasian (numeric decimal)
- PctPolicBlack: percent of police that are african american (numeric decimal)
- PctPolicHisp: percent of police that are hispanic (numeric decimal)
- PctPolicAsian: percent of police that are asian (numeric decimal)
- PctPolicMinor: percent of police that are minority of any kind (numeric decimal)
- OfficAssgnDrugUnits: number of officers assigned to special drug units (numeric decimal)
- NumKindsDrugsSeiz: number of different kinds of drugs seized (numeric decimal)
- PolicAveOTWorked: police average overtime worked (numeric decimal)

- LandArea: land area in square miles (numeric decimal)
- PopDens: population density in persons per square mile (numeric decimal)
- $\operatorname{PctUsePubTrans}$: percent of people using public transit for commuting (numeric decimal)
- PolicCars: number of police cars (numeric decimal)
- PolicOperBudg: police operating budget (numeric decimal)
- LemasPctPolicOnPatr: percent of sworn full time police officers on patrol (numeric decimal)
- LemasGangUnitDeploy: gang unit deployed (numeric decimal but really ordinal 0 means NO, 1 means YES, 0.5 means Part Time)
- LemasPctOfficDrugUn: percent of officers assigned to drug units (numeric decimal)
- PolicBudgPerPop: police operating budget per population (numeric decimal)
- ViolentCrimesPerPop: total number of violent crimes per 100K popuation (numeric decimal) GOAL attribute (to be predicted)
- "Sobre normalización En Aprendizaje Automático." n.d. Accessed June 1, 2021. https://docs.microsoft.com/en-us/azure/machine-learning/studio-module-reference/normalize-data.