第13章 聚类

机器学习类型

有监督

数据点有已知的结果

无监督

数据点没有已知的结果



目标是通过对无标记训练样本的学习来揭示数据的内在性质及规律,为进一步的数据分析提供基础。

无监督学习的类型

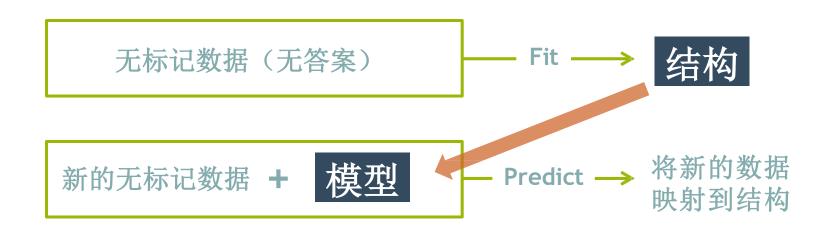
聚类

识别数据中未知的结构

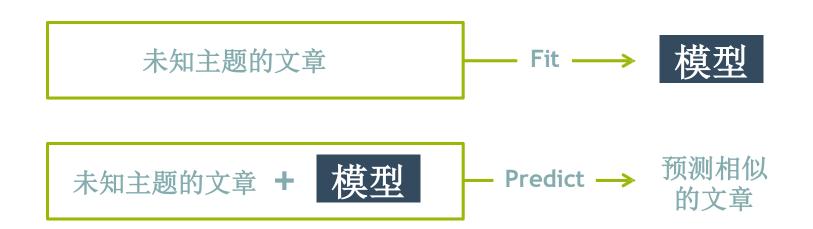
降维

使用数据中的结构特征来简化数据

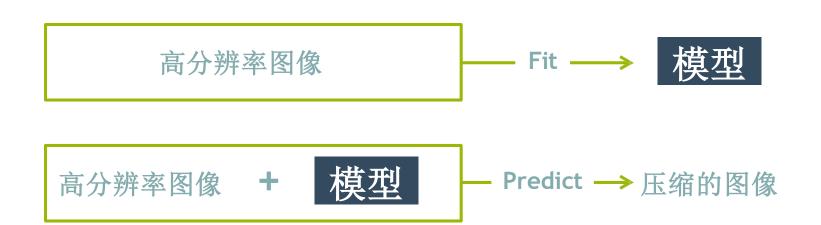
无监督学习概述



聚类: 发现不同的数据组



降维: 简化结构



- 一个web应用的所有用户:
- 一个特征 (age)



- 一个web应用的所有用户:
- 一个特征 (age)
- 两个聚簇 (cluster)



- 一个web应用的所有用户:
- 一个特征 (age)
- 三个聚簇 (cluster)



- 一个web应用的所有用户:
- 一个特征 (age)
- 五个聚簇 (cluster)



目标是寻找数据内在的分布,推导出数据的隐式标签,利用隐式标签对数据分组,使得每个组内数据具有相似的分布,而组间的数据分布不同。

假设样本集D= $\{x_1, x_2, ..., x_N\}$,包含N个无标记样本,则聚类算法的目标是将样本集D划分为K个不相交的簇 $\{C_k|k=1,2,...,K\}$,其中任意两个簇的样本没有交集,并且所有簇的样本组合成全部样本集D。

 $\| \lambda_n \in \{1,2,...,K\}$ 表示样本 x_n 的"簇标签",即 $x_n \in C_{\lambda_n}$,于是聚类的结果可用包含N个元素的簇标签向量 $\lambda_n = (\lambda_1,\lambda_2,...,\lambda_N)$ 表示。

常用的聚类算法:

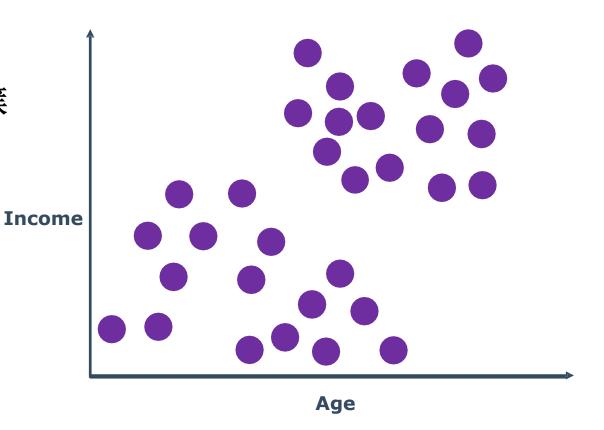
- 原型聚类:假设聚类结构能通过一组原型刻画,先对原型进行初始化,然后对原型进行迭代更新求解
 - K-means (K均值) 算法:初始随机选取样本作为质心
 - 学习向量量化:初始随机选取样本作为原型向量
 - 高斯混合聚类: 概率模型表达聚类原型
- 密度聚类:假设聚类结构能通过样本分布的紧密程度确定,从密度的角度考察样本之间的可连接性,并基于可连接样本不断扩展聚类簇
- 层次聚类: 试图在不同层次对数据集进行划分,形成树形的聚类结构

K-MEANS聚类算法

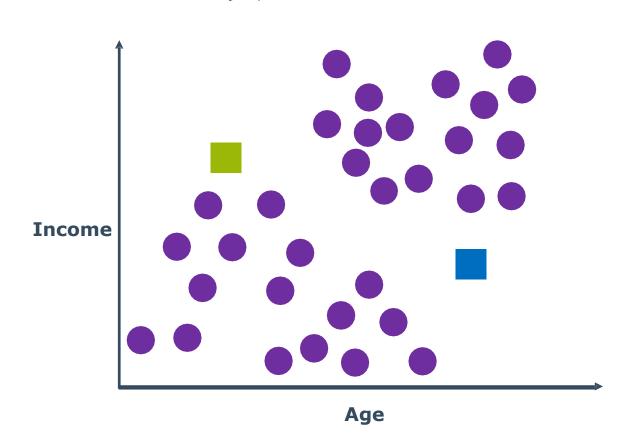
大致过程:

- (1) 随机选取K个样本点作为K个初始簇的质心(centroid)
- (2) 计算其他每个样本点到这K个质心的距离。对于每一个样本 x_n ,找到离它最近的质心 λ_n ,将 x_n 划分到第 λ_n 个簇中,并将 x_n 的簇标签置为 λ_n
- (3) 当所有样本所属的簇都更新完毕以后,对于更新后的每个簇计算其包含的所有样本的平均向量(中心点), 作为新的质心
- (4) 重复步骤(2)(3), 迭代至所有质心都不变化为止

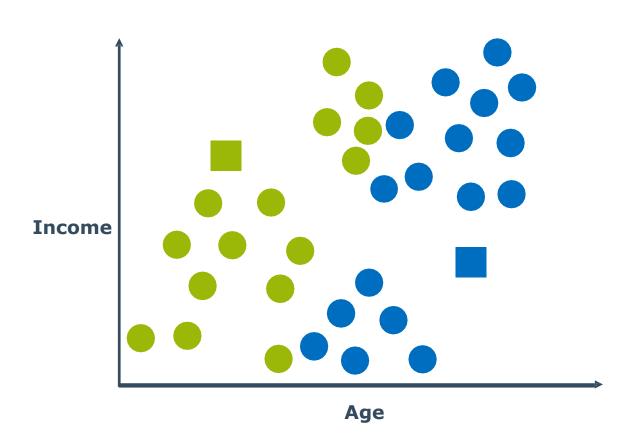
K = 2: 发现两个聚簇



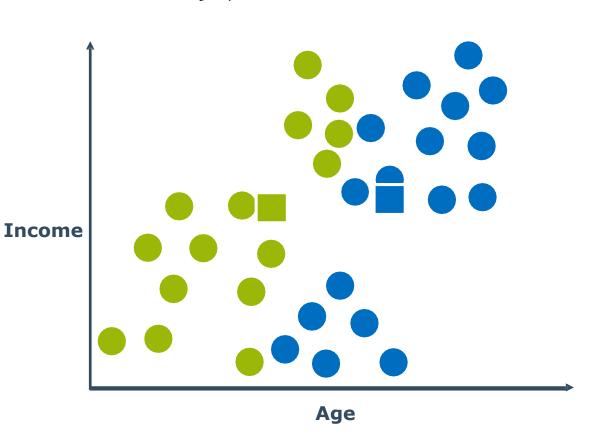
K = 2, 随机地选择 两个聚簇的中心点



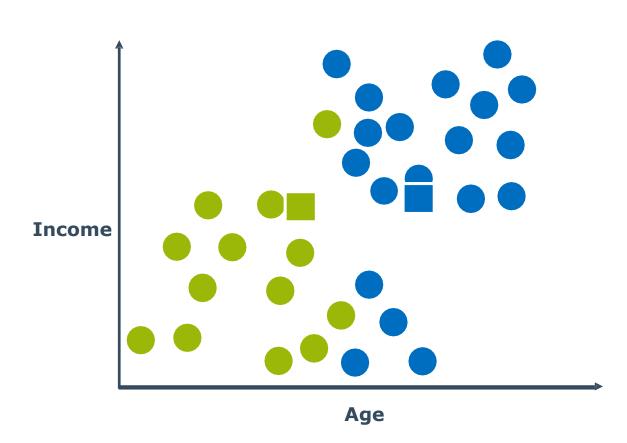
K = 2,每个点被聚 到离它最近的中心 点代表的聚簇中



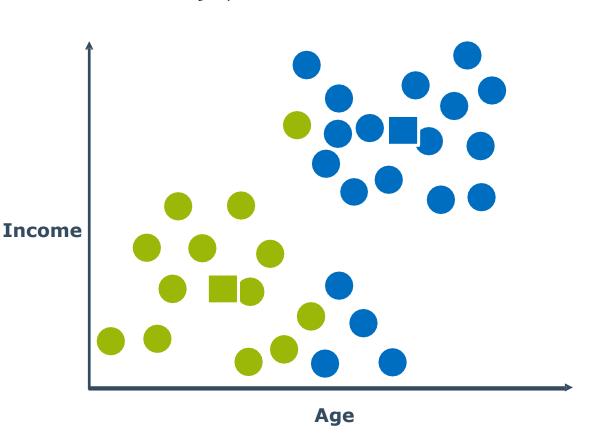
K = 2, 重新计算每个 聚簇的中心点



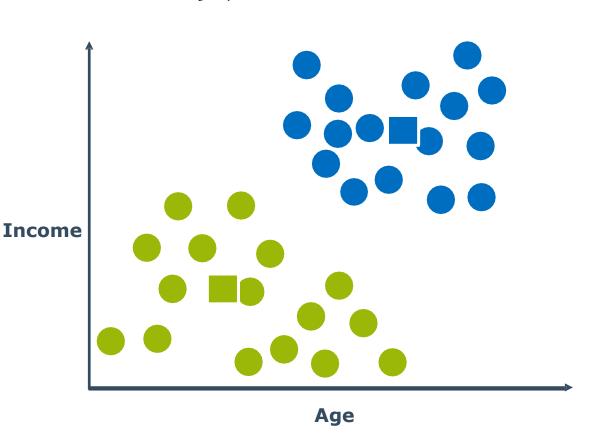
K = 2,每个点属于 离它最近的中心点



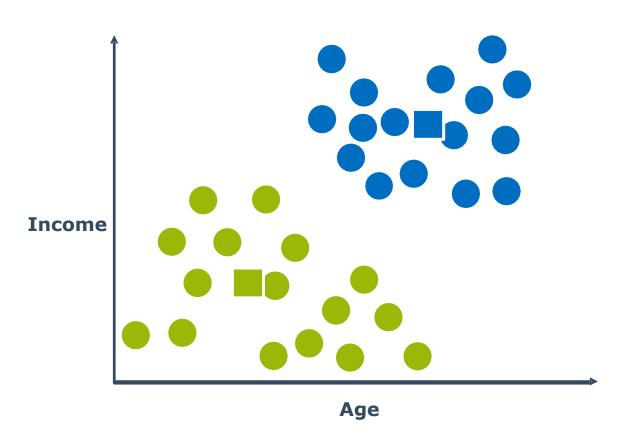
K = 2, 重新计算每个 聚簇的中心点



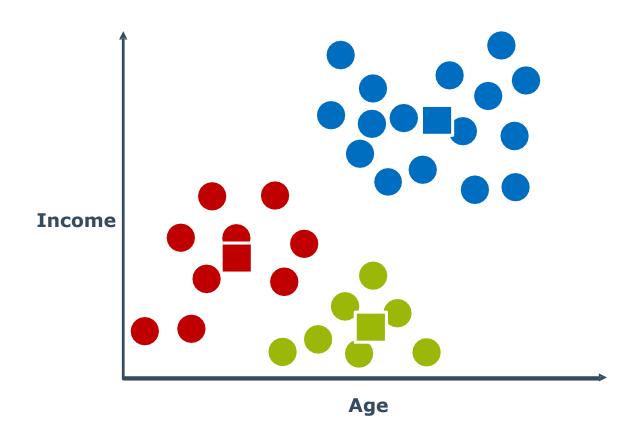
K = 2, 数据点的聚簇 不再改变时→ 算法 收敛



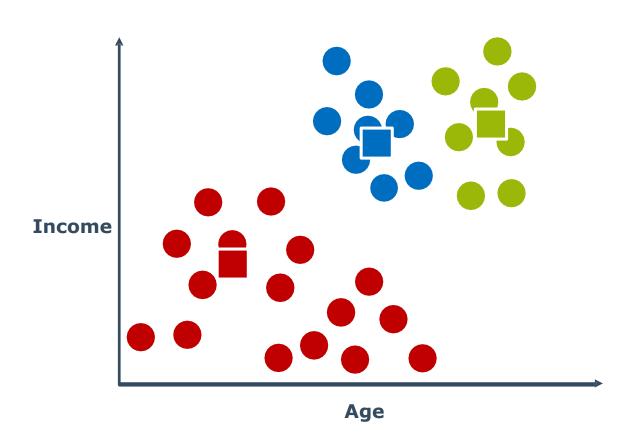
K = 2, 最后每个点 属于离它最近的那 个聚簇



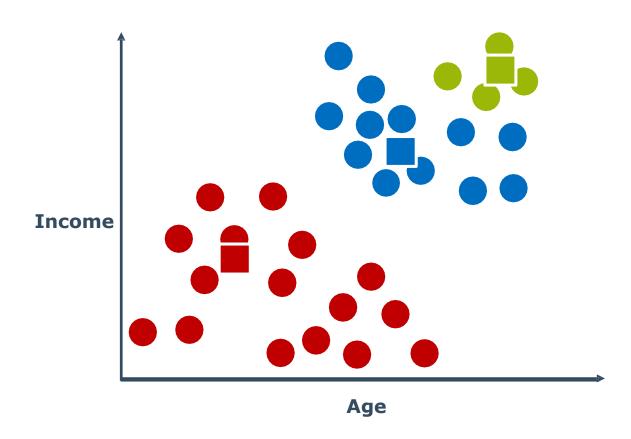
K = 3



K = 3, 最终结果依赖于初始的聚簇分配



聚类的评价指标



聚类评价指标

- Inertia (簇内平方和):
 - 每个数据点 (x_i) 距其聚簇中心 (C_k) 的距离平方和

$$\sum_{i=1}^{n} (x_i - C_k)^2$$

- 值越小表示聚簇越紧密
- 轮廓系数(Silhouette Coefficient):
 - 对每个数据点计算一个轮廓系数: $S = \frac{b-a}{\max(a,b)}$

$$S = \frac{b - a}{\max(a, b)}$$

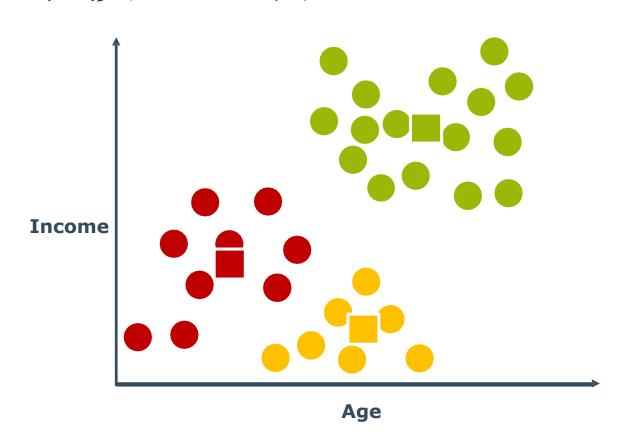
- a = 此数据点到**同簇**中所有其他点的平均距离,凝聚度
- b = 此数据点到**最近簇**中所有点的平均距离,分离度
- 将所有数据点的轮廓系数取平均值就得到一个总的评分
- 取值在[-1, 1]之间,值越大,聚类效果越好

初始化多次,然后选 择得分最高的模型

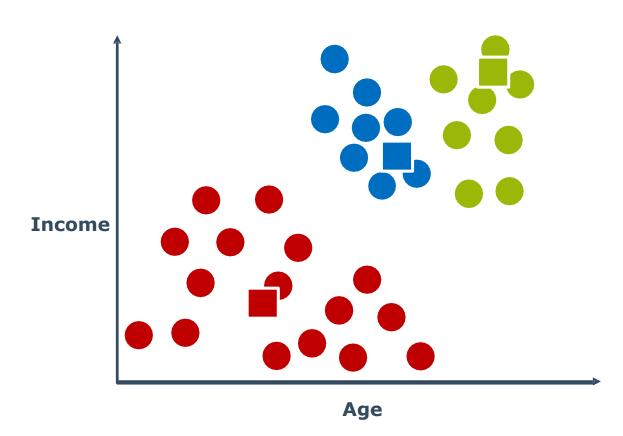
Income

Age

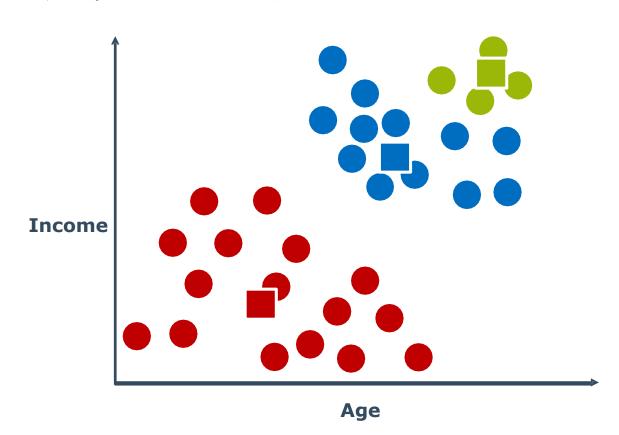
Inertia = 12.645



Inertia = 12.943



Inertia = 13.112



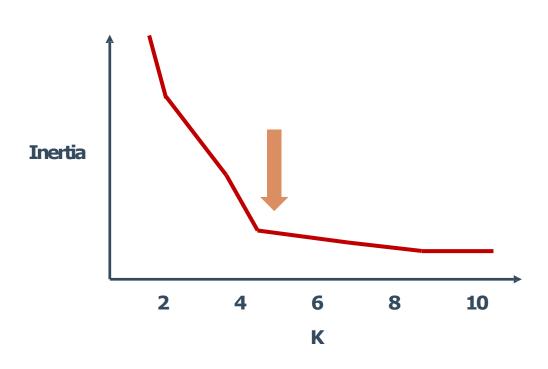
K值的选择方法

选择正确的聚簇数

- 有时应用中有一个K:
 - 将相似的任务聚集在四个CPU核上 (K=4)
 - 一件服装设计成10种不同大小以适合不同的人 (K=10)
 - 一个导览界面可以浏览20种不同科学领域的论文 (K=20)

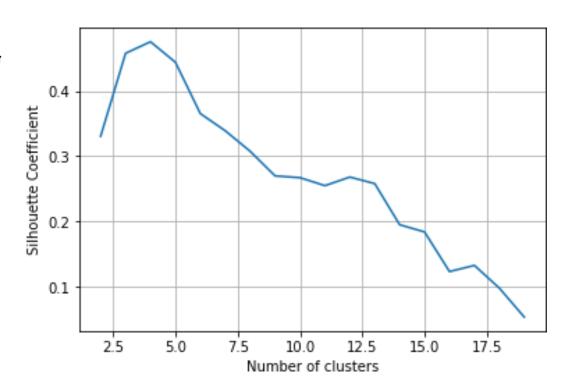
选择正确的聚簇数

- Inertia衡量点到聚簇中 心的距离
- 值会随着K的增大而不 断降低,只要聚簇密度 在不断增大
- 小于真实K值时,下降 幅度很大;超过真实K 值时,下降趋于平缓



选择正确的聚簇数

■ 选择轮廓系数最大的 K值



K-Means的语法

http://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.KMeans.html

K-Means的语法

导入包含聚类方法的类:

from sklearn.cluster import KMeans

创建该类的一个对象:



拟合数据,并在新数据上预测聚簇:

```
kmeans = kmeans.fit(X1)
y_predict = kmeans.predict(X2)
```

K-Means的语法

导入包含聚类方法的类:

from sklearn.cluster import KMeans

创建该类的一个对象:



拟合数据,并在新数据上预测聚簇:

```
kmeans = kmeans.fit(X1)
y_predict = kmeans.predict(X2)
```

K-Means的语法

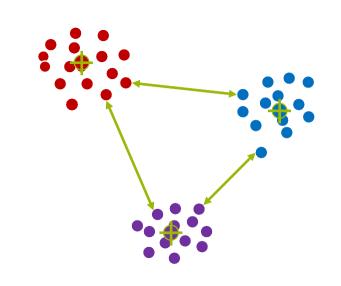
```
导入包含聚类方法的类:
   from sklearn.cluster import KMeans
创建该类的一个对象:
   kmeans = KMeans(n clusters=3,
                 init='k-means++')
拟合数据,并在新数据上预测聚簇:
   kmeans = kmeans.fit(X1)
  y_predict = kmeans.predict(X2)
```

也可以用MiniBatchKMeans使用批处理方式

距离指标

距离指标的选择

- 距离指标的选择对聚类的 成功至关重要
- 每个指标有各自的优点 和适用情况
- ■但有时距离指标的选择 也是基于经验性的评价



距离指标的选择

属性分为连续属性和离散属性,连续属性也称有序属性, 在定义域范围内有无穷多值;离散属性也称无序属性, 在定义域范围内只有有限个取值。

根据属性的不同,距离指标分为有序距离指标、无序距离指标性和混合距离指标。

有序属性可以采用闵可夫斯基距离作为距离评价指标。

无序属性可以采用价值差异指标VDM (Value Difference Metric)作为距离评价指标。

混合属性可以采用闵可夫斯基距离和VDM结合起来的方式作为距离评价指标。

闵可夫斯基距离(Minkowski Distance):

$$d_{12} = \sqrt[p]{\sum_{k=1}^{n} |x_{1k} - x_{2k}|^p}$$

其中p是一个变参数:

当p=1时,曼哈顿距离;

当p=2时,欧氏距离;

当p→∞时,切比雪夫距离;

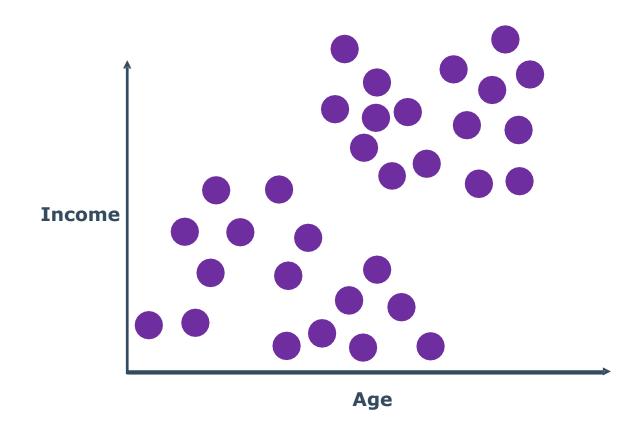
根据的p不同,闵氏距离可以表示某一类/种距离。

欧氏距离(Euclidean Distance):

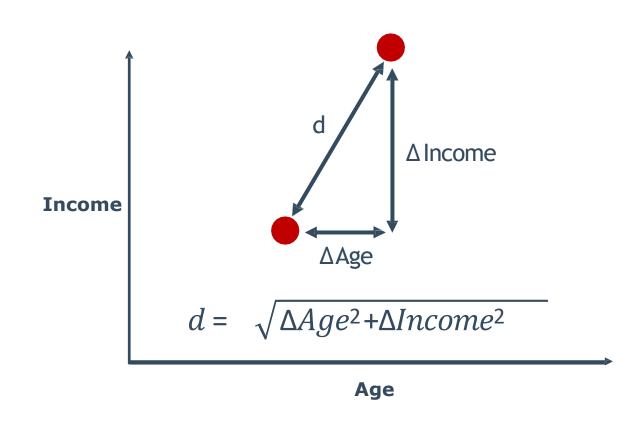
也叫欧几里得距离, L2距离

$$\mathbf{n} \not\cong \mathbf{i}$$
 $d_{12} = \sqrt{\sum_{k=1}^{n} (x_{1k} - x_{2k})^2}$

欧几里得距离

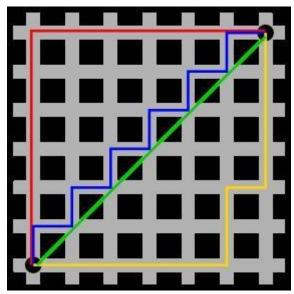


欧几里得距离(L2距离)



曼哈顿距离(Manhattan Distance): 也叫出租车距离,街区距离,L1距离

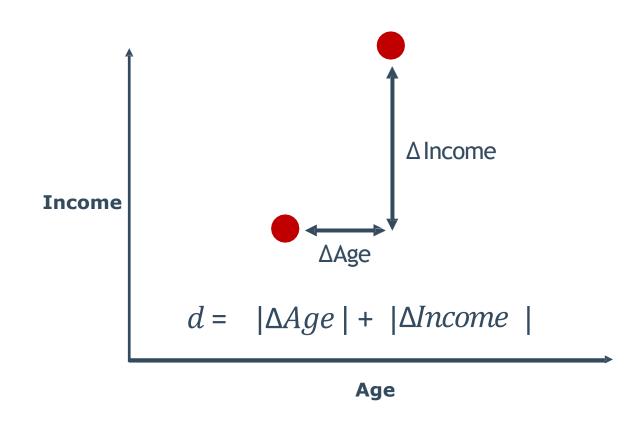




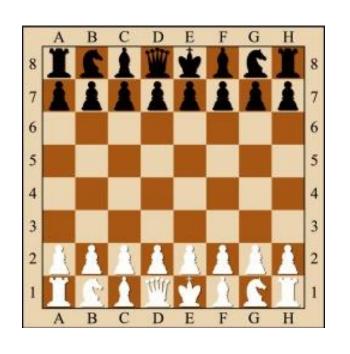
二维: $d_{12} = |x_1 - x_2| + |y_1 - y_2|$

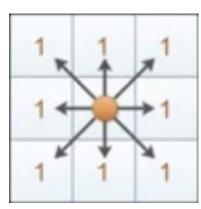
 \mathbf{n} $\not=$ $\mathbf{1}$ $d_{12} = \sum_{k=1}^{n} |x_{1k} - x_{2k}|$

曼哈顿距离 (L1或街区距离)



切比雪夫距离(Chebyshev Distance):

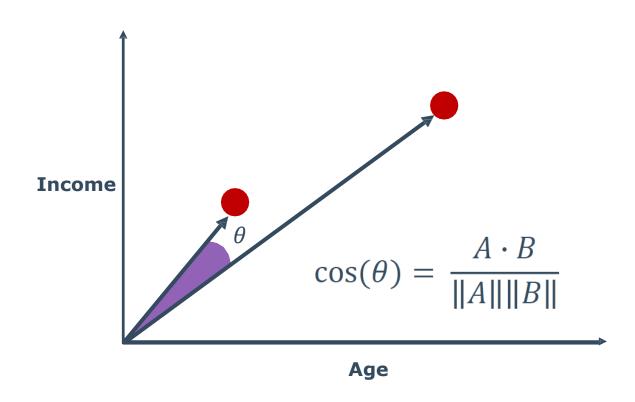




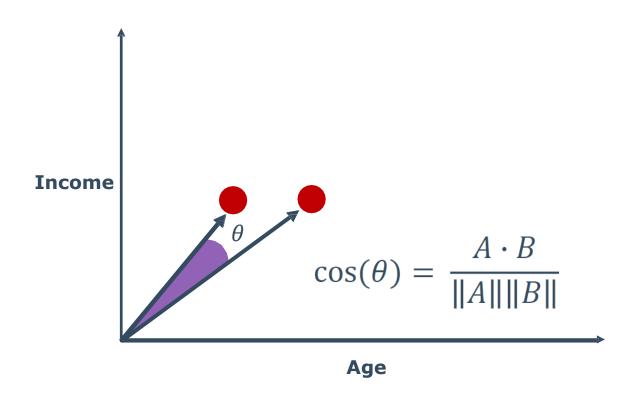
二维: $d_{12} = \max(|x_1 - x_2|, |y_1 - y_2|)$

n维: $d_{12}=\max(|x_{1k}-x_{2k}|)$

余弦距离



余弦距离



欧几里得vs.余弦距离

- ■欧几里得距离适用于基于坐标的度量
- 余弦距离更适合那些出现位置不重要的数据,例如文本数据
- ■欧几里得距离对维度灾难更敏感

VDM (Value Difference Metric):

$$VDM_p = \sum_{k=1}^{K} \left| \frac{m_{u,a,k}}{m_{u,a}} - \frac{m_{u,b,k}}{m_{u,b}} \right|^p$$

其中 $m_{u,a}$ 表示属性u上取值为a的样本数; $m_{u,a,k}$ 为第k个样本簇中在属性u上取值为a的样本数;K为样本簇数。

Jaccard距离

杰卡德距离(Jaccard Distance) 是用来衡量两个集合差异性的一种指标,它是杰卡德相似系数的补集,被定义为1减去Jaccard相似系数。而杰卡德相似系数(Jaccard similarity coefficient),也称杰卡德指数(Jaccard Index),是用来衡量两个集合相似度的一种指标。

Jaccard相似系数:
$$J(A,B) = \frac{|A \cap B|}{|A \cup B|}$$

Jaccard距离:
$$d_J(A,B) = 1 - J(A,B) = \frac{|A \cup B| - |A \cap B|}{|A \cup B|}$$

Jaccard距离

应用于集合(例如单词的出现)

- 句子 A: "I like chocolate ice cream."
- set A = {I, like, chocolate, ice, cream}
- 句子 B: "Do I want chocolate cream or vanilla cream?"
- set B = {Do, I, want, chocolate, cream, or, vanilla}

$$1 - \frac{A \cap B}{A \cup B} = 1 - \frac{len(shared)}{len(unique)}$$

Jaccard距离

应用于集合(例如单词的出现)

- 句子A: "I like chocolate ice cream."
- set A = {I, like, chocolate, ice, cream}
- 句子 B: "Do I want chocolate cream or vanilla cream?"
- set B = {Do, I, want, chocolate, cream, or, vanilla}

$$1 - \frac{A \cap B}{A \cup B} = 1 - \frac{3}{9}$$

距离指标的语法

```
导入一般的两两距离计算函数:
```

from sklearn.metrics import pairwise_distances

计算距离:

```
dist = pairwise_distances(X,Y,
```

metric='euclidean')



选择的距离指标

距离指标的语法

```
导入一般的两两距离计算函数:
```

```
from sklearn.metrics import pairwise_distances
```

计算距离:

其他的距离指标选择有: cosine, manhattan, jaccard, 等等

距离指标的语法

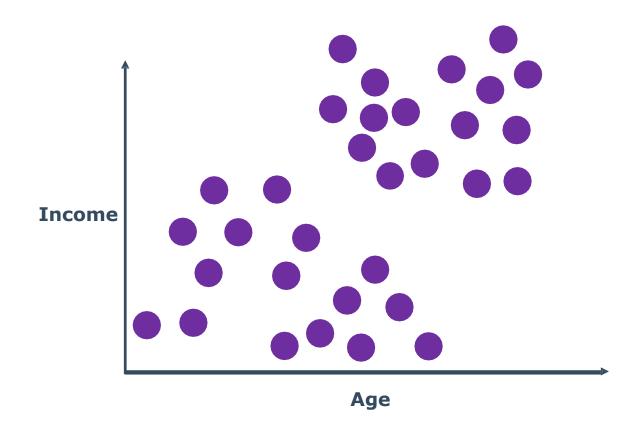
导入一般的两两距离计算函数:

from sklearn.metrics import pairwise_distances

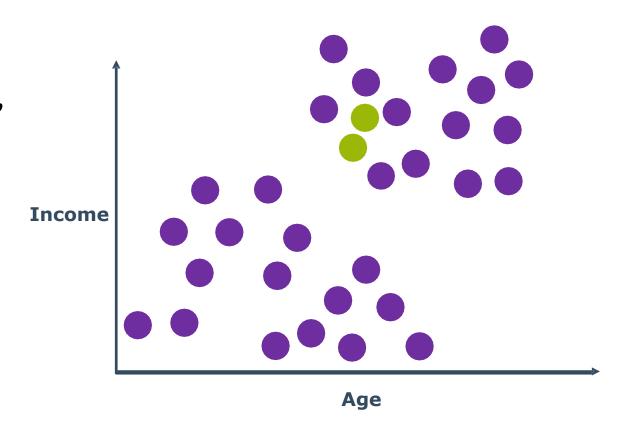
计算距离:

其他的距离指标选择有: cosine, manhattan, jaccard, 等等 距离指标函数也可以被专门导入,如:

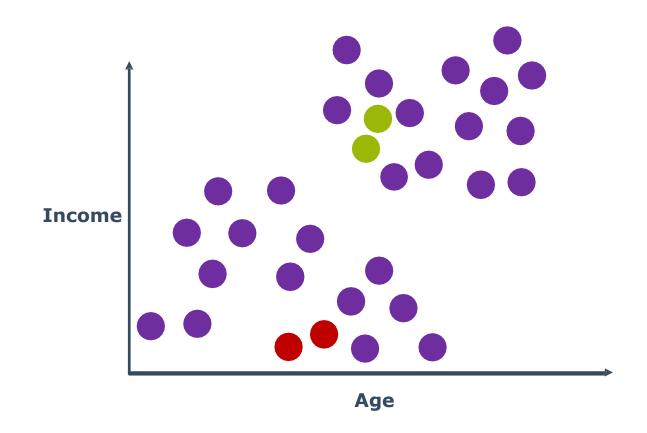
from sklearn.metrics import euclidean_distances



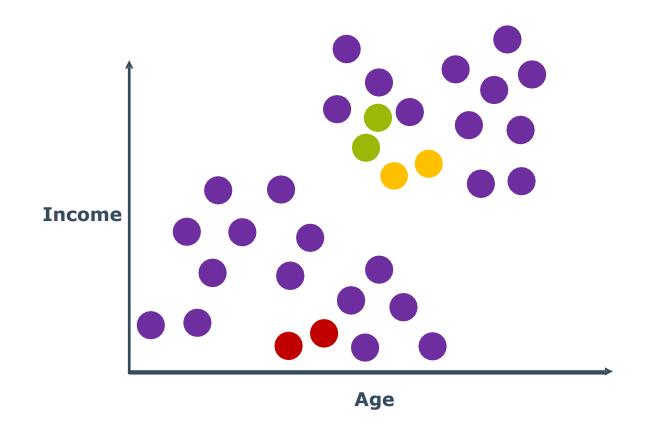
寻找最近的一对点, 聚成一个聚簇



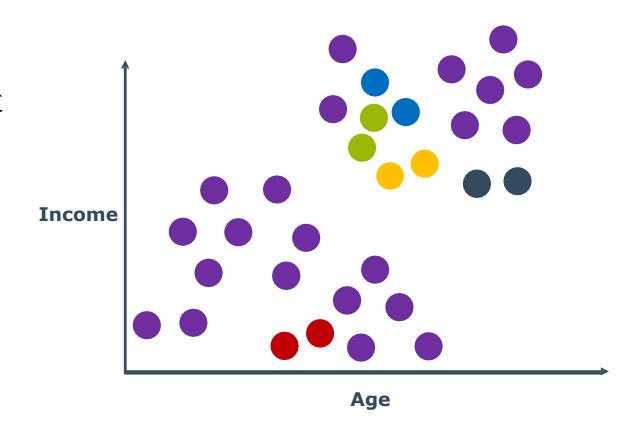
寻找下一对最近的点,并合并



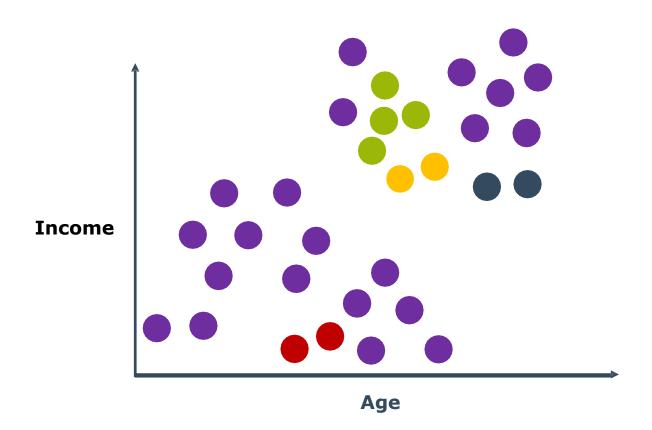
寻找下一对最近的点,并合并



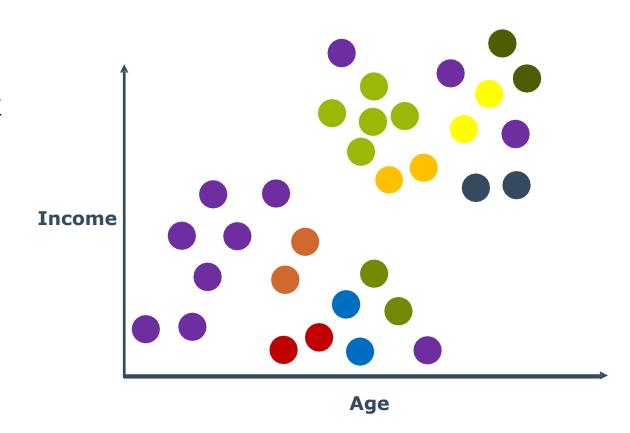
继续合并距离最近 的点



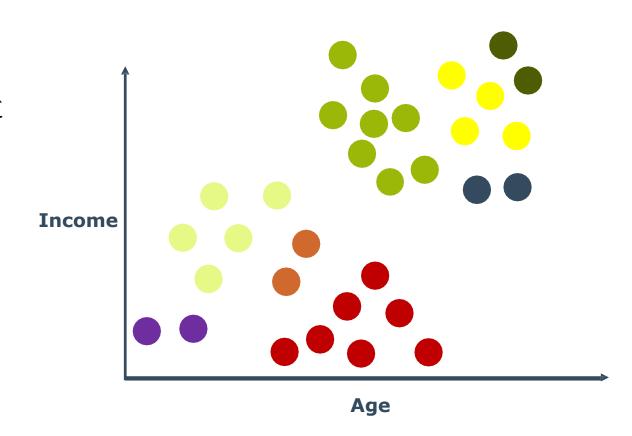
如果距离最近 的是两个聚簇, 则合并它们

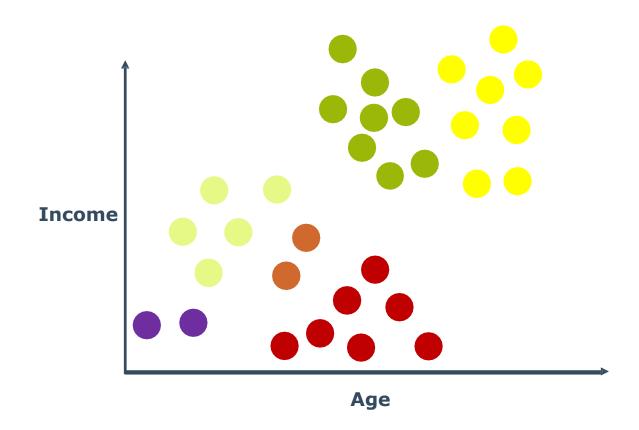


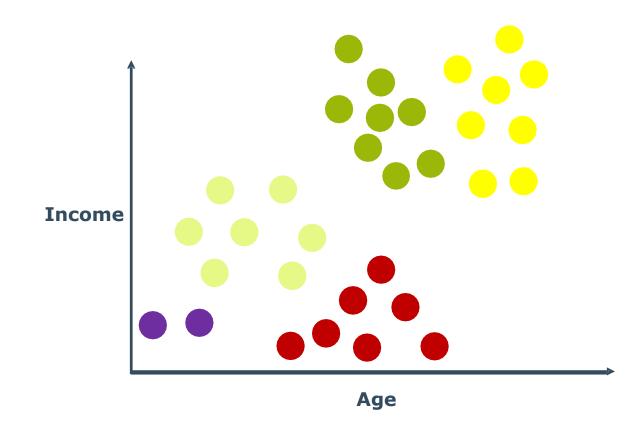
继续合并距离最近 的点和聚簇

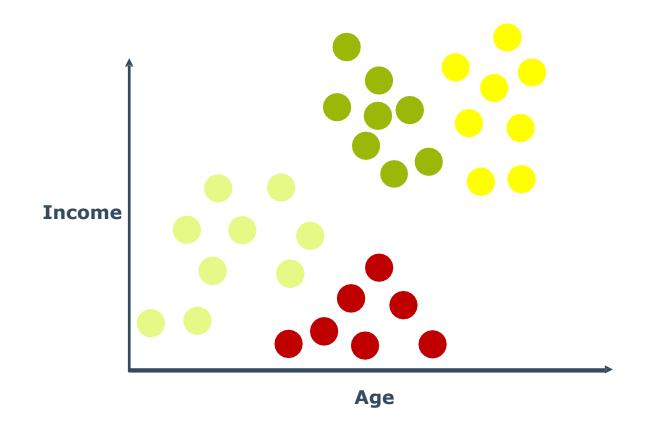


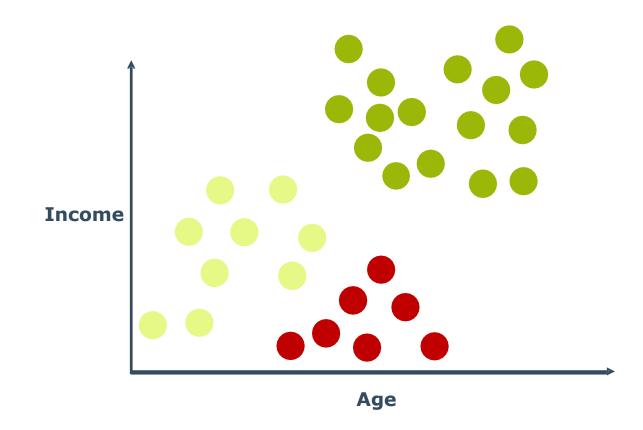
继续合并距离最近 的点和聚簇

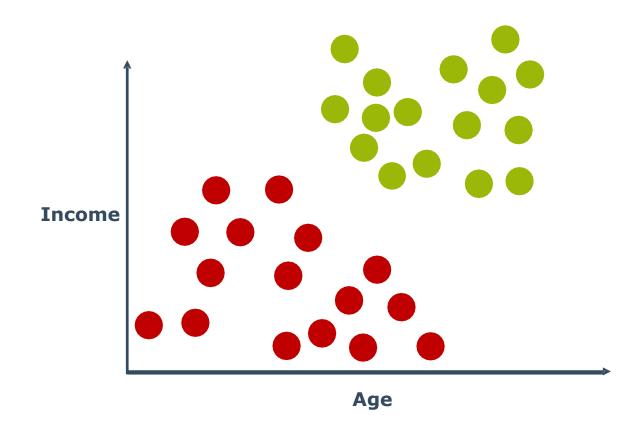


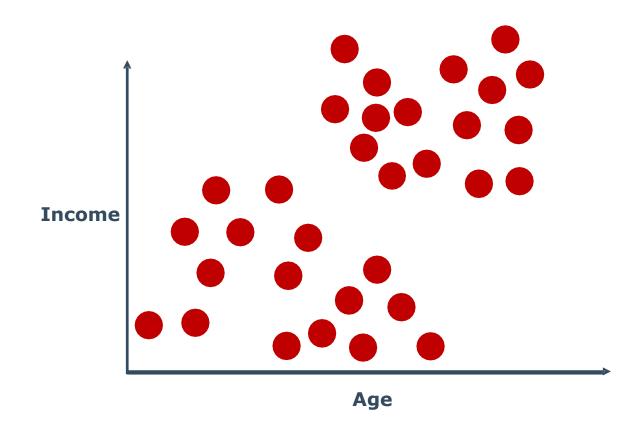












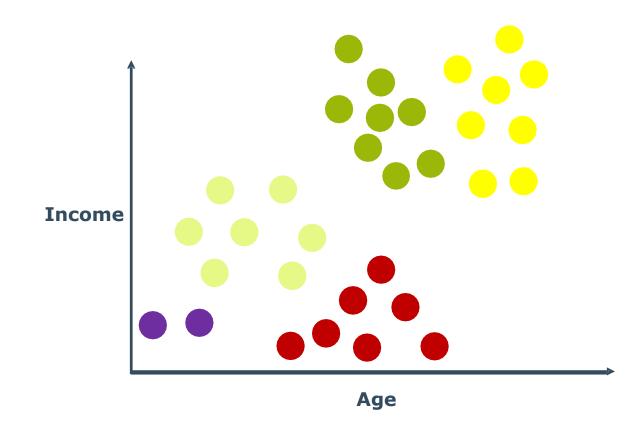
聚合式层次聚类的停止条件

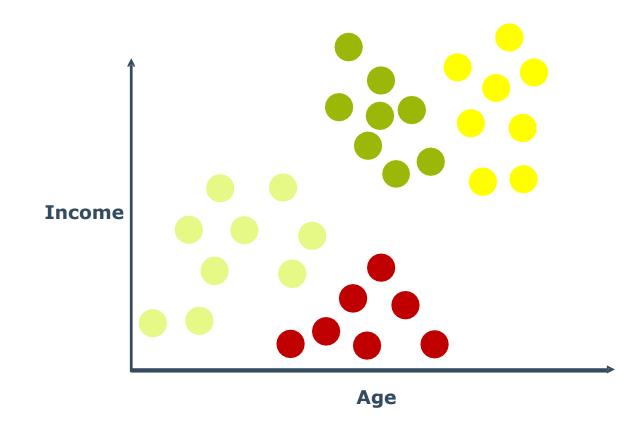
条件 1

达到正确的聚类数

条件 2

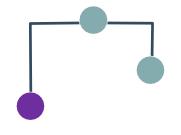
最小平均聚簇距离达到预设的值

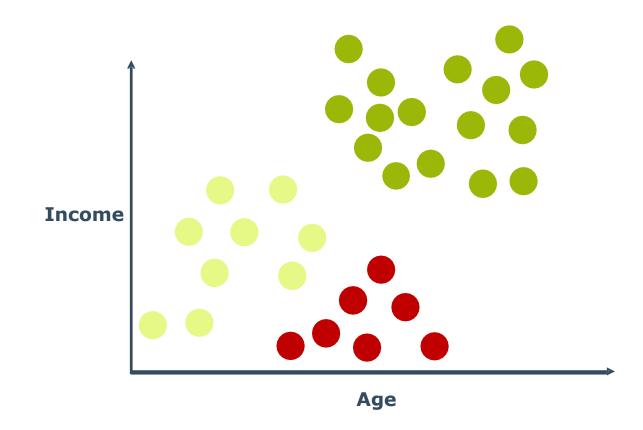


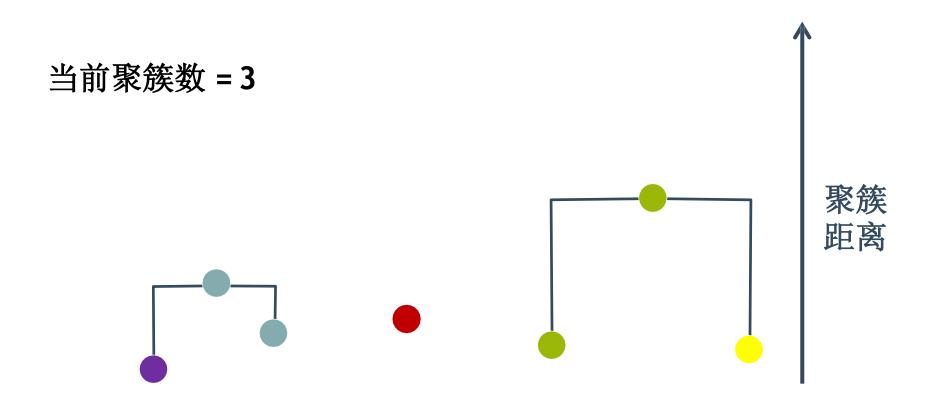


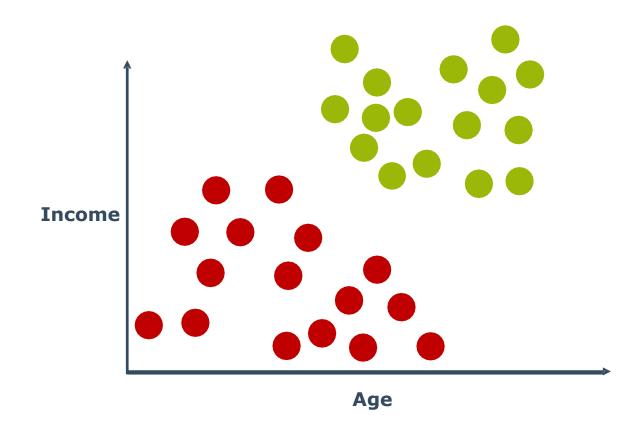
当前聚簇数 = 4

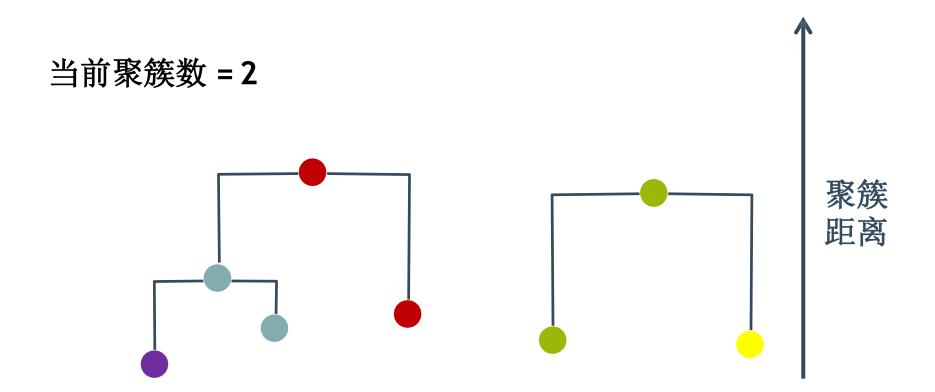
聚簇 距离

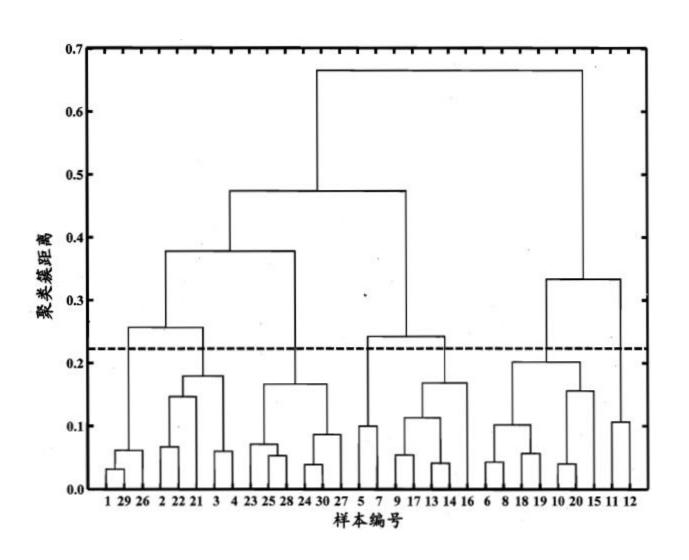








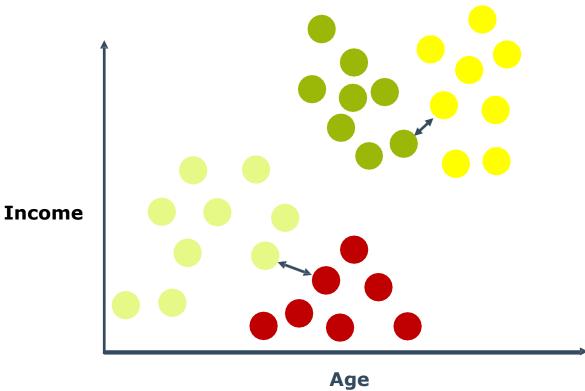




- 单链接(Single Linkage): 簇间最小的两点距离
- 完全链接(Complete Linkage): 簇间最大的两点 距离
- **平均链接(Average Linkage)**: 簇间所有两点距离 的平均值
- Ward链接(Ward Linkage):每次选择导致最佳 inertia的合并

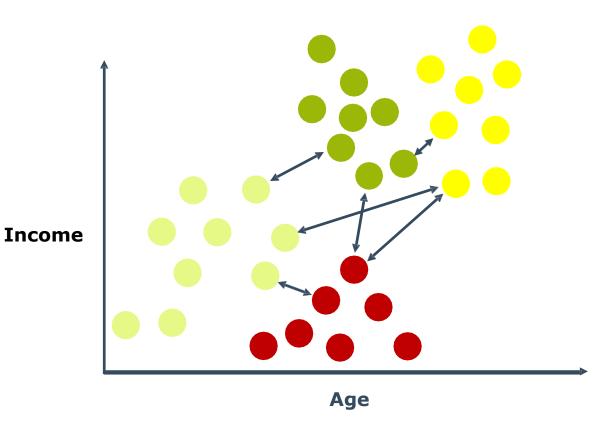
单链接: 簇间最小

的两点距离



单链接: 簇间最小

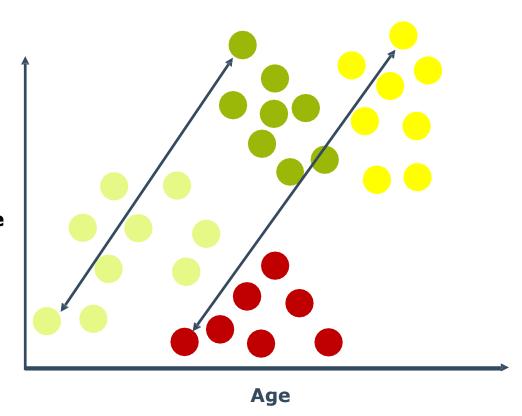
的两点距离



完全链接: 簇间最大

的两点距离

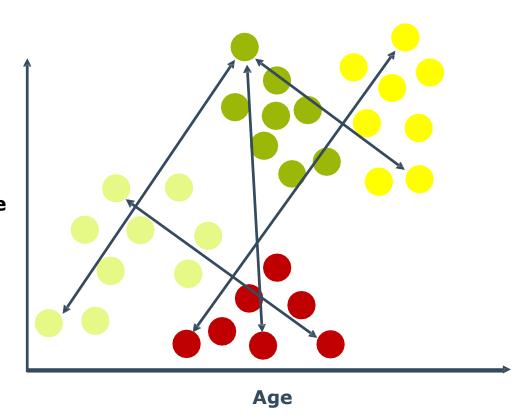
Income



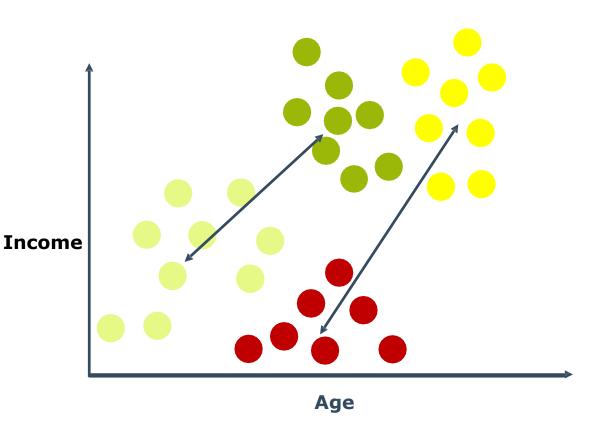
完全链接: 簇间最大

的两点距离

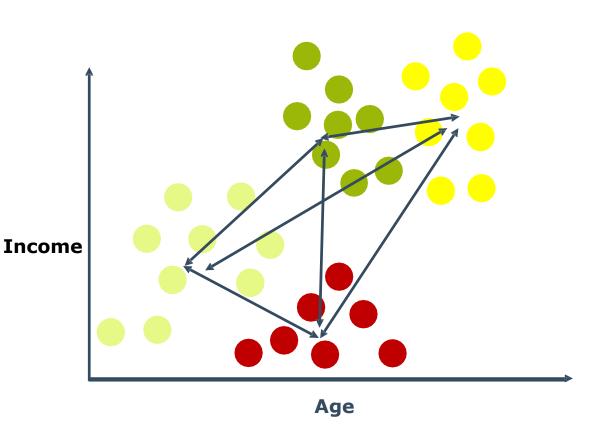
Income



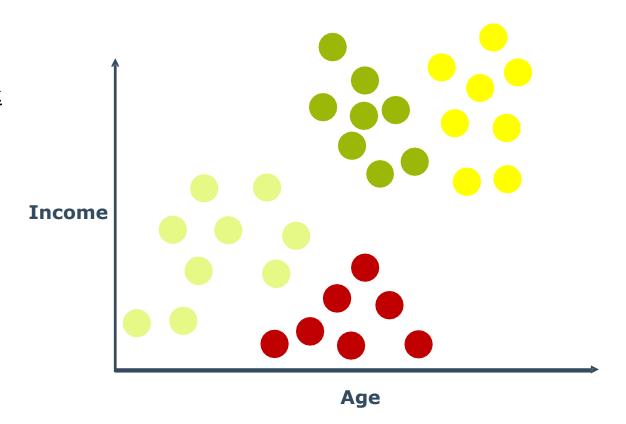
平均链接: 簇间所有两点距离的平均值



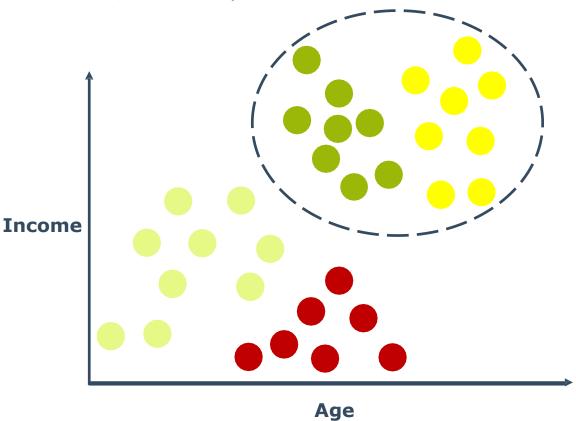
平均链接: 簇间所有两点距离的平均值



Ward链接:每次选择导致最佳inertia的合并



Ward链接:每次选择导致最佳inertia的合并



聚合式层次聚类的语法

```
导入包含聚类方法的类:
   from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering
创建该类的一个对象:
   agg = AgglomerativeClustering(n clusters=3,
                  affinity='euclidean',
                  linkage='ward')
拟合数据,并预测新数据的聚簇:
   aqq = aqq.fit(X1)
   y predict = agg.predict(X2)
```

http://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.cluster.AgglomerativeClustering.html

聚合式层次聚类的语法

导入包含聚类方法的类:

from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering

创建该类的一个对象:

```
agg = AgglomerativeClustering(n_clusters=3, 最终的聚簇数 affinity='euclidean', linkage='ward')
```

拟合数据,并预测新数据的聚簇:

```
agg = agg.fit(X1)
y_predict = agg.predict(X2)
```

聚合式层次聚类的语法

导入包含聚类方法的类:

from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering

创建该类的一个对象:

```
agg = AgglomerativeClustering(n_clusters=3, 聚簇间距离 affinity='euclidean', 的计算和聚 合方法
```

拟合数据,并预测新数据的聚簇:

```
agg = agg.fit(X1)
y predict = agg.predict(X2)
```