## Tarea 2 Propiedades de los modelos ARMA

Cuéllar, Eduardo, García Jesús, Miranda Areli, Ramirez José, Saldaña Ricardo

#### Ejercicio 1

1.- Considere el proceso MA(2):

$$X_t = Z_t - 0.4Z_{t-1} - 1.2Z_{t-2}$$

donde  $Z_t$  es un ruido blanco Gaussiano.

- (a) Calcule  $\sigma_X^2$  suponiendo que  $\sigma_Z^2 = 1$ .
- (b) Encuentre la expresión general para la función de autocorrelación  $\rho_k$ .
- (c) Grafique  $\rho_k$  (correlograma ACF), para k = 0, 1, 2, ..., 10.
- (d) Encuentre la expresión general para la funció de autocorrelación parcial  $\phi_{kk}$ .
- (e) Grafique  $\phi_{kk}$  (correlograma PACF), para k = 0, 1, 2, ..., 10.
- (f) En R simule el proceso  $X_t$  para un tamaño de muestra n, grafique la serie de tiempo y los correlogramas ACF y PACF. Compare los correlogramas simulados con los del proceso original.

#### #Cargamos librerías

library(ggplot2); library(itsmr); library(forecast); library(TSA); library(lmtest)
library(timeSeries); library(timeSeries); library(astsa);
library(tseries); library(forecast); library(nortest)

Respuesta:

a) 
$$Var(X_t) = Var(Z_t - 0.4_{t-1}, -1.2Z_{t-2}) \dots (1)$$

Como  $Z_k \perp Z_j \ \forall \ k \neq j$ , podemos expresar a (1) de la siguiente manera:

$$= Var(Z_t) + Var(-0.4Z_{t-1}) + Var(-1.2Z_{t-2})$$
  
=  $Var(Z_t) + (-0.4)^2 Var(Z_{t-1}) + (-1.2)^2 Var(Z_{t-2}) \dots (2)$ 

Como  $Z_t$  son v.a.i.i.d., con  $\mathbb{E}[Z_t] = 0$  y  $Var(Z_t) = 1$ 

$$(2) = 1 + (.16)(1) + (1.44)(1)$$

$$= 1 + .16 + 1.44$$

$$= 2.6Cov(Z_t - 1.4Z_{t-1} - 1.2Z_{t-2}, Z_{t+k} - 0.4Z_{t-1+k} - Z_{t-2+k})$$

b) Veamos la autocovarianza:

$$\begin{split} \gamma(k) &= Cov(X_t, X_{t+k}) \\ &= Cov(Z_t - 0.4Z_{t-1} - 1.2Z_{t-2}, Z_{t+k} - 0.4Z_{t-1+k} - 1.2Z_{t-2+k}) \\ &= Cov(Z_t, Z_t + k) - 0.4Cov(Z_t, Z_{t+k-1}) - 1.2Cov(Z_t, Z_{t+k-2}) \\ &- 0.4Cov(Z_{t-1}, Z_{t+k}) + .16Cov(Z_{t-1}, Z_{t+k-1}) + .48Cov(Z_{t-1}, Z_{t+k-2}) \\ &- 1.2Cov(Z_{t-2}, Z_{t+k}) + .48Cov(Z_{t-2}, Z_{t+k}) + 1.44Cov(Z_{t-2}, Z_{t+k-2}) \end{split}$$

Si k = 0, entonces:

$$\gamma(0) = Cov(Z_t, Z_t) + .16Cov(Z_{t-1}, Z_{t+k-1}) + 1.44Cov(Z_{t-2}, Z_{t+k-2})$$

$$= Var(Z_t) + .16Var(Z_t) + 1.44Var(Z_t)$$

$$= 2.6$$

$$= Var(X_t).$$

Y 0 en los demás, ya que  $Z_j \ \forall \ k \neq j$ 

Si k=1

$$\begin{split} \gamma(1) &= -0.4 Cov(Z_t, Z_{t+1-1}) + .48 Cov(Z_{t-1}, Z_{t+1-2}) \\ &= -0.4 Cov(Z_t, Z_t) + .48 Cov(Z_{t-1}, Z_{t-1}) \\ &= -0.4 Var(Z_t) + .48 Var(Z_t) \\ &= -0.4 + .48 \\ &= .08 \end{split}$$

Si k = -1

$$\begin{split} \gamma(-1) &= -0.4 Cov(Z_{t-1}, Z_{t-1}) + .48 Cov(Z_{t-2}, Z_{t-1-1}) \\ &= -0.4 Cov(Z_{t-1}, Z_{t-1}) + .48 Cov(Z_{t-2}, Z_{t-2}) \\ &= -0.4 Var(Z_t) + .48 Var(Z_t) \\ &= -0.4 + .48 \\ &= .08 \end{split}$$

Si k=2

$$\gamma(2) = -1.2Cov(Z_t, Z_{t+2-2})$$
= -1.2Cov(Z\_t, Z\_t)
= -1.2Var(Z\_t)
= -1.2

Si k=-2

$$\gamma(-2) = -1.2Cov(Z_{t-2}, Z_{t-2})$$

$$= -1.2Cov(Z_{t-2}, Z_{t-2})$$

$$= -1.2Var(Z_t)$$

$$= -1.2$$

Son los únicos k para los cuales hay un término tal que, en  $Cov(Z_j,Z_i)$  tenemos i=j, y como  $Z_j\perp Z_i$   $\forall j\neq i \implies Cov(Z_j,Z_i)=0$ 

$$\therefore \gamma(k) = \begin{cases} 2.6 & k = 6 \\ 0.08 & |k| = 1 \\ -1.2 & |k| = 2 \\ 0 & e.o.c \end{cases}$$

Entonces, tenemos que:

Para k = 1:

$$\rho_k = 1$$

Para |k| = 1:

$$\rho_k = \frac{0.08}{2.6} = \frac{2}{65}$$

Para |k| = 2:

$$\rho_k = \frac{-1.2}{2.6} = \frac{-6}{13}$$

Para |k| > 2:

$$\rho_k = 0$$

c) Gráfica:

```
acf_coefs_ej1=c(1,2/65,-6/13)
#llenemos de 0 los faltantes
for (i in (length(acf_coefs_ej1)+1):11){
   acf_coefs_ej1[i]=0
}
ACF_1<-data.frame('ACF'=acf_coefs_ej1,lag=0:10)
ACF_1</pre>
```

```
##
              ACF lag
## 1
       1.00000000
                     0
## 2
       0.03076923
                     1
## 3
      -0.46153846
                     2
       0.00000000
## 4
                     3
## 5
       0.00000000
                     4
## 6
       0.00000000
       0.0000000
## 7
                     6
## 8
       0.00000000
                     7
## 9
       0.0000000
                     8
## 10 0.0000000
                     9
## 11 0.00000000
                    10
ggplot(ACF_1,aes(x=lag,y=ACF))+geom_point()+geom_abline(intercept = 0,slope=0,color='red')
     1.0 -
    0.5 -
ACF
    0.0
   -0.5 -
          0.0
                              2.5
                                                 5.0
                                                                                        10.0
```

d) Automatizaremos la obtención de los coeficientes del PACF para el ejercicio 1:

```
#x será el vector con los coeficientes de autocorrelación
coefs_pacf<-function(p,k){</pre>
  if(k==0){
    return(1)
  }
  if(length(p)<k+1){</pre>
    for(i in length(p):k){
      p[i+1]=0
    }
 }
```

lag

7.5

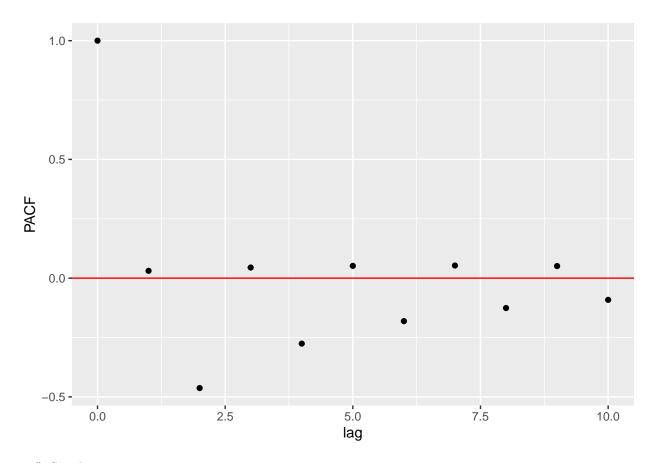
```
A<-matrix(nrow=k,ncol = k)
for (j in 1:k){
    for (i in 1:k){
        A[i,j]=p[abs(i-j)+1]
    }
}
B<-A
for (i in 1:k){
    B[i,k]=p[i+1]
}
return(det(B)/det(A))
}</pre>
```

¿Cómo funciona? Bien, en clase, en la página 27 de las notas, podemos observar que  $\phi_{kk}$ , que es el coeficiente de autocorrelación parcial para un lag de k se puede calcular usando Cramer. Observamos el patrón de que en la matriz que 'va en el denominador', iba el coeficiente  $\rho_i$  donde i era el valor absoluto de la diferencia entre el número de columna y renglón, por ello es que llenamos la matriz como A[i,j] = p[abs(i-j)+1]. En la matriz 'numerador', únicamente es cambiar el último renglón por los  $\rho_j$  donde j es el número de renglón, siendo ambas matrices de dimensión k\*k

Ahora solo aplicamos la fórmula:

```
pacf_ej1=c()
for (i in 1:11){
   pacf_ej1[i] <-coefs_pacf(acf_coefs_ej1,i-1)
}
PACF_1=data.frame(PACF=pacf_ej1,lag=c(0:10))
PACF_1</pre>
```

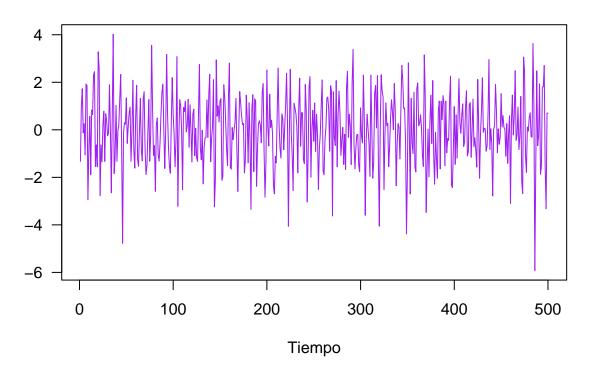
```
PACF lag
##
## 1
       1.00000000
                    0
       0.03076923
## 2
                    1
     -0.46292348
                    2
## 3
## 4
       0.04461263
                    3
## 5 -0.27566723
                    4
## 6
      0.05170474
                    5
## 7
     -0.18101857
                    6
## 8
      0.05318550
                    7
## 9 -0.12591880
## 10 0.05090694
                    9
## 11 -0.09137468
                   10
  e) Graficamos
ggplot(PACF_1,aes(x=lag,y=PACF))+geom_point()+geom_abline(intercept = 0,slope=0,color='red')
```



#### f) Simulamos

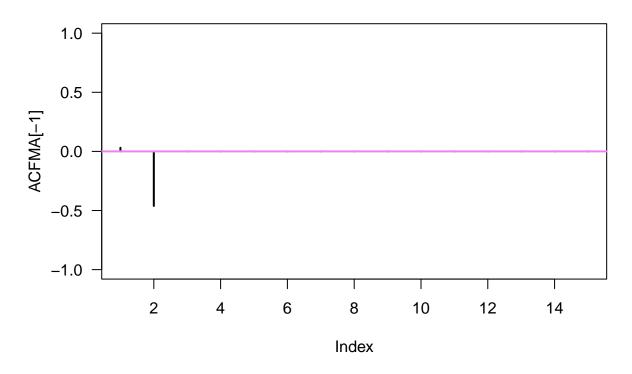
```
par(mfrow=c(1,1))
MA2=arima.sim(list(order=c(0,0,2), ma=c(-0.4,-1.2)),n=500)
plot(MA2, main="Simulación MA(2)", col="purple", ylab="", las=1, xlab="Tiempo")
```

# Simulación MA(2)



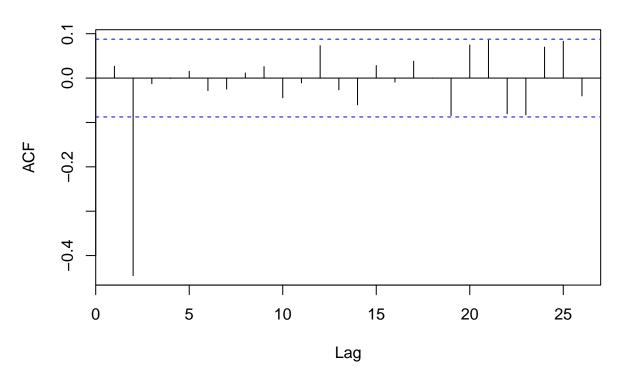
```
# Vamos a calcular el ACF de la muestra simulada
(ACFMA=ARMAacf(ma=c(-0.4,-1.2), ar=0,15))
##
                                            3
   1.00000000
              0.03076923 -0.46153846
                                    0.00000000
                                               0.00000000
                                                          0.00000000
##
##
                      7
                                                      10
                                                                 11
   0.00000000
              0.0000000
                         0.0000000
                                    0.00000000
                                               0.0000000
                                                          0.0000000
##
           12
                     13
                                14
                                           15
##
   plot(ACFMA[-1],type="h", main="ACF de la muestra de un MA(2)", lwd=2, ylim=c(-1,1), las=1)
abline(h=0, lwd=2, col="violet")
```

## ACF de la muestra de un MA(2)



acf(MA2)

## **Series MA2**



```
# Vamos a calcular el PACF de la muestra simulada
(PACFMA=ARMAacf( ma=c(-0.4,-1.2), ar=0,15, pacf=T))

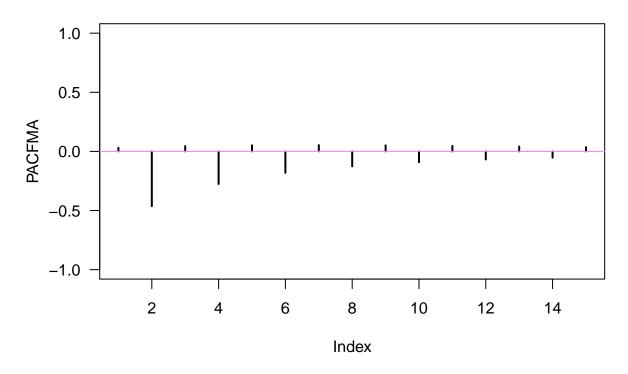
## [1] 0.03076923 -0.46292348 0.04461263 -0.27566723 0.05170474 -0.18101857

## [7] 0.05318550 -0.12591880 0.05090694 -0.09137468 0.04654881 -0.06857228

## [13] 0.04131486 -0.05286052 0.03595283

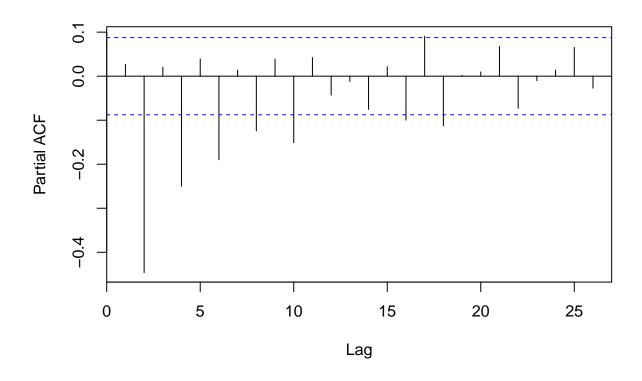
plot(PACFMA,type="h", main="PACF de la muestra de un MA(2)", lwd=2, ylim=c(-1,1), las=1)
abline(h=0, lwd=1, col="violet")
```

## PACF de la muestra de un MA(2)



pacf(MA2)

#### Series MA2



### Ejercicio 2

Programamos la función recursiva para los coeficientes de correlación

```
#phi es un vector con los coeficientes del modelo AR(p)
#p es un vector con los acf para lag=1 y 2
coefs_acf<-function(phi,p,k){
  for (i in length(p):k+1){
    p[i]=phi[1]*p[i-1]+phi[2]*p[i-2]
  }
  return(p)
}</pre>
```

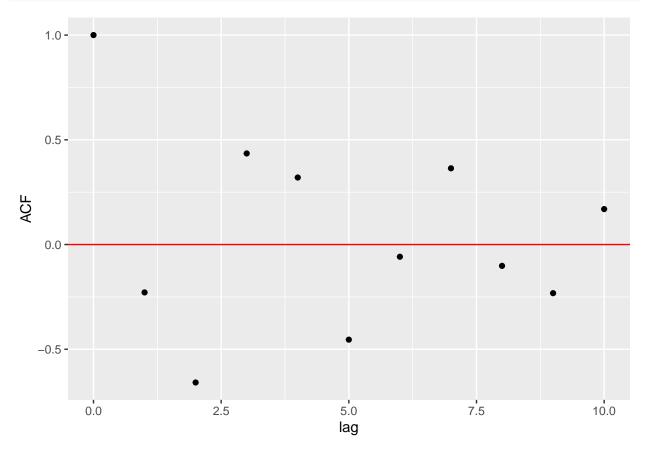
#### Aplicamos:

```
acf_coefs_ej2<-c(1,-8/35,-461/700)
phi_ej2<-c(-0.4,-0.75)
acf_coefs_ej2<-coefs_acf(phi_ej2,acf_coefs_ej2,10)
ACF_2=data.frame(ACF=acf_coefs_ej2,lag=c(0:10))
ACF_2</pre>
```

```
##
              ACF lag
## 1
       1.00000000
                     0
## 2
      -0.22857143
                     1
## 3
     -0.65857143
                     2
## 4
       0.43485714
                     3
       0.31998571
## 5
```

```
## 6 -0.45413714 5
## 7 -0.05833443 6
## 8 0.36393663 7
## 9 -0.10182383 8
## 10 -0.23222294 9
## 11 0.16925705 10
```

ggplot(ACF\_2,aes(x=lag,y=ACF))+geom\_point()+geom\_abline(intercept = 0,slope=0,color='red')



#### Entonces:

```
Var_Xt<-1/(1-sum(phi_ej2*(acf_coefs_ej2[2:3])))
Var_Xt</pre>
```

#### ## [1] 2.411714

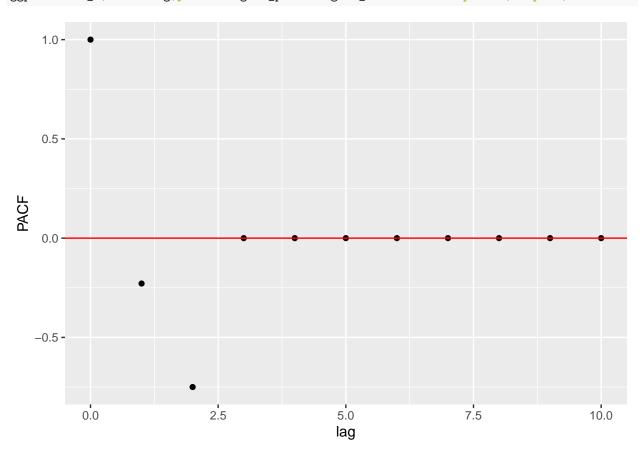
Sabemos que en un modelo AR(p), solo los primeros p coeficientes del PACF son distintos de 0, es decir, en este caso los primeros 2, para lag=1 y 2. Aplicamos la función escrita anteriormente:

```
pacf_ej2=c()
for (i in 1:3){
    pacf_ej2[i] <-coefs_pacf(acf_coefs_ej2,i-1)
}
for (i in 4:11) {
    pacf_ej2[i] <-0
}
PACF_2=data.frame(PACF=pacf_ej2,lag=c(0:10))
PACF_2</pre>
```

```
PACF lag
##
## 1
       1.0000000
## 2
     -0.2285714
## 3
      -0.7500000
       0.0000000
## 4
## 5
       0.0000000
       0.0000000
## 6
       0.0000000
## 7
## 8
       0.0000000
                   7
       0.000000
## 9
## 10 0.0000000
                   9
## 11 0.0000000
                  10
```

#### Graficamos

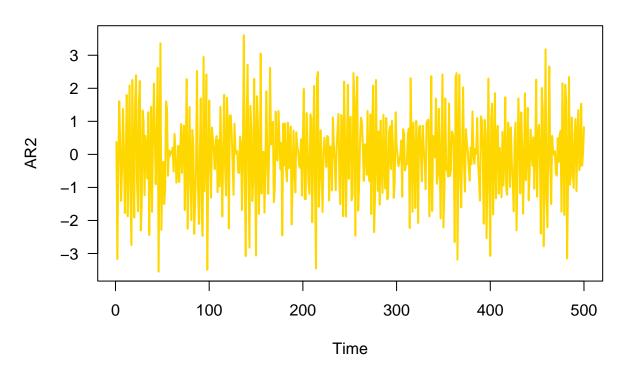
ggplot(PACF\_2,aes(x=lag,y=PACF))+geom\_point()+geom\_abline(intercept = 0,slope=0,color='red')



#### Simulamos

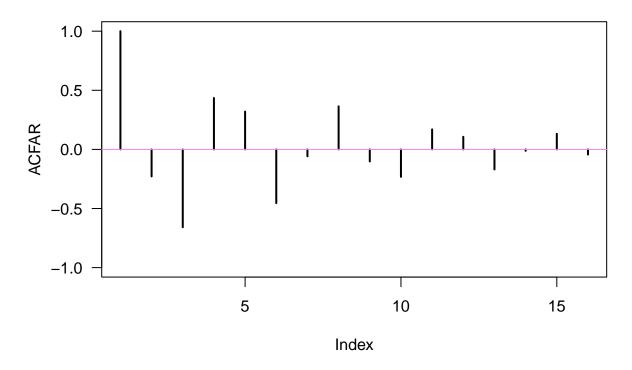
```
par(mfrow=c(1,1))
# Vamos a calcular el ACF de la muestra simulada
AR2=arima.sim(list(order=c(2,0,0), ar=c(-0.4,-0.75)),n=500)
plot(AR2, main="Simulación AR(2)", col="gold", lwd=2, las=1)
```

## Simulación AR(2)



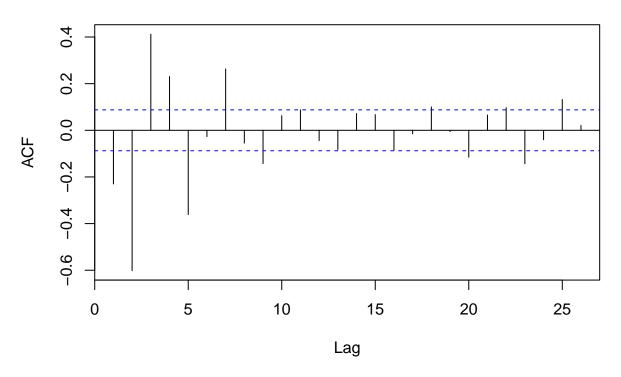
```
(ACFAR = ARMAacf(ar = c(-0.4, -0.75), ma = 0, 15))
##
                                 2
                                            3
   1.00000000 -0.22857143 -0.65857143
                                   0.43485714
                                              0.31998571 -0.45413714
##
##
                                 8
                                                      10
                      7
0.16925705 0.10646439
##
           12
                     13
                                14
                                           15
## -0.16952854 -0.01203687 0.13196115 -0.04375681
plot(ACFAR,type="h", main="PACF de la muestra de un MA(2)", lwd=2, ylim=c(-1,1), las=1)
abline(h=0, lwd=1, col="violet")
```

# PACF de la muestra de un MA(2)



acf(AR2)

## **Series AR2**



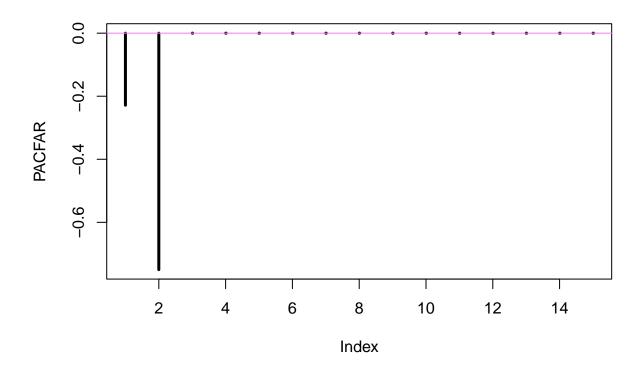
```
# Vamos a calcular el PACF de la muestra simulada
(PACFAR=ARMAacf(ar=c(-0.4,-0.75), ma=0,15, pacf=T))

## [1] -2.285714e-01 -7.500000e-01 2.677540e-16 2.814762e-16 8.987415e-17

## [6] 1.718906e-17 1.405709e-16 1.673463e-17 2.008155e-17 5.689773e-17

## [11] 4.685696e-17 8.869353e-17 4.351003e-17 6.693851e-17 2.342848e-17

plot(PACFAR, type="h", lwd=3)
abline(h=0, lwd=1, col="violet")
```



pacf(AR2)

# Series AR2

