Projet 3 : conception d'une application au service de la santé publique

• Projet s'inscrivant dans le cadre d'un appel à projet lancé par l'agence Santé publique France



• Objectif : Trouver une idée d'application en lien avec l'alimentation en partant du jeu de données Open Food Facts, disponible sur le site officiel https://world.openfoodfacts.org

Présentation du jeu de données

Taille du dataset

• 320772 lignes correspondant aux individus que sont les produits alimentaires.

(Exemple: Filet de bœuf, Farine de blé noir, Lion Peanut x2 etc.)

• 62 colonnes correspondant aux variables que sont les caractéristiques qui définissent les produits.

(Exemple : code, product name, categories, salt_100g, nutrition-score-fr_100g, sugars_100g, vitamin-c_100g etc.)

- Taux de remplissage du tableau
 - On a 76 % de valeurs manquantes

Plan d'étude

- I. Présentation de l'idée d'application
- II. Choix des variables utiles
- III. Nettoyage des données
- IV. Analyse univariée
- V. Analyse bivariée
- VI. Analyse multivariée : analyse en composantes principales (ACP)
- VII. Conclusions

Idée d'application

- Trouver le nutriscore correspondant à un produit à partir de la quantité de nutriments qu'il contient (les protéines, les sucres, les fibres, les lipides etc.)
- Objectif: aider le consommateur à identifier les produits de meilleure qualité.



• Prédiction du nutriscore par un modèle de machine Learning (apprentissage automatique).

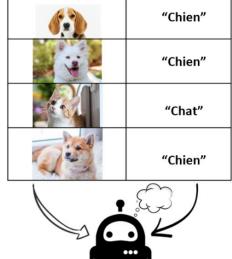
Idée d'application

• Utilisation de l'apprentissage supervisé: la machine peut apprendre à faire une tâche en étudiant un grand nombre d'exemples, avec 2

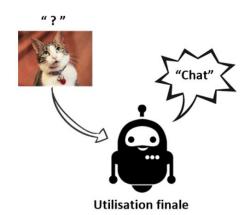
types de variables :

Une variable objectif (target) y (ici c'est le nutriscore)

 des variables caractéristiques (features) x (ici ce sont les nutriments)



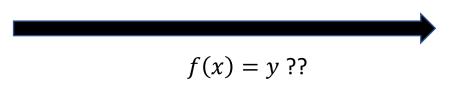




Choix des variables

Variables caractéristiques (features)

x_1	x_2	x_3	 x_n
$x_1^{(1)}$	$x_2^{(1)}$	$x_3^{(1)}$	 $x_n^{(1)}$
$x_1^{(2)}$	$x_2^{(2)}$	$x_3^{(2)}$	 $x_n^{(2)}$
$x_1^{(3)}$	$x_2^{(3)}$	$x_3^{(3)}$	 $x_n^{(3)}$
$x_1^{(m)}$	$x_2^{(m)}$	$x_3^{(m)}$	 $x_n^{(m)}$



variable cible

 $\frac{y}{y^{(1)}}$

 $y^{(2)}$

 $y^{(3)}$

ABCDE

NUTRI-SCORE

•••

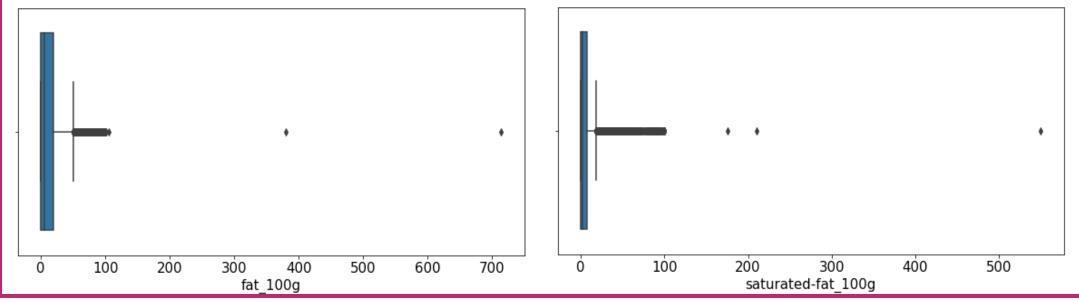
 $y^{(m)}$

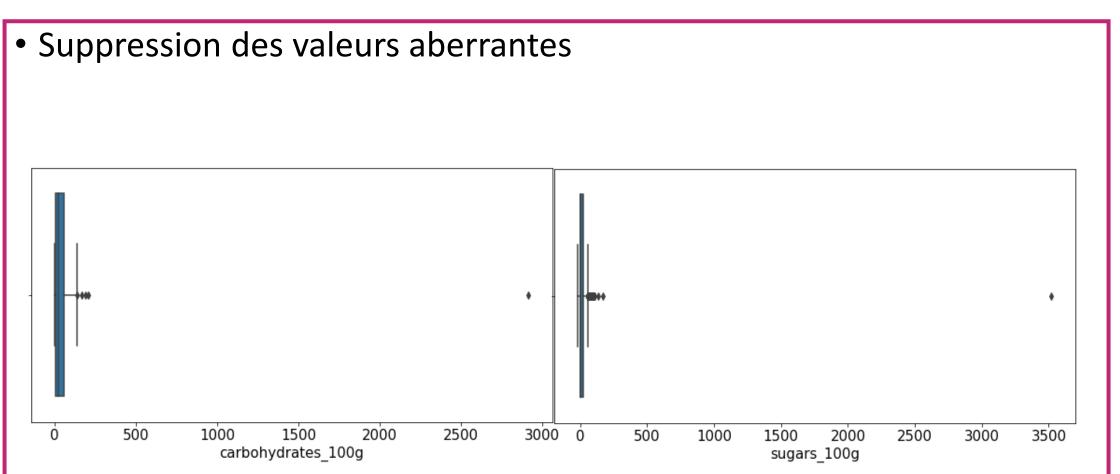
nutrition-score-fr_100g

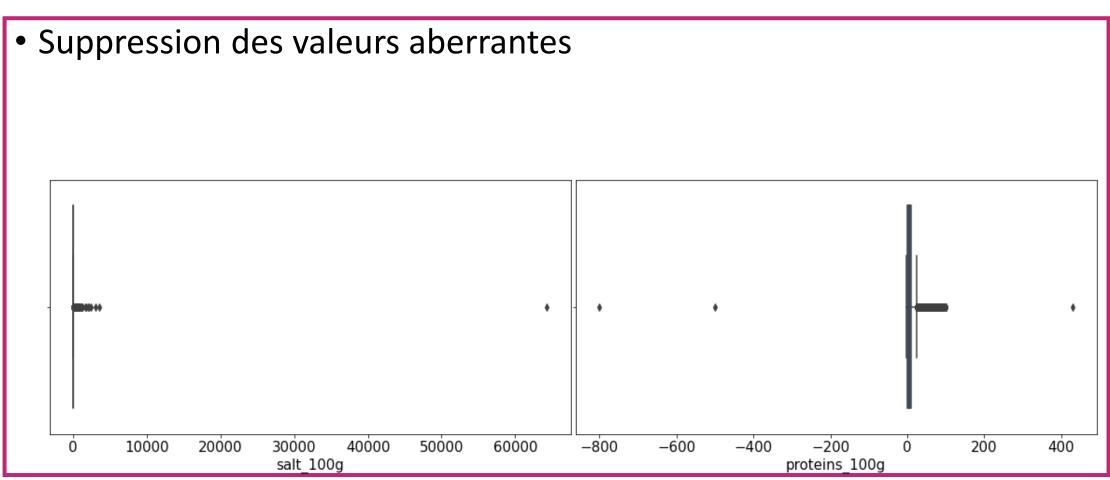
energy_100g, fat_100g, saturated-fat_100g, carbohydrates_100g, sugars_100g, salt_100g, sodium_100g, proteins_100g

Objectif : Essayer de déterminer f

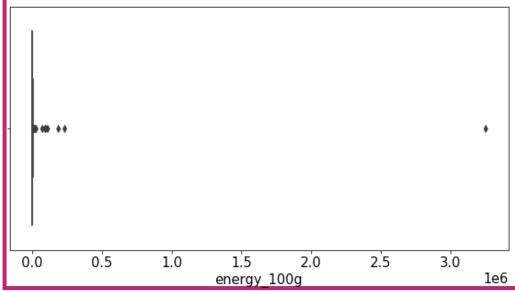
- Pas de doublons dans le tableau de données
- Suppression des valeurs aberrantes pour une catégorie de variables :
 - Outliers = valeurs négatives et supérieures à 100 pour les variables : fat_100g, saturated fat_100g, carbohydrates_100g, sugars_100g, salt_100g, sodium_100g, proteins_100g.







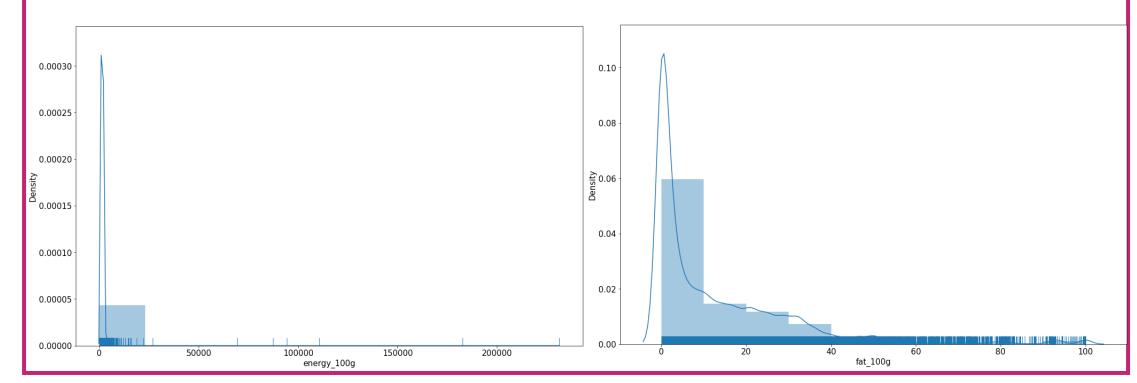
- Suppression de la valeur aberrante pour l'énergie, celle des pois cassées.
 - L'énergie des pois cassées, c'est autour de 1.4 KJ pour les 100g et non 3.251 e6 J. C'est donc une valeur aberrante. (remplacement par la valeur maximale c'est à dire 1.431 Kj)

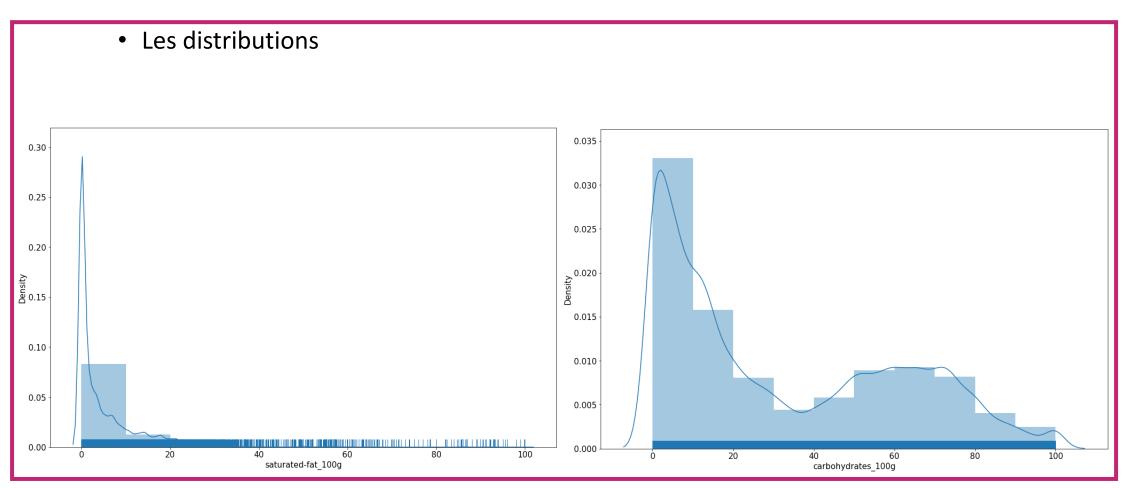


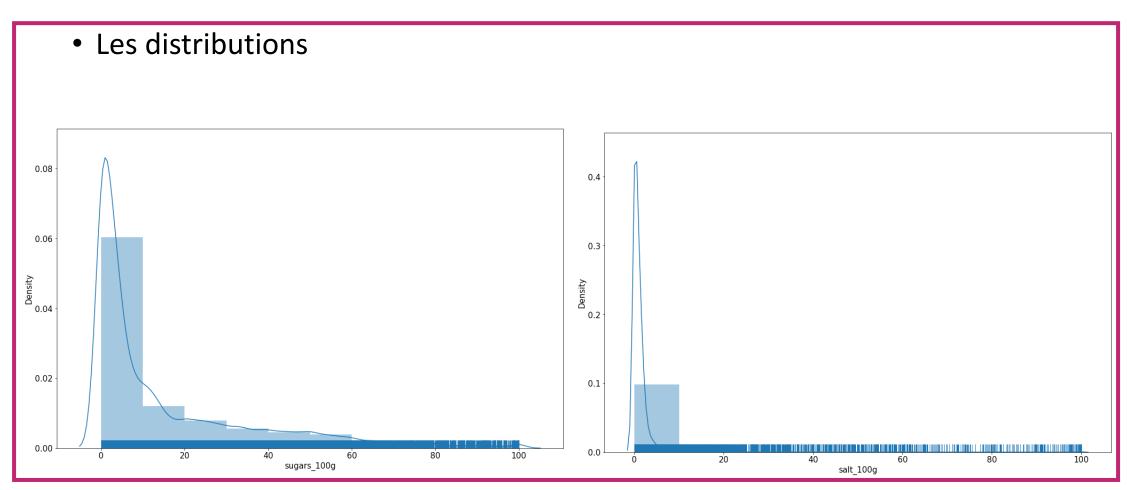
Traitement des valeurs manquantes

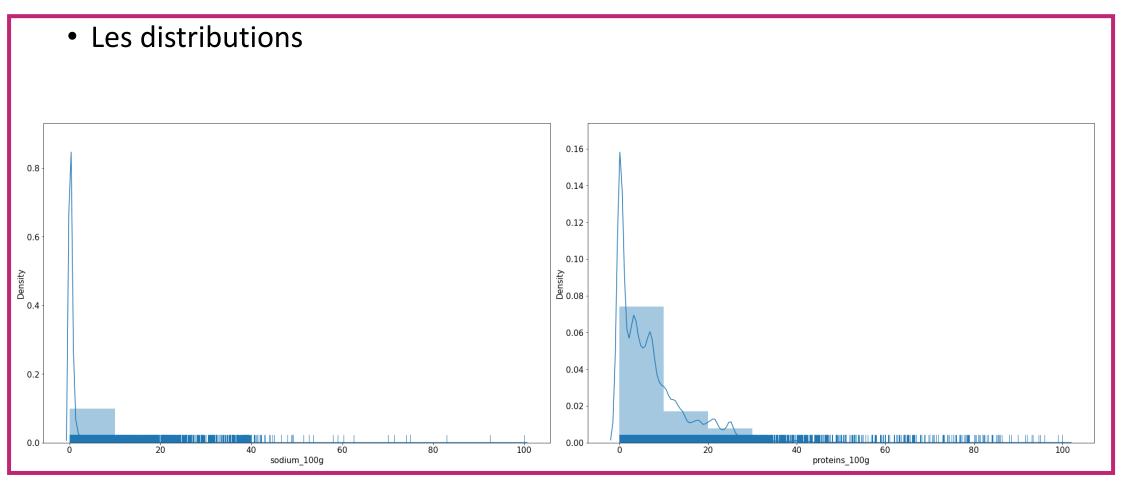
- Remplacement des valeurs manquantes à l'aide de la classe
 KNNimputer de scikit-learn (une bibliothèque libre de Python) :
 - Méthode utilisant l'algorithme KNN (k-Nearest Neighbours = k plus proches voisins).
- Principe: les valeurs manquantes de notre échantillon sont remplacées par celle de l'échantillon qui a les caractéristiques similaires à celui-ci.

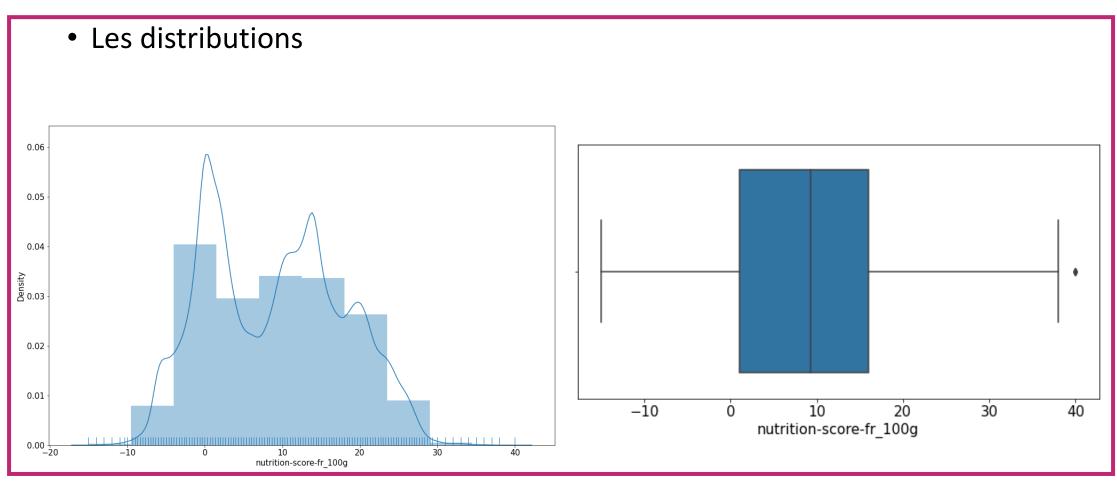
- Objectif : Description de la répartition des variables dans l'échantillon
 - Les distributions







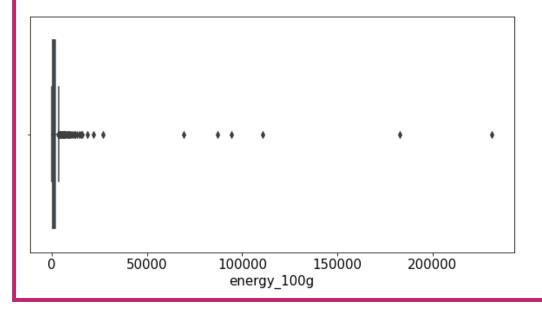


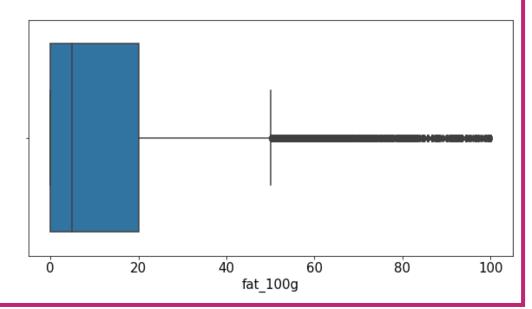


• Bilan:

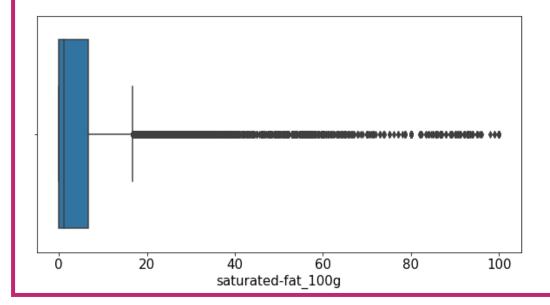
- Hormis le nutriscore, toutes les distributions des variables sont unimodales mais ne suivent pas une loi norme (une gaussienne).
- Elles ne présentent pas de symétrie mais elles sont décalées vers la droite.
- Ces observations peuvent être confirmées par des mesures de formes:
 - Le Kurtosis qui mesure l'aplatissement
 - Le Skewness qui mesure la symétrie
- Le nutriscore quant à lui présente une distribution bimodale.

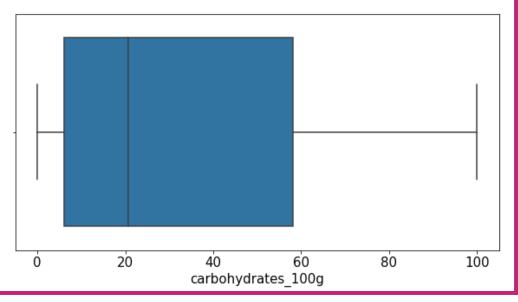
• Visualisation des dispersions par les boxplots



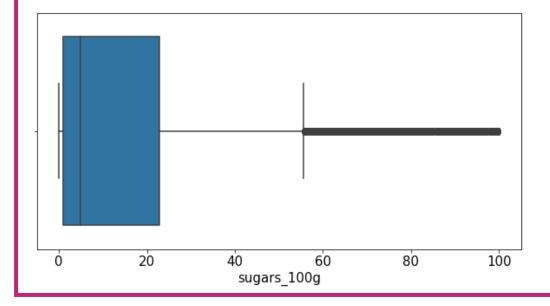


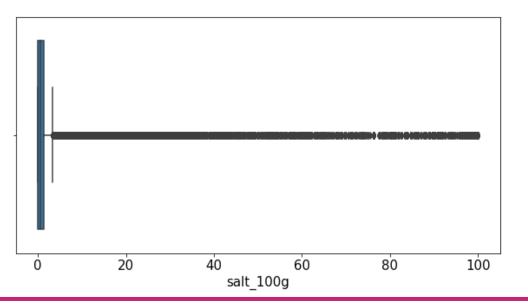
• Visualisation des dispersions par les boxplots



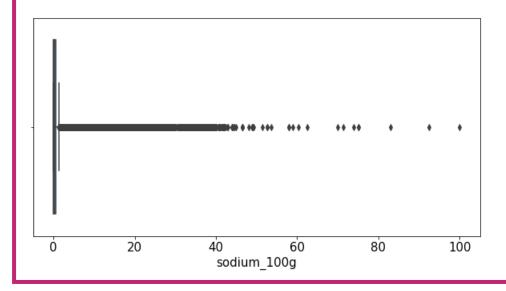


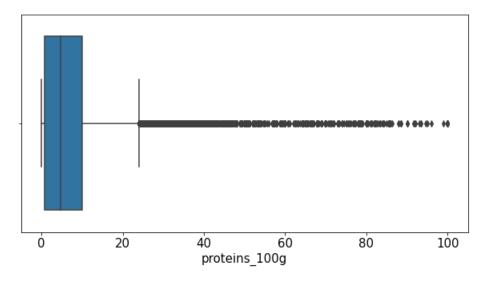
Visualisation des dispersions par les boxplots



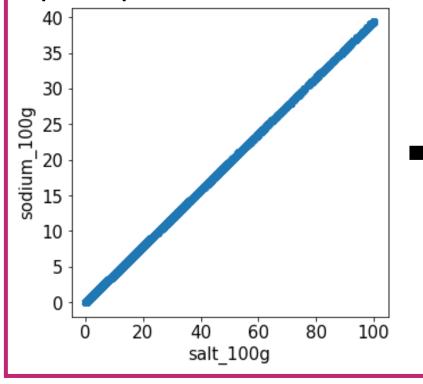


Visualisation des dispersions par les boxplots



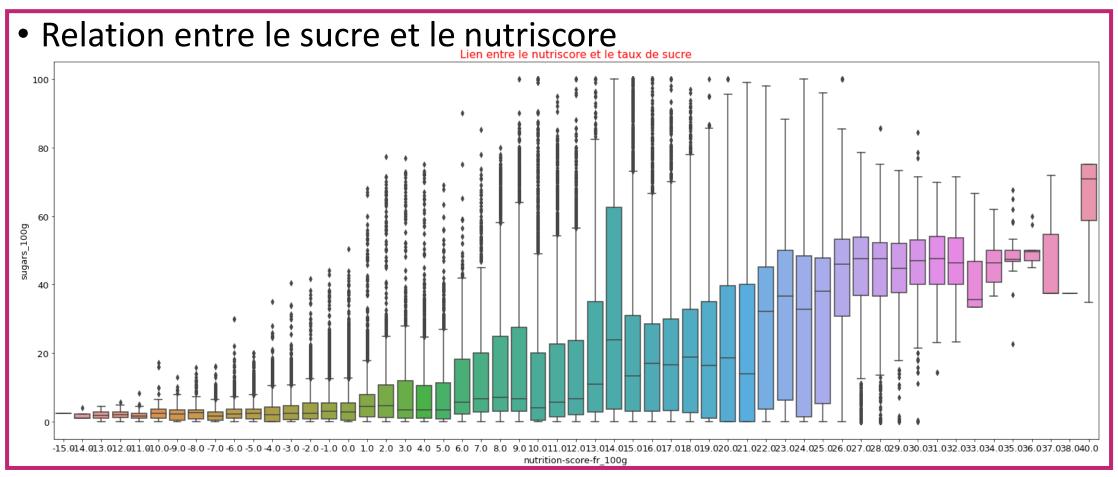


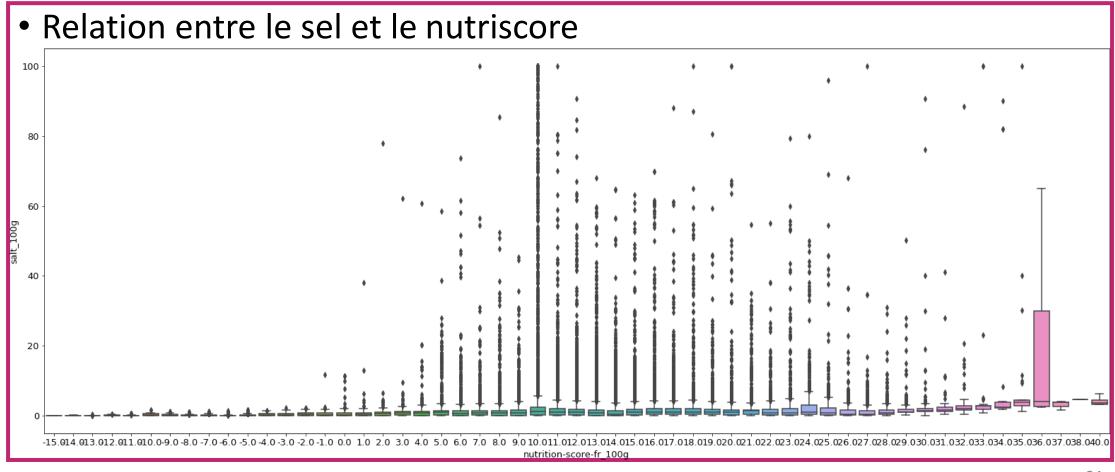
 Objectif : déterminer les éventuelles corrélations entre nos variables pour pouvoir réduire la dimension de notre modèle.

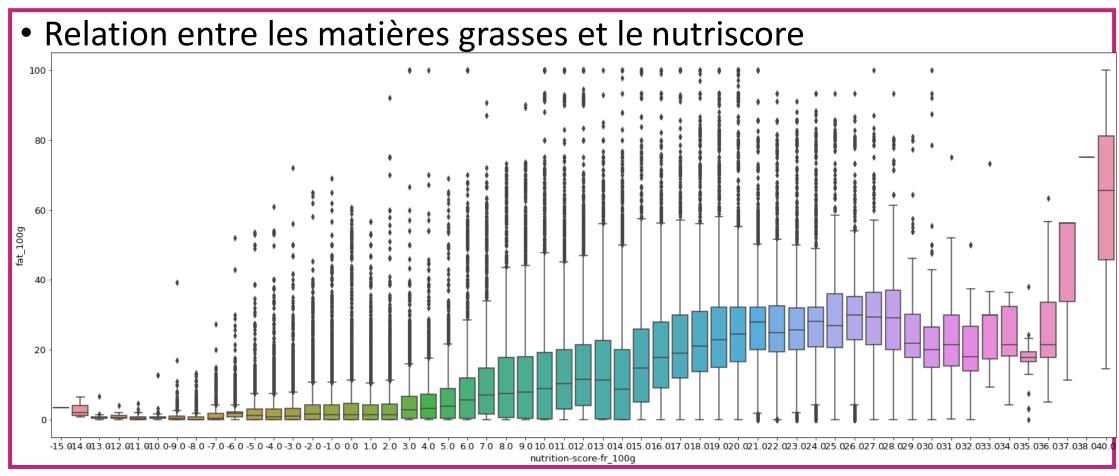


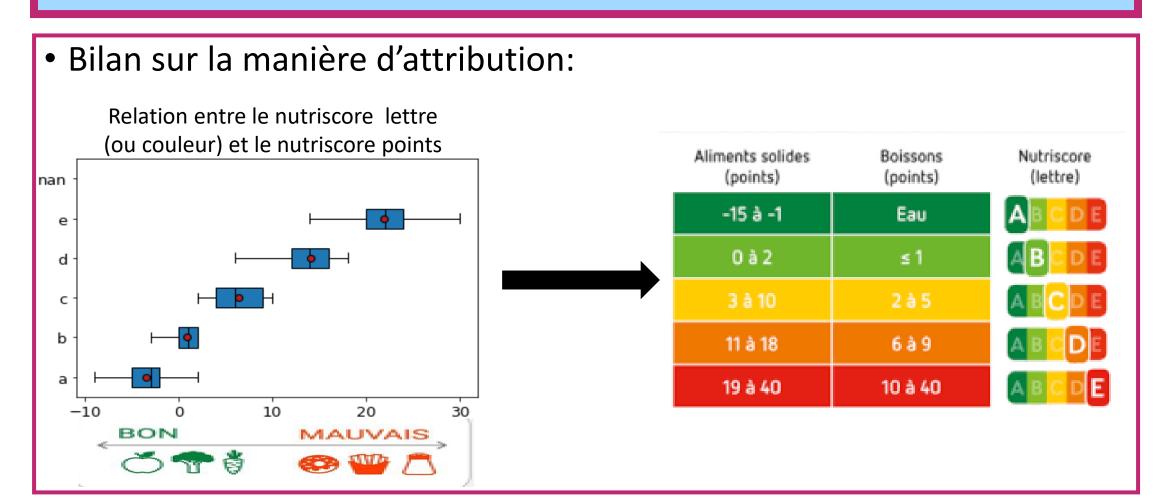
Corrélation entre le sodium et le sel (confirmation de notre hypothèse intuitive)

Retrait du sodium des variables d'entrée de notre modèle de prédiction.

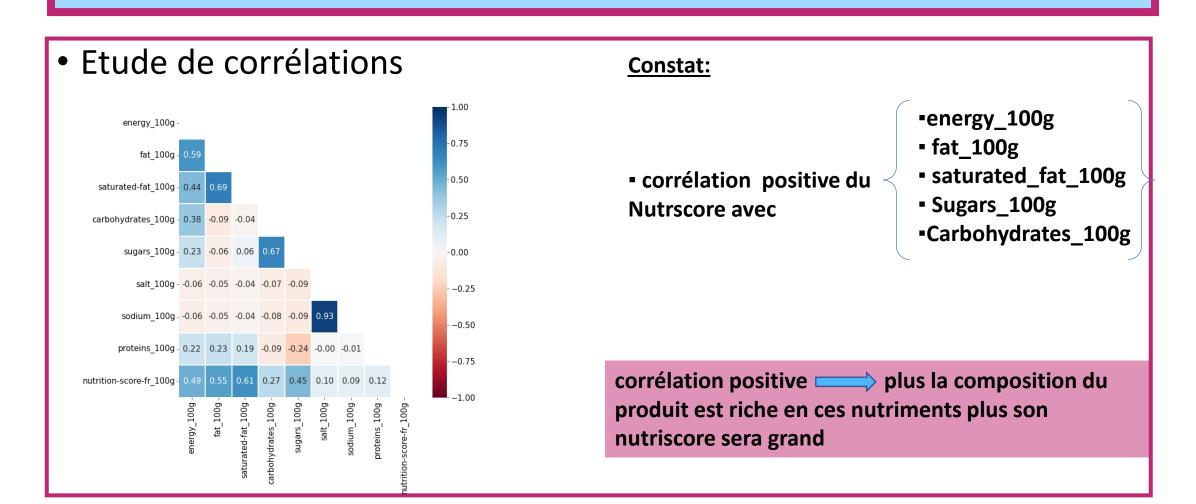








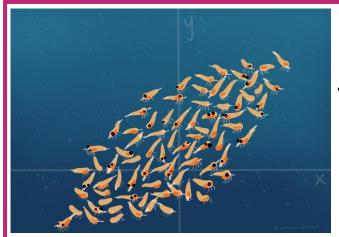
Analyse multivariée



Analyse multivariée : Analyse en composantes principales(ACP)

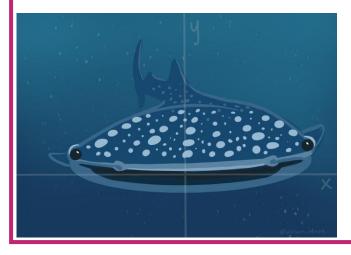
- Etude des corrélations entre les variables
- L'ACP est une méthode consistant à transformer des variables corrélées entre elles en nouvelles variables. Chacune de ces nouvelles variables est le résultat d'une combinaison linéaire des anciennes variables.
- I'ACP projette nos données dans un nouvel espace. La première composante principale est construite de manière à capter la plus grande variance possible de nos données, la seconde la part la plus importante de la variance possible restant à expliquer, et ainsi de suite.

Illustration de l' ACP

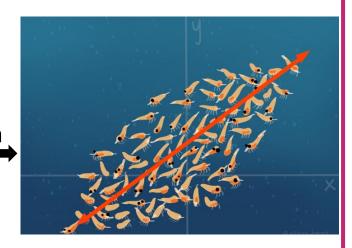


Jeux de données à 2D





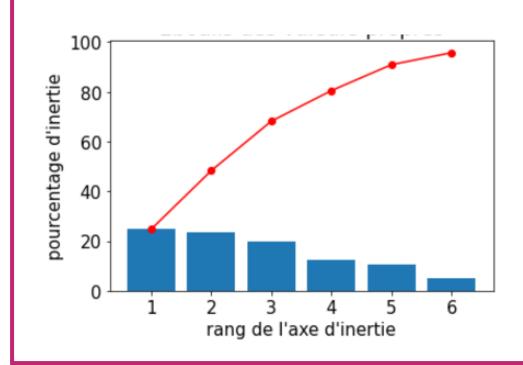
Projection des données sur un espace 1D la construction de la 1^{ére} composante principale

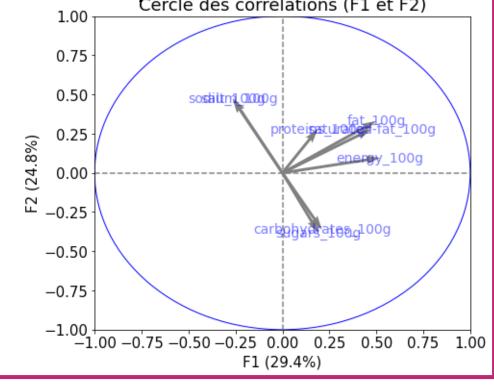


Objectif: réduire la dimension du jeux de données avec un minimum de pertes d'information possible (= variance maximum)

ACP: corrélations entre les variables et réduction de dimension

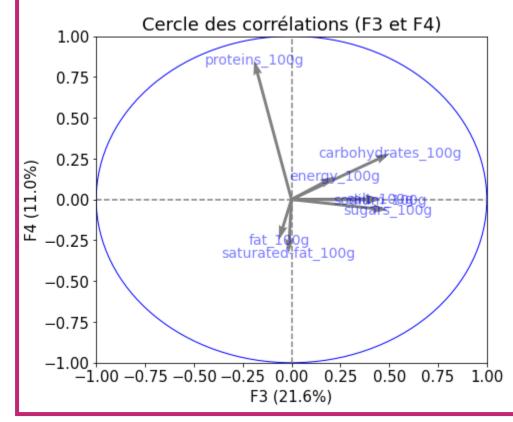
 Projections des 7 données sur 3 plans factoriels avec 6 composantes principales (variance cumulée proche de 100 %) Cercle des corrélations (F1 et F2)

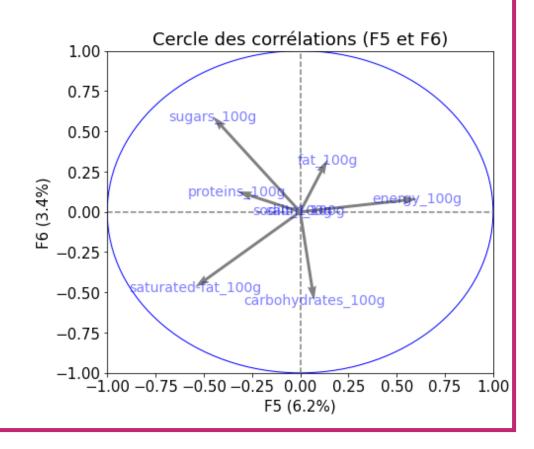




ACP: corrélations entre les variables et réduction de dimension







ACP: corrélations entre les variables et réduction de dimension

- Certaines variables présentent une bonne corrélation avec les composantes principales possibilités de réduire la dimension de nos variables
 - fat_100g, saturated-fat_100g et energie_100g sont bien corrélées positivement à F1, la 1ère composante principale.
 - sodium_100g et salt_100g sont bien corrélées positivement à F2, la 2^{eme} composante principale
 - carbohydrates_100g et sugars_100g sont bien corrélées négativement à F2 et positivement à F3.
 - proteins_100g est bien corrélées positivement à F4, la 4^{eme} composante principale
- Ces 4 composantes présentent à 80% d'inertie et sont corrélées à nos variables

Synthèse et conclusion

- La corrélation entre les variables avec le nutriscore nous permet d'étudier un modèle de prédiction de ce dernier à travers une application.
- Possibilité également de réduire la dimension de notre modèle.
- Plusieurs possibilités de modèles de machine learning s'offre à nous pour faire notre application (Régression linéaire, Kneighbors Classifer, Arbre de décision etc.)
- Il faudra choisir le mieux adapté, le paramétrer pendant la phase d'apprentissage. Il faudra ensuite étudier la fonction coût qui calcul nos erreurs. Les bons paramètres seront ceux pour lesquels, on a moins d'erreurs