# Formulacija Modela Evolucije Podvrsta Gujavica

#### Uvod

Ovaj dokument detaljno opisuje formulaciju modela evolucije podvrsta gujavica temeljenog na stohastičkom modelu iz članka "On a model of evolution of subspecies." Prilagodba uključuje biološke aspekte gujavica, uključujući faze razvoja, fitness funkciju i specifične stope reprodukcije, mutacija i smrti.

#### 1. Definicija modela

Model koristi diskretne vremenske korake gdje se događaji rođenja, mutacija i smrti događaju s određenim vjerojatnostima. Fitness parametar (f) predstavlja sposobnost preživljavanja i reprodukcije jedinke, pri čemu su gujavice podijeljene u tri razvojne faze:

- **Faza 1**: Jaja (*E*)
- Faza 2: Mlade jedinke (J)
- Faza 3: Odrasle jedinke (A)

Svaka faza ima specifične stope prijelaza i preživljavanja.

# 2. Formalizacija prijelaza

Neka n označava trenutni vremenski korak. Broj jedinki u svakoj fazi označavamo kao: -  $E_n$ : broj jaja -  $J_n$ : broj mladih jedinki -  $A_n$ : broj odraslih jedinki

Stohastički proces definiran je slijedećim pravilima:

#### a) Rođenje

• Pri svakom koraku n, broj novih jaja  $B_n$  generira se prema reprodukcijskoj stopi odraslih jedinki:

$$B_n \sim \text{Poisson}(\lambda A_n),$$

gdje je  $\lambda$  prosječna stopa polaganja jaja po odrasloj jedinki.

### b) Mutacija

• Svako jaje može mutirati s vjerojatnošću r, dajući novu fitness vrijednost iz intervala [0,1]. Ako nema mutacije, fitness je naslijeđen:

$$f_{\rm novi} = \begin{cases} U[0,1], & \text{s vjerojatnošću } r, \\ f_{\rm roditelj}, & \text{inače.} \end{cases}$$

# c) Preživljavanje i prijelaz između faza

- Stope preživljavanja ovise o fitnessu:
  - Jaja preživljavaju do mladih jedinki s vjerojatnošću  $s_E(f)$ .
  - Mlade jedinke prelaze u odrasle s vjerojatnošću  $s_J(f)$ .
  - Odrasle jedinke preživljavaju s vjerojatnošću  $s_A(f)$ .

Prijelazne jednadžbe su:

$$E_{n+1} = B_n,$$
 
$$J_{n+1} = \sum_{i=1}^{E_n} \text{Bernoulli}(s_E(f_i)),$$
 
$$A_{n+1} = \sum_{j=1}^{J_n} \text{Bernoulli}(s_J(f_j)) + \sum_{k=1}^{A_n} \text{Bernoulli}(s_A(f_k)).$$

#### d) Smrt

• Jedinke s najmanjim fitnessom imaju veću vjerojatnost smrtnosti. Smrt odraslih jedinki modelirana je stohastičkom funkcijom:

$$P(\operatorname{smrt}|f) \propto \frac{1}{f+\epsilon},$$

gdje je  $\epsilon$  mali pozitivni parametar koji sprječava dijeljenje s nulom.

#### 3. Simulacija u R-u

Sljedeći kod implementira opisani model:

```
# Inicijalizacija parametara
set.seed(42)
t_steps <- 100 # Broj vremenskih koraka
s_E <- function(f) 0.8 * f # Stopa preživljavanja jaja
s_J \leftarrow function(f) \ 0.6 * f # Stopa prijelaza mladih

s_A \leftarrow function(f) \ 0.9 * f # Stopa preživljavanja odraslih
epsilon <- 0.01 # Parametar za smrtnost
# Inicijalizacija populacije
E <- J <- A <- vector("list", t_steps)</pre>
E[[1]] <- runif(50, 0.2, 0.8) # Početna jaja
J[[1]] <- numeric()
A[[1]] <- runif(10, 0.5, 1) # Početne odrasle jedinke
# Simulacija
for (t in 1:(t_steps - 1)) {
  # Rođenje
  B <- rpois(1, lambda * length(A[[t]]))</pre>
  new_eggs <- runif(B, 0, 1) # Fitness novih jaja</pre>
  # Mutacija
  mut <- runif(B) < r</pre>
  new_eggs[mut] <- runif(sum(mut), 0, 1)</pre>
  # Preživljavanje jaja
  survived_eggs <- new_eggs[runif(length(new_eggs)) < s_E(new_eggs)]</pre>
  # Preživljavanje mladih
  survived_juveniles <- J[[t]][runif(length(J[[t]])) < s_J(J[[t]])]</pre>
```

```
# Preživljavanje odraslih
  survived_adults <- A[[t]][runif(length(A[[t]])) < s_A(A[[t]])]</pre>
  # Ažuriranje populacije
  E[[t + 1]] <- survived_eggs</pre>
  J[[t + 1]] <- survived_juveniles</pre>
  A[[t + 1]] <- c(survived_adults, survived_juveniles[runif(length(survived_juveniles)) < 0.5])
# Vizualizacija rezultata
library(ggplot2)
pop_sizes <- data.frame(</pre>
  Time = rep(1:t_steps, each = 3),
  Stage = rep(c("Eggs", "Juveniles", "Adults"), times = t_steps),
  Count = c(sapply(E, length), sapply(J, length), sapply(A, length))
)
ggplot(pop_sizes, aes(x = Time, y = Count, color = Stage)) +
  geom_line(size = 1) +
  labs(title = "Populacijska dinamika gujavica", x = "Vrijeme", y = "Broj jedinki") +
 theme minimal()
```

# Zaključak

Ova formalizacija i simulacija omogućuju analizu dinamike evolucije podvrsta gujavica. Model se može proširiti uključivanjem specifičnih okolišnih faktora i međusobne interakcije jedinki.