Proyecto 1: Técnicas Clasificación

1st Bryan Campos Castro Alajuela, Costa Rica bryancampos20@gmail.com 2nd Miguel David Sánchez Sánchez Heredia, Costa Rica miguelsanchez712000@gmail.com

Abstract—Este proyecto tiene como objetivo aplicar técnicas de clasificación binaria utilizando dos algoritmos populares de Machine Learning: Regresión Logística y K-Nearest Neighbors (KNN). Se utilizan dos conjuntos de datos: el Pima Indians Diabetes Database, que busca predecir si un paciente tiene diabetes basándose en características como niveles de glucosa y presión arterial, y un segundo dataset quirúrgico que clasifica la aparición de complicaciones postoperatorias en pacientes. Ambos datasets fueron explorados y preprocesados, y la división de los datos en conjuntos de entrenamiento (70%), validación (15%) y prueba (15%).

Los modelos fueron entrenados y evaluados en ambos conjuntos de datos, ajustando sus hiperparámetros para optimizar el rendimiento. Se realizaron evaluaciones utilizando métricas como accuracy, precision, recall, y la matriz de confusión para comparar el desempeño de los modelos. Los resultados obtenidos muestran que tanto la Regresión Logística como KNN son eficaces para la clasificación binaria, aunque el rendimiento varía entre los datasets y dependiendo del ajuste de hiperparámetros. Finalmente, se realiza una comparación detallada entre los modelos para analizar su efectividad en problemas médicos de clasificación binaria.

I. Introducción

En el campo de la inteligencia artificial, las técnicas de clasificación binaria se han vuelto fundamentales para resolver problemas en diversas áreas, especialmente en la medicina, donde se busca predecir el estado de salud de los pacientes a partir de características observadas [1]. Este proyecto se enfoca en aplicar algoritmos de Machine Learning para la clasificación binaria, con el objetivo de predecir la presencia de condiciones médicas específicas en los pacientes.

Se han seleccionado dos conjuntos de datos representativos para abordar este problema: el Pima Indians Diabetes Database [2] y un segundo dataset quirúrgico que clasifica la aparición de complicaciones postoperatorias en pacientes. Ambos conjuntos de datos permiten realizar análisis predictivos basados en una serie de variables que incluyen aspectos clínicos y demográficos de los pacientes.

Para este proyecto, se utilizarán dos algoritmos de clasificación ampliamente conocidos: Regresión Logística y K-Nearest Neighbors (KNN) [3]. La Regresión Logística es un modelo lineal que estima la probabilidad de ocurrencia de un evento binario, mientras que KNN es un algoritmo basado en instancias que clasifica nuevos ejemplos en función de las distancias a los puntos de datos más cercanos. Ambos algoritmos se ajustarán y evaluarán en los dos conjuntos de datos seleccionados.

II. DATASET SURGICAL BINARY CLASSIFICATION

El Surgical Binary Classification Dataset es una excelente opción para compararlo con el Pima Indians Diabetes Database por las siguientes razones:

A. Contexto Médico y de Salud

Ambos datasets se centran en temas médicos, lo que permite comparar dos áreas críticas de la salud: complicaciones quirúrgicas y diabetes. El *Pima Indians Diabetes Database* se enfoca en los factores de riesgo para desarrollar diabetes, mientras que el *Surgical Binary Classification Dataset* aborda la aparición de complicaciones postquirúrgicas. Esta similitud en el contexto médico facilita la aplicación de modelos de clasificación binaria en ambos casos.

B. Clasificación Binaria

En ambos datasets, el objetivo principal es resolver problemas de clasificación binaria. En el caso del *Pima Indians Diabetes Database*, la variable objetivo es *Outcome*, que indica si un paciente tiene o no diabetes (0 o 1). Por otro lado, en el *Surgical Binary Classification Dataset*, se elige la columna *complication* como la variable objetivo, que también tiene dos clases: presencia (1) o ausencia (0) de complicaciones postquirúrgicas. Esta coherencia en el formato de las variables objetivo hace que ambos datasets sean comparables en términos de aplicación de los mismos algoritmos de clasificación binaria, como *Regresión Logística* y *KNN*.

C. Importancia Clínica

Ambos problemas tienen un alto impacto en la salud pública y en la medicina preventiva. El *Pima Indians Diabetes Database* permite prever la probabilidad de que una persona desarrolle diabetes, una enfermedad crónica de gran relevancia a nivel mundial. Del mismo modo, el *Surgical Binary Classification Dataset* se centra en la predicción de complicaciones postquirúrgicas, que son críticas para mejorar los resultados de los pacientes y reducir el costo y la duración de las hospitalizaciones. Comparar estos dos datasets permite estudiar cómo los modelos de clasificación pueden apoyar la toma de decisiones médicas en distintos escenarios.

D. Caracterización de los Pacientes

Tanto en el dataset quirúrgico como en el de diabetes, los pacientes se caracterizan por una serie de factores de riesgo o condiciones previas que influyen en el resultado final (complicaciones o desarrollo de diabetes). Esta similitud en la estructura del dataset permite aplicar técnicas de exploración de datos y modelos predictivos de manera coherente en ambos casos, proporcionando una comparación sólida entre los factores de riesgo en diferentes contextos médicos.

E. Aplicación de Modelos Predictivos

Ambos datasets permiten la aplicación de los mismos modelos de clasificación, como *K-Nearest Neighbors* y *Regresión Logística*. Estos modelos son adecuados para resolver problemas binarios y analizar cómo diferentes factores contribuyen al desarrollo de complicaciones o enfermedades. Al aplicar los mismos modelos, se puede comparar cómo las características del paciente influyen en los resultados en cada contexto (diabetes vs. complicaciones quirúrgicas), lo que permite generar un análisis robusto.

III. PIPELINE

El algoritmo fue programado en *Python* y se utilizaron las librerías de *Pandas* para la manipulación de datos, *Matplotlib* y *Seaborn* para la visualización de los resultados, y *Scikit-learn* para el uso de algoritmos de clasificación como *Regresión Logística* y *K-Nearest Neighbors (KNN)*.

El proceso comienza con la carga y preprocesamiento de los datos de dos conjuntos de datos médicos: *Pima Indians Diabetes Database* y *Surgical Binary Classification Dataset*. En ambos casos, la variable objetivo es binaria, lo que permite realizar una clasificación.

IV. CARGA Y LIMPIEZA DE DATOS

Se utilizan las funciones de *Pandas* para cargar los datos y manejar valores nulos o inconsistencias en los conjuntos de datos.

[5 row	s x 25 column	is]					
	Pregnancies	Glucose	BloodPressure	SkinThick	ness	Insulin	1
count	768.000000	768.000000	768.000000	768.00	0000	768.000000	
mean	3.845052	120.894531	69.105469	20.53	6458	79.799479	
std	3.369578	31.972618	19.355807	15.95	2218	115.244002	
min	0.000000	0.000000	0.000000	0.00	0000	0.000000	
25%	1.000000	99.000000	62.000000	0.00	0000	0.000000	
50%	3.000000	117.000000	72.000000	23.00	0000	30.500000	
75%	6.000000	140.250000	80.000000	32.00	0000	127.250000	
max	17.000000	199.000000	122.000000	99.00	0000	846.000000	
	BMI	DiabetesPedi	greeFunction	Age	0	utcome	
count	768.000000		768.000000	768.000000	768.	000000	
mean	31.992578		0.471876	33.240885	0.	348958	
std	7.884160		0.331329	11.760232	0.	476951	
min	0.000000		0.078000	21.000000	0.	000000	
25%	27.300000		0.243750	24.000000	0.	000000	
50%	32.000000		0.372500	29.000000	0.	000000	
75%	36.600000		0.626250	41.000000	1.	000000	
max	67.100000		2.420000	81.000000	1.	000000	

Fig. 1. Resumen datos diabetes

	s x 25 columns		n1 In	al : 1			
2	Pregnancies	Glucose	BloodPressure			sulin \	
count		768.000000	768.000000				
mean		120.894531	69.105469			99479	
std	3.369578	31.972618	19.35580	7 15.95	2218 115.2	44002	
min	0.000000	0.000000	0.00000	0.00	0000 0.0	00000	
25%	1.000000	99.000000	62.000000	0.00	0000 0.0	00000	
50%	3.000000	117.000000	72.000000	23.00	0000 30.5	00000	
75%	6.000000	140.250000	80.000000	32.00	0000 127.2	50000	
max		199.000000	122.000000				
	BMI D	iabetesPedio	reeFunction	Age	Outcome		
count	768.000000		768.000000	768.000000	768.000000		
mean	31.992578		0.471876	33.240885	0.348958		
std	7.884160		0.331329	11.760232	0.476951		
min	0.000000		0.078000	21.000000	0.000000		
25%	27.300000						
			0.243750	24.000000	0.000000		
50%	32.000000		0.372500	29.000000	0.000000		
75%	36.600000		0.626250	41.000000	1.000000		
max	67.100000		2.420000	81.000000	1.000000		
	2 989			A 10 100 1			
	bmi	Ag			e_cancer \		
count	14635.000000	14635.00000	00 14635.0000	900 1463	5.000000		
mean	31.295642	63.20526	0.632	320	0.262316		
std	8.152709	18.08819	0.5399	952	0.439909		
min	2.150000	6.10000	0.000	900	0.000000		
25%	26.510000	51.50000	0.000	900	0.000000		
50%	28.980000	59.70000	1.0000	900	0.000000		
75%	35.295000	74.70006			1.000000		
max	92.590000	90.00000			1.000000		
1107	32.330000	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,			1100000		
	baseline char	leon baseli	ine_cvd base	line dementi	a baseline	diabetes	
count	14635.00		.000000	14635.00000		35.000000	
mean std	0.97 1.75		.620294	0.00485		0.120875	
			.485330	0.06948		0.325993	
min	0.00		.000000	0.00000		0.000000	
			.000000	0.00000	0	0.000000	
	0.00						
50%	0.00	0000 1.	.000000	0.00000		0.000000	
50%	0.00	0000 1. 0000 1.		0.00000	0	0.000000	
50% 75%	0.00	0000 1. 0000 1.	.000000	0.00000	0		
50% 75% max	0.00	0000 1. 0000 1.	. 000000 . 000000	0.00000	0	0.000000	
75% max	0.00 2.00 13.00	0000 1. 0000 1. 0000 1.	.000000 .000000	0.00000 0.00000 1.00000	0	0.000000	
50% 75% max	0.00	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel	. 000000 . 000000	0.00000 0.00000 1.00000	0	0.000000	
50% 75% max	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel	.000000 .000000 .000000 Line_osteoart	0.00000 0.00000 1.00000 compl	0 0 ication_rsi	0.000000	
50% 75% max count	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546	.000000 .000000 .000000 line_osteoart 14635.000000 0.342740	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1	0 0 ication_rsi 4635.000000 -0.699044	0.000000	
50% 75% max count mean std	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955	.000000 .000000 .000000 line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642	0.00000 0.00000 1.00000 compl	0 ication_rsi 4635.00000 -0.699044 1.339394	0.000000	
50% 75% max count mean std min	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000	.000000 .000000 .000000 line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25%	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000	.000000 .000000 .000000 line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25% 50%	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000	.000000 .000000 .000000 Line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000 0.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75%	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000	.000000 .000000 .000000 line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000 0.000000 0.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	0 0 ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000 -0.580000 0.0000000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000	.000000 .000000 .000000 Line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000 0.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 00000	.000000 .000000 .000000 .000000 Line_osteoart 14635.000000 0.342740 0.474642 0.000000 0.000000 0.000000 1.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl	0 0 0 1cation_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000 -0.580000 0.000000 12.560000	0.000000	
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 1.0 dow	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 00000	.000000 .000000 .000000 Line_osteoart 14635.00000 0.342740 0.474642 0.000000 0.000000 0.000000 1.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1	0 0 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	0.000000 1.000000 \	1
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 1.0	0000 1. 0000 1. stive basel 00000 919556 00000 00000 00000 00000 00000 14635.00000	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .0342740 0.474642 0.000000 0.000000 1.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1	0 0 1 cation_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -0.580000 0.000000 12.560000 month m00000 1463.	0.000000 1.000000 \	1
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max count	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 1.0 dow	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 00000	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .0342740 0.474642 0.000000 0.000000 1.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1	0 0 1 cation_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -0.580000 0.000000 12.560000 month m00000 1463.	0.000000 1.000000 \	1
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max count mean	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 1.0	0000 1. 0000 1. stive basel 00000 919556 00000 00000 00000 00000 00000 14635.00000	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .0342740 .0474642 .000000 .000000 1.000000 1.000000 1.4635.0000 10.1711	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1	00 ication_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -0.970000 -0.580000 0.0000001 12.5600000 month mi	0.000000 1.000000 \	1
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max count mean std	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.0 0.0 0.0 1.0 dow 14635.000000 1.666970	0000 1. 0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 00000 00000 00000 0000	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1 	0 0 1 cation_rsi 4635.000000 -0.699044 1.339394 -4.720000 -1.970000 -0.580000 12.560000 month m000000 1463.15408 39825	0.000000 1.000000 \ conphase 5.000000 1.187086	\
50% 75% max count mean std min 25% 50% 75% max count mean std min	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 1.0 dow 14635.000000 1.606970 1.497738	0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 gende 14635.00000 0.54885 0.49762	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .1000000 .0.42740 .0.000000 .0.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1 	0 0 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	0.000000 1.000000 \ conphase 5.00000 1.187086 1.158357	\
50% 75% max count mean std min 25% max count mean std min 25%	0.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.3 0.0 0.0 0.0 0.0 1.0 0.0 14635.000000 1.606970 1.497738 0.0000000	0000 1. 0000 1. stive basel 00000 919556 00000 00000 00000 00000 00000 00000 0.54885 0.49762 0.00006	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .0.342740 .0.474642 .0.000000 .0.000000 .1.00000 .1.00000 .1.00000 .1.00000 .1.00000 .1.00000 .1.00000 .1.	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1 	0 0 1 cation_rsi 4635.000000	0.000000 1.000000 \ conphase 5.000000 1.187086 1.158357 0.000000	\
7 25% 3 50% 75% 1 max 1 mean 5 50% 75% 2 max 1 mean 5 50% 2 75% 2 max 1 mean 5 50% 2 75% 3 50% 2 75% 2 75% 3 50% 2 75% 2	0.00 2.00 2.00 13.00 baseline_dige 14635.0 0.1 0.0 0.0 0.0 1.0 dow 14635.000000 1.606970 1.497738 0.0000000 0.0000000	0000 1. 0000 1. stive basel 00000 89546 91955 00000 00000 00000 14635.00000 0.54885 0.49762 0.00006	.000000 .000000 .000000 .000000 .000000 .000000	0.00000 0.00000 1.00000 compl 1 	00000000000000000000000000000000000000	0.000000 1.000000 \ conphase 5.00000 1.187086 1.158357 0.000000	\

Fig. 2. Primeras filas del dataset quirúrgico

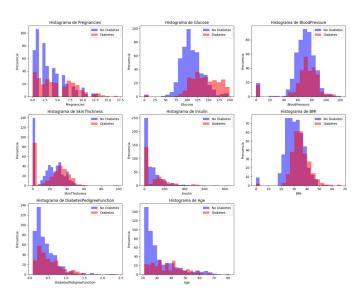


Fig. 3. Histogramas diabetes

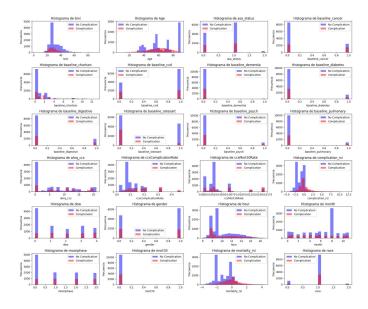


Fig. 4. Histograma surgical

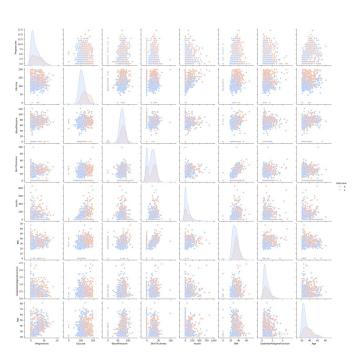


Fig. 5. Comparacion de datos dos dimenciones diabetes

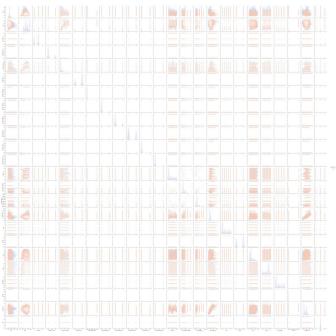


Fig. 6. Comparacion de datos dos dimenciones surgical

V. DIVISIÓN DE LOS DATOS

Se separan los datos en conjuntos de entrenamiento, validación y prueba en una proporción de 70% para entrenamiento, 15% para validación y 15% para prueba. En el dataset de diabetes, se utiliza la columna *Outcome*, mientras que en el dataset quirúrgico se utiliza *complication*.

Además, realizamos una reducción de datos en el Surgical Binary Classification Dataset basada en un análisis visual de los histogramas de dos dimensiones. Observamos que varias características compartían distribuciones muy similares, lo que indicaba redundancia en la información aportada. A criterio visual, decidimos eliminar las características cuya distribución era prácticamente indistinguible de otras, manteniendo aquellas con diferencias claras en su comportamiento. Esta reducción de características permitió simplificar el modelo y mejorar la eficiencia en el procesamiento de datos, sin comprometer la calidad de las predicciones.

La figura 6 muestra el histograma bidimensional de las características seleccionadas en el *Surgical Binary Classification Dataset*, donde se identificaron aquellas cuya distribución era indistinguible de otras. Este análisis visual fue clave para decidir qué características eliminar y cuáles mantener para mejorar la eficiencia del modelo.

VI. APLICACIÓN DE ALGORITMOS

A. Regresión Logística y KNN

Se ejecutan los algoritmos de *Regresión Logística* y *KNN* en ambos conjuntos de datos para diferentes combinaciones de características, evaluando cómo cambian las métricas de rendimiento con distintas configuraciones.

B. Evaluación de rendimiento

Para cada combinación, se calculan las métricas de Accuracy, Precision, Recall, F1-Score y se genera la Matriz de Confusión para evaluar la calidad de las predicciones.

- a) Por qué utilizamos el F1-Score: El F1-Score es una métrica fundamental en tareas de clasificación, especialmente cuando se trabaja con datasets desbalanceados o cuando la importancia de los falsos positivos y falsos negativos varía. En nuestro caso, el dataset quirúrgico puede presentar un desequilibrio en las clases, lo que haría que métricas como la precisión o el recall por separado no capturen adecuadamente el rendimiento del modelo. El F1-Score combina tanto la precisión como el recall en una única métrica, proporcionando un balance entre estos dos aspectos. De este modo, es particularmente útil cuando las clases no están balanceadas, ya que garantiza que tanto los positivos predichos correctamente como los falsos positivos y falsos negativos se consideren en la evaluación. Al centrarnos en el F1-Score, podemos seleccionar combinaciones de características que ofrezcan un rendimiento más equilibrado y robusto en nuestro modelo, haciendo que el sistema sea más confiable.
- 1) Resultados de la Regresión Lineal para el Dataset de Diabetes: Al comparar los resultados de regresión lineal y KNN en los datasets de Diabetes y Quirúrgico, se observa que KNN generalmente ofrece un mejor rendimiento en términos de precisión (Precision) y F1-Score, especialmente en el dataset quirúrgico, donde alcanza una Precision cercana al 93%. Por otro lado, la regresión lineal tiende a ser más consistente en el recall, mostrando valores más equilibrados entre Precision y Recall, aunque su F1-Score es menor en ambos datasets. En términos generales, KNN se destaca por capturar mejor la relación entre las variables en ambos casos, pero la regresión lineal ofrece un enfoque más balanceado entre la sensibilidad y la especificidad de las predicciones.
- a) Top 5 combinaciones de características ordenadas por F1-Score:
 - 1) **Combinación**: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPressure', 'BMI')

Accuracy: 0.7739 **Precision**: 0.6486 **Recall**: 0.6486 **F1-Score**: 0.6486

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 65 & 13 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

2) **Combinación**: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPressure', 'Insulin', 'BMI')

Accuracy: 0.7739 Precision: 0.6486 Recall: 0.6486 F1-Score: 0.6486

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 65 & 13 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

3) **Combinación**: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPressure', 'BMI', 'DiabetesPedigreeFunction')

Accuracy: 0.7739 **Precision**: 0.6486 **Recal**l: 0.6486 **F1-Score**: 0.6486

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 65 & 13 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

4) Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BMI', 'Dia-

betesPedigreeFunction')
Accuracy: 0.7826
Precision: 0.6765
Recall: 0.6216
F1-Score: 0.6479

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 67 & 11 \\ 14 & 23 \end{bmatrix}$$

5) Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'Insulin', 'PMI', 'Diphetes Padigras Function')

'BMI', 'DiabetesPedigreeFunction') **Accuracy**: 0.7826

Precision: 0.6765 Recall: 0.6216 F1-Score: 0.6479

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 67 & 11 \\ 14 & 23 \end{bmatrix}$$

Los resultados muestran que las características más relevantes para predecir diabetes son **Glucose**, **BMI**, y **Pregnancies**, presentes en todas las combinaciones de mayor F1-Score. Otros factores como **BloodPressure**, **Insulin**, y **DiabetesPedigreeFunction** también contribuyen, pero en menor medida. En conjunto, estos atributos permiten un buen balance entre precisión y sensibilidad en el modelo de regresión lineal.

- 2) Resultados de la Regresión Lineal para el Dataset Quirúrgico:
- a) Top 5 combinaciones de características quirúrgicas ordenadas por F1-Score:

'complication_rsi', 'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8024 **Precision**: 0.6920 **Recal**l: 0.3537 **F1-Score**: 0.4681

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1571 & 85 \\ 349 & 191 \end{bmatrix}$$

2) Combinación:

('bmi', 'Age',

'ccsComplicationRate',

'ccsMort30Rate', 'complication_rsi',
'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8024

Precision: 0.6920 **Recall**: 0.3537 **F1-Score**: 0.4681

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1571 & 85 \\ 349 & 191 \end{bmatrix}$$

3) Combinación:

('bmi', 'Age',

'ccsComplicationRate',
'complication_rsi', 'hour',
'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8024 **Precision**: 0.6920 **Recall**: 0.3537 **F1-Score**: 0.4681

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1571 & 85 \\ 349 & 191 \end{bmatrix}$$

4) Combinación:

'ccsComplicationRate',

'ccsMort30Rate', 'complication_rsi',

'hour', 'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8024 **Precision**: 0.6920 **Recall**: 0.3537 **F1-Score**: 0.4681

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1571 & 85 \\ 349 & 191 \end{bmatrix}$$

5) Combinación:

'baseline_charlson',
'ccsComplicationRate',

'complication_rsi', 'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8010 **Precision**: 0.6833 **Recall**: 0.3556 **F1-Score**: 0.4677

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1567 & 89 \\ 348 & 192 \end{bmatrix}$$

Los resultados indican que las características más relevantes para predecir complicaciones quirúrgicas son **bmi**, **Age**, y **ccsComplicationRate**, presentes en todas las combinaciones con mejor F1-Score. Factores como **complication_rsi** y **mortality_rsi** también contribuyen significativamente, mientras que otros como **ccsMort30Rate** y **baseline_charlson** tienen una influencia menor. Estas características permiten capturar la complejidad de los resultados quirúrgicos, con un balance entre precisión y sensibilidad moderado.

- 3) Resultados del KNN para el Dataset de Diabetes:
- a) Top 5 combinaciones de características de KNN Diabetes ordenadas por F1-Score:
 - 1) **Combinación**: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BMI') **Accuracy**: 0.7652

Precision: 0.6316 **Recall**: 0.6486 **F1-Score**: 0.64

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 64 & 14 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

2) Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BMI', 'Dia-

betesPedigreeFunction')
Accuracy: 0.7652
Precision: 0.6316
Recall: 0.6486
F1-Score: 0.64

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 64 & 14 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

3) Combinación: ('Glucose', 'SkinThickness', 'Diabetes-

PedigreeFunction') Accuracy: 0.7739 Precision: 0.6571 Recall: 0.6216 F1-Score: 0.6389

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 66 & 12 \\ 14 & 23 \end{bmatrix}$$

4) Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BMI', 'Dia-

betesPedigreeFunction', 'Age')

Accuracy: 0.7478 **Precision**: 0.5952 **Recall**: 0.6757 **F1-Score**: 0.6329

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 61 & 17 \\ 12 & 25 \end{bmatrix}$$

5) Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPres-

sure', 'BMI', 'Age') Accuracy: 0.7565 Precision: 0.6154 Recall: 0.6486 F1-Score: 0.6316

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 63 & 15 \\ 13 & 24 \end{bmatrix}$$

Los resultados muestran que las características más importantes para el modelo KNN en la predicción de diabetes son **Pregnancies**, **Glucose**, y **BMI**, que aparecen en todas las combinaciones de mayor F1-Score. Factores adicionales como **DiabetesPedigreeFunction** y **Age** también mejoran el rendimiento del modelo, mientras que **BloodPressure** y **SkinThickness** tienen una menor influencia. En conjunto, estas características permiten capturar un buen equilibrio entre precisión y sensibilidad en el modelo KNN.

4) Resultados del KNN para el Dataset Quirúrgico:

a) Top 5 combinaciones de características de KNN Quirúrgico ordenadas por F1-Score:

1) Combinación:

('bmi', 'Age',

'baseline_diabetes', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.8975 Precision: 0.9301 Recall: 0.6349 **F1-Score**: 0.7546

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1624 & 26 \\ 199 & 346 \end{bmatrix}$$

2) Combinación:

('bmi', 'Age', 'baseline_diabetes', 'ccsMort30Rate', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.8975 Precision: 0.9301 **Recall**: 0.6349 **F1-Score**: 0.7546

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1624 & 26 \\ 199 & 346 \end{bmatrix}$$

3) Combinación:

('bmi', 'Age',

'baseline_diabetes', 'ccsComplicationRate', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.8970 Precision: 0.9299 **Recall**: 0.6330 **F1-Score**: 0.7533

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1624 & 26 \\ 200 & 345 \end{bmatrix}$$

4) Combinación:

('bmi', 'Age',

'baseline_diabetes', 'ccsComplicationRate',

'ccsMort30Rate', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.8970 Precision: 0.9299 **Recall**: 0.6330 **F1-Score**: 0.7533

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1624 & 26 \\ 200 & 345 \end{bmatrix}$$

5) Combinación:

('bmi', 'Age',

'ccsComplicationRate', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.8966 Precision: 0.9297 **Recall**: 0.6312 **F1-Score**: 0.7519

Matriz de Confusión en Validación:

$$\begin{bmatrix} 1624 & 26 \\ 201 & 344 \end{bmatrix}$$

Los resultados indican que las características más relevantes para predecir complicaciones quirúrgicas utilizando KNN son bmi, Age, y baseline_diabetes, que aparecen en todas las combinaciones con mayor F1-Score. Además, factores como complication_rsi, ccsComplicationRate, y ccsMort30Rate también tienen un impacto considerable en el rendimiento del modelo. Estas características permiten un buen balance entre precisión y sensibilidad en la predicción de complicaciones quirúrgicas.

VII. COMPARACIÓN CON LOS DATOS DE TESTING

a) Evaluación en el conjunto de Test para Regresión Lineal en Diabetes: Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPressure', 'BMI')

Accuracy: 0.7414 **Precision**: 0.6667 **Recall**: 0.6047 **F1-Score**: 0.6341

Matriz de Confusión en Test:

$$\begin{bmatrix} 60 & 13 \\ 17 & 26 \end{bmatrix}$$

b) Evaluación en el conjunto de Test para Regresión Lineal en Quirúrgico: Combinación: ('bmi', 'Age', 'ccsComplicationRate', 'complication_rsi', 'mortality_rsi')

Accuracy: 0.8024 Precision: 0.6920 **Recall**: 0.3537 **F1-Score**: 0.4681

Matriz de Confusión en Test:

$$\begin{bmatrix} 1571 & 85 \\ 349 & 191 \end{bmatrix}$$

c) Evaluación en el conjunto de Test para KNN en Diabetes: Combinación: ('Pregnancies', 'Glucose', 'BMI')

Accuracy: 0.6638 Precision: 0.5476 **Recall**: 0.5349 **F1-Score**: 0.5412

Matriz de Confusión en Test:

$$\begin{bmatrix} 54 & 19 \\ 20 & 23 \end{bmatrix}$$

d) Evaluación en el conjunto de Test para KNN Quirúrgico: Combinación: ('bmi', 'Age', 'baseline_diabetes', 'complication_rsi')

Accuracy: 0.9057 Precision: 0.9237 **Recall**: 0.6722 **F1-Score**: 0.7781

Matriz de Confusión en Test:

1626

VIII. Conclusión

Los resultados obtenidos muestran un rendimiento variable entre los distintos modelos y datasets. Para la regresión lineal en el dataset de Diabetes, la combinación de características que incluye 'Pregnancies', 'Glucose', 'BloodPressure', 'BMI' alcanzó una precisión de 66.67% y un F1-Score de 63.41%, lo que indica un balance aceptable entre precisión y recall, aunque con margen de mejora. Por otro lado, la regresión lineal en el dataset quirúrgico mostró una mayor precisión (69.20%) pero un F1-Score más bajo (46.81%) debido a un recall reducido, lo que sugiere que el modelo puede predecir correctamente una mayor proporción de resultados positivos, aunque a expensas de detectar una menor cantidad de verdaderos positivos.

En el caso de KNN, los resultados en el dataset de Diabetes fueron algo inferiores, con una precisión de 54.76% y un F1-Score de 54.12%. Sin embargo, KNN en el dataset quirúrgico mostró un desempeño notablemente mejor, con una precisión de 92.37% y un F1-Score de 77.81%, lo que sugiere que este modelo se ajusta mejor a este tipo de datos y ofrece un equilibrio adecuado entre la capacidad de predicción y la precisión en los resultados.

En resumen, el rendimiento de los modelos varía significativamente según el tipo de datos, y KNN parece ser más adecuado para el dataset quirúrgico, mientras que la regresión lineal ofrece un desempeño más consistente en el dataset de Diabetes.

IX. RÚBRICA

	Carlosta da datas da Bialantas	
	Conjunto de datos de Diabetes	
Criterios	Puntuación máxima	Puntuación obtenida
Análisis del conjunto de datos	5	
y features		
Análisis de regresión logística	15	
Análisis de KNN	15	
Comparación de modelos	10	
	Conjunto de datos seleccionado	
Criterios	Puntuación máxima	Puntuación obtenida
Análisis del conjunto de datos	5	
y features		
Análisis de regresión logística	15	
Análisis de KNN	15	
Comparación de modelos	10	
	Aspectos Generales	
Criterios	Puntuación máxima	Puntuación obtenida
Completitud de entregables	5	
Estructura de artículo	5	
científico		
	Aspectos Extra (SRE)	
Criterio	Puntuación máxima	Puntuación obtenida
Usar Gitflow como proceso de	5	
colaboración y utilizar tags de		
versionamiento (main		
branch). Deben participar los		
2 integrantes.		
Total	105	

Fig. 7.

REFERENCES

- Bishop, C. M. (2006). Pattern Recognition and Machine Learning. Springer.
- [2] Dua, D., & Graff, C. (2019). Pima Indians Diabetes Database. UCI Machine Learning Repository. Retrieved from https://archive.ics.uci.edu/ ml/datasets/pima+indians+diabetes

[3] Hastie, T., Tibshirani, R., Friedman, J. (2009). The Elements of Statistical Learning: Data Mining, Inference, and Prediction. Springer.