#### Gianluca Della Vedova

#### Elementi di Bioinformatica

#### Gianluca Della Vedova

Univ. Milano-Bicocca http://gianluca.dellavedova.org

17 ottobre 2018

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica

• Elementi di Bioinformatica

Ufficio U14-2041

https://gianluca.dellavedova.org

https://elearning.unimib.it/course/view.php?id=19214

• gianluca.dellavedova@unimib.it

https://github.com/bioinformatica-corso/ programmi-elementi-bioinformatica

https://github.com/bioinformatica-corso/lezioni

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica

2/1

### Notazione

simbolo: T[i]

• stringa:  $T[1]T[2] \cdots T[l]$ 

• sottostringa: T[i:j]

• **prefisso**: T[: j] = T[1: j]

• **suffisso**: T[i:] = T[i:|T|]

• concatenazione:  $T_1 \cdot T_2 = T_1 T_2$ 

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica

5/1

1/1

# Pattern Matching

Problema

**Input**: testo  $T = T[1] \cdots T[n]$ , pattern  $P = P[1] \cdots P[m]$ , alfabeto  $\Sigma$ 

**Goal**: trovare *tutte* le occorrenze di P in T

**Goal**: trovare tutti gli *i* tale che  $T[i] \cdots T[i+m-1] = P$ 

Algoritmo banale

Tempo: O(nm)

Lower bound **Tempo**: O(n + m)

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica

# Bit-parallel

### Algoritmi seminumerici

25

• 25 = 00011001

• 25 = 00011001 =FFFTTFFT

#### Operazioni bit-level

**Or**:  $x \lor y$ , **And**:  $x \land y$ , **Xor**:  $x \oplus y$ 

**Left Shift**:  $x \ll k$ , **Right Shift**:  $x \gg k$ ,

Tutte bitwise

• Tutte in hardware

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica

## Dömölki / Baeza-Yates, Gonnet

Matrice M

M(i, j) = 1 sse P[: i] = T[j - i + 1: j] $0 \le i \le m, 0 \le j \le n$ 

Occorrenza di P in T

 $M(m,\cdot)=1$ 

 $M(0,\cdot) = 1, M(\cdot,0) = 0$ 

M(i, j) = 1 sse M(i - 1, j - 1) = 1 AND P[i] = T[j]

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica 6/1

# Esempio

#### Esempio

T=abracadabra P=abr

10010101001 01000000100

 $00100000010 \leftarrow$ **occorrenze** 

## Matrice M

1 colonna = 1 numero

## Colonne

 $U[\sigma]$  = array di bit dove  $U[\sigma, i]$  = 1 sse P[i] =  $\sigma$ 

C[j] da C[j-1]

• Right shift di C[j-1]

• 1 in prima posizione

• AND con U[T[j]]

ω: word size

•  $C[j] = ((C[j-1] >> 1) \mid (1 << (\omega - 1))) \& U[T[j]];$ 

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica 8/1

## Note

- Tempo O(n) se  $m \le \omega$
- Tempo O(nm)
- No condizioni
- $\omega < m \le 2\omega$ ?

# Licenza d'uso

Quest'opera è soggetta alla licenza Creative Commons: Attribuzione-Condividi allo stesso modo 3.0. https://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/ Sei libero di riprodurre, distribuire, comunicare al pubblico, esporre in pubblico, rappresentare, eseguire, recitare e modificare quest'opera alle seguenti condizioni:

- Attribuzione Devi attribuire la paternità dell'opera nei modi indicati dall'autore o da chi ti ha dato l'opera in licenza e in modo tale da non suggerire che essi avallino te o il modo in cui tu usi l'opera.
- Condividi allo stesso modo Se alteri o trasformi quest'opera, o se la usi per crearne un'altra, puoi distribuire l'opera risultante solo con una licenza identica o equivalente a questa.

10/1

Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica 9/1 Gianluca Della Vedova Elementi di Bioinformatica