Выравнивание последователей

Беляков Дмитрий

December 29, 2021

1 Описание задачи

Задача: Найти и исследвать алгоритм кратчайшего выравнивания последовательностей а и b (Нахождения наменьшей по длине последовательности в которой а и b являются подпоследовательностями)

2 Описание решения

Используем следующий алгоритм(алгритм Ниддлмана-Вунша): Возьмем две последвательности: а длины n и b длины m

- Составим таблицу n+1 на m+1
- Первый столбец заполним числами начиная с 0 до -п
- Первую строку заполним числами начиная с 0 до -т
- С оставшимися клеткаи таблицами будем действовать следующим образом:

$$F(i,j) = \max egin{cases} egin{aligned} & \mathrm{F}(\mathrm{i-1,j-1}) + \mathrm{g}(\mathrm{i,j}), \ & \mathrm{F}(\mathrm{i-1,j}) - 1, \ & \mathrm{F}(\mathrm{i,j-1}) - 1. \end{aligned}$$
 где $g(i,j) = egin{cases} 1, & \mathrm{if} \ \mathrm{s1[i]} = \mathrm{s2[j]}, \ & -1 \ , & \mathrm{if} \ \mathrm{s1[i]}
eq \mathrm{s2[j]} \end{aligned}$

Затем выполним обратный обход для нахжения ответа

3 Описание данных

Рассмотрим несколько наборов данных:

3.1 1

Строки: аааааа
abbbbbbb ааасаааabbbbcbbb Результат: ааа-аааabbbb-bbb ааасаааabbbbcbbb

$3.2 \quad 2$

Строки: aaaaabb bbaaaaa Результат -aaaaabb bbaaaaa-

3.3 3

Строки aaabcbaaa bbaaaaccc Результат: aaabcb-aaa— —b-baaaaccc

3.4 4

Рассмотрим геномы человека (более 15 тысяч символов):

3.5 Первая строка

a agaggact c caagege cat ggeeget geege cegage cegggt cegtact t get tagge aact geaact geagege geeget gee agt gee caact cat te te at act get agage geeget ge

3.6 Втрая строка

3.7 Решение