

Glosario Básico de Linux

I Taller de Bioinformática - CIICAM

2019

Observação:

El inicio de la línea de comando del *shell* se indica com el carácter '\$'. Todos los comentarios después de la línea de comando se inicia por el caracter '#' y no forman parte del comando que se escribirá en la *shell*.

Listar todos los contenidos del directorio

\$ ls /home/nombre/*

Mostrar directorio actual

\$ pwd

Crear directorio

\$ mkdir /home/genoma

Ir de un directorio a otro

\$ cd /home/genoma # se vá para el directorio genoma

\$ cd .. # volver un directorio

Cree un nuevo archivo usando el editor de texto vim (podría ser gedit, vi, etc.)

\$ file archivo1

Descomprima archivos en formato .tar.gz ou .tgz

\$ tar -zxvf archivo.tar.gz

Descomprima archivos en formato .tar.bz2 ou .tar.bz

\$ tar -jxvf archivo.tar.bz

Descomprima archivos en formato .bz2 ou .bz

\$ bunzip2 archivo.tar.gz

Descomprima archivos en formato .zip

\$ unzip -zxvf archivo.zip

Crear un link simbólico (atajo)

\$ ln -s /camino/para/archivo/archivo.txt

Concatenar archivos y mostrar el contenido del archivo en la pantalla

\$ cat archivo1.txt archivo2.txt > archivo3.txt
#se unió a los dos primeros archivos y generó un nuevo llamado archivo3.txt

\$ cat archivo3.txt

mostra en pantalla el contenido del archivo 'archivo3.txt'

Mostra las primeras n lineas del archivo

\$ head -n archivo.txt

Mostra las ultimas n lineas del archivo

\$ tail -n archivo.txt

Cuenta el número de veces que el carácter en apóstrofes (") aparece en el archivo.

\$ grep -c '+' archivo.txt

averigüe cuántas veces aparece el carácter + en el archivo .txt