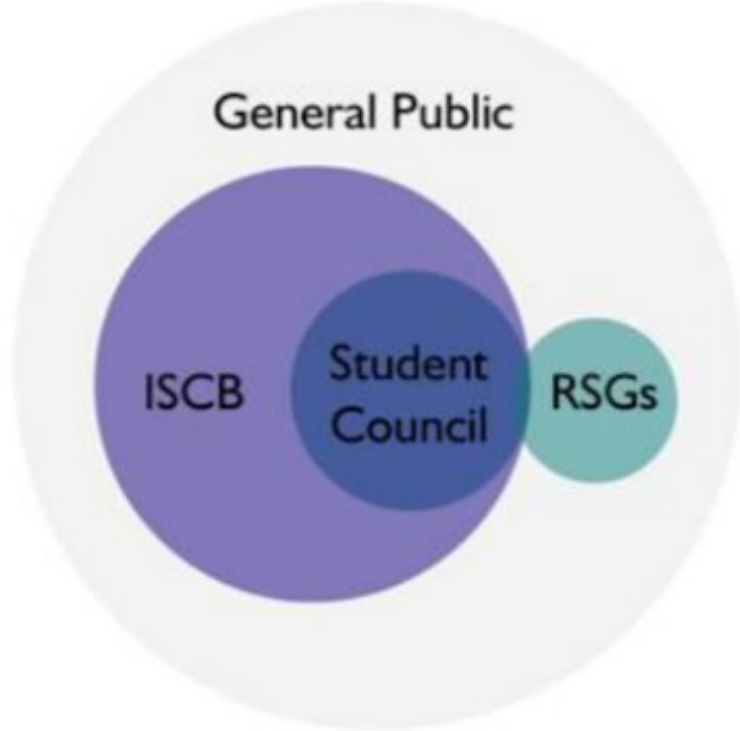


# Genómica Aplicada

## Febrero 2024

Docentes del RSG

¿Quiénes somos?



1997



2004



**RSG Argentina**

 2010

2012



## Spanish-speaking countries

Countries with established RSG

Countries without established RSG

1 Spain

11 Bolivia

2 Mexico

12 Paraguay

3 Argentina

13 Cuba

4 Chile

14 Dominican Republic

5 Colombia

15 Puerto Rico\*

6 Uruguay

16 Equatorial Guinea

7 Peru

17 Guatemala

8 Ecuador

18 El Salvador

9 Venezuela

19 Panama

10 Costa Rica

20 Nicaragua

21 Honduras

## Geographic location

North America

Europe

Central America

Caribbean

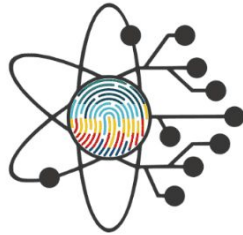
South America

Africa

## Year of foundation of Spanish-speaking RSGs



# La Bioinformática en países hispanohablantes



SEH²Bioinfo

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Argentina

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Spain

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Ecuador

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Peru

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Colombia

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Mexico

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Costa Rica

ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ CHILE

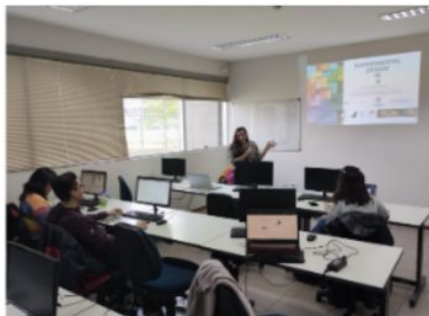
ISCB REGIONAL  
Student GROUP  
ZZZ Venezuela



I Simposio de Estudiantes Hispanohablantes de Bioinformática y Biología Computacional (SEH2Bioinfo)



# Nuestras actividades



## Experimental Design in R Workshop

JOIN NOW

### WHEN?

- October 30 | 8:00 – 12:00
- In-person
- Spanish

<http://2023.a2b2c.org.ar> ECU-UNR | Rosario, Argentina



## Combinatorial Assembly of Large Protein Complexes Workshop

JOIN NOW

### WHEN?

- October 30 | 13:00 – 17:00
- In-person
- Spanish

<http://2023.a2b2c.org.ar> ECU-UNR | Rosario, Argentina

## BIOINFO EN EL BAR

**CUANDO**  
VIERNES 9 DE JUNIO - 21:00

**DONDE**  
UPIBAR - URIARTE 1254 (PALERMO SOHO)

**QUIENES PUEDEN VENIR**  
CUALQUIER PERSONA QUE LE GUSTE LA BIOINFORMÁTICA Y TENGA GANAS DE COMPARTIR UN MOMENTO DE NETWORKING

Formulario de inscripción en la bio \$500

**HAY HAPPY HOUR!!!**

Por consultas:  
Escribinos por MD

@rsg\_arg  
@RSGArgentina

## MATEADA BIOINFO EN LA PLAZA

Los invitamos a un encuentro de bioinformáticos donde tomaremos mate y compartiremos una tarde de networking

**DOMINGO 14 DE MAYO**  
**Planetario - CABA**  
**15:00 h**

Por consultas:  
Escribinos por MD

@rsg\_arg  
@RSGArgentina

¡Se suspende por lluvia!



# Nuestros talleres

## Introducción a Chimera




En este taller aprenderemos las herramientas básicas para empezar a dominar Chimera, un software de gran utilidad en la biología estructural. También aprenderemos a visualizar proteínas, alineamientos y análisis de estructuras proteicas.

**DRA. JULIANA GLAVINA**

**Virtual - ZOOM**





## Introducción a Análisis Filogenéticos



En base a alineamientos múltiples de diferentes grupos de secuencias realizaremos análisis filogenéticos. Expondremos los criterios a tener en cuenta durante la selección de secuencias para dichos análisis. Discutiremos sus alcances y limitaciones.

**INV. DRA. LAURA KAMENETZKY**

**Presencial - UNSAM**



## Introducción a R para el Análisis de Datos Biológicos



En este workshop descubrirás las bases fundamentales del lenguaje de programación R y cómo aplicarlo al análisis de datos. Exploraremos los conceptos clave de R y su relevancia en la investigación biomédica, y pondremos en práctica tus conocimientos recién adquiridos a través del análisis de bases de datos de la vida real.

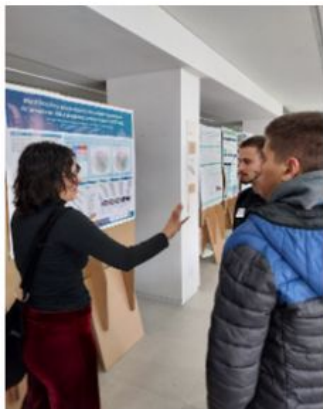
**LIC. MACARENA ROEL**

**Presencial - UNSAM**





# Congresos



# Agustín Baricalla

- Licenciado en Genética. UNNOBA.
- Magister en Bioinformática y biología de sistemas. UNNOBA-UNQ.
- Doctorando UNSL en IMIBIO-UNSL e iB3-UBA.
- Docente de grado y posgrado. UNNOBA, UNQ.
- CPA de CONICET en CeBio.

Determinación de la expresión génica mediante NGS-TGS de enzimas relacionadas al metabolismo energético en tejido intestinal de vertebrados.



Mail:

agus.3260@gmail.com



# Juan Bizzotto

- Lic. en Biotecnología
- Doctor de la Universidad de Buenos Aires en el área de Química Biológica.
- Investigador postdoctoral en el laboratorio de Inflamación y Cáncer. FCEN-UBA, IQUIBICEN-CONICET.

Usa herramientas de biología computacional y aprendizaje automático para encontrar biomarcadores de progresión en cáncer.



Mail:

[jbizzotto@qb.fcen.uba.ar](mailto:jbizzotto@qb.fcen.uba.ar)

# María Clara Campos

- Prof. y Licenciada en Biología de la UBA.
- Estudiante de doctorado en UBA con beca CONICET.
- Trabaja en IBYME en proyecto de genómica de especies autóctonas, actualmente estudia el genoma del yagareté.

Estudia la evolución molecular de proteínas reproductivas en panterinos. Con experiencia en análisis de selección positiva de secuencias codificantes y herramientas de evaluación de calidad de ensamblados de genoma.



Mail:

[clarahabas@gmail.com](mailto:clarahabas@gmail.com)

# Mercedes Didier Garnham

- Lic. en Biotecnología. UNAHUR.
- Estudiante de Doctorado con beca CONICET en el Laboratorio de Genómica y Bioinformática del IIB. EByN - UNSAM
- Docente - Área Bioinformática. UNSAM.

Trabaja en la exploración de módulos conservados entre levaduras y tripanosomas usando quimioinformática para el reposicionamiento de fármacos.



Mail:

[mdidiergarnham@iib.unsam.edu.ar](mailto:mdidiergarnham@iib.unsam.edu.ar)

# Nataya Flores



- Ingeniera de datos en Urbetrack
- Tec. Universitaria en Tecnologías de la Información. UNaM.
- Estudiante de Bioquímica y Farmacia. UNaM.
- Cofundadora de la Comunidad Misiones IT
- Embajadora del programa Google Women Tech Makers

Es Ingeniera de datos en Urbetrack y su interés es en el diseño de bases de datos y en el procesamiento de lenguaje natural.



Mail:

[natayafs@gmail.com](mailto:natayafs@gmail.com)



# Juan Orlowski



- Ingeniero en Agronomía. UBA.
- Técnico Profesional en Bioinformática del Instituto NANOBIOTEC del CONICET.
- Docente en Biotecnología. FFyB - UBA.

Trabaja en ecología microbiana del suelo, bioinformática, análisis de datos y aprendizaje automático.



Mail:

[juanorlowski@gmail.com](mailto:juanorlowski@gmail.com)

# Joaquín Merlo



- Lic. en Biotecnología (2016)
- Lic. en Bioinformática (2019)
- Estudiante de Doctorado UBA en el Laboratorio de Glicómica Funcional y Molecular. IBYME - CONICET.
- Profesor Asociado UADE.

Estudia de glico-biomarcadores de respuesta a inmunoterapias en cáncer.



Mail: [joacmerlo@gmail.com](mailto:joacmerlo@gmail.com)

# Carla Padilla Franzotti

- Licenciada en Biotecnología. UNT.
- Estudiante de con beca CONICET en el Grupo de Bioinformática Estructural. UNQ.
- Docente de Bioestadística. UNT.

Su investigación actual se enfoca en el estudio de la variabilidad secuencial y la diversidad conformacional en interacciones entre proteínas mediadas por motivos lineales.



Mail:

[carlastembio@gmail.com](mailto:carlastembio@gmail.com)

# Andrea Peñas Ballesteros

- Licenciada en Genética. UNNOBA.
- Estudiante de maestría en Bioinformática y Biología de Sistemas. UNNOBA-UNQ.
- Estudiante de Doctorado en Mejoramiento Genético - UNNOBA con una beca CONICET en INTA Pergamino.
- Docente de Genética Cuantitativa y de Estadística. UNNOBA.

Su trabajo se centra en el estudio de genes y vías metabólicas involucradas en la resistencia múltiple a enfermedades de la espiga de maíz.



Mail:

[andrepballesteros@gmail.com](mailto:andrepballesteros@gmail.com)



# Nuestras redes

Website: <https://rsgargentina.netlify.app/>

Facebook group: [RSG - Argentina](#)

Facebook page: [@RSGArgentina](#)

Twitter channel: [@RSGArgentina](#)

Instagram : [@rsg\\_arg](#)

Linkedin: [ISCB SC RSG Argentina](#)

Si quieres sumarte a colaborar con nuestras actividades escribinos a  
[rsg.argentina@gmail.com](mailto:rsg.argentina@gmail.com)