Metatranscriptomes M00844 M00844 Ch Vf 100 100 -75 75 -50 50 species_fmt 25 25 Cutibacterium_acnes Staphylococcus_capitis 0 Staphylococcus_epidermidis SMT014_Ch S. S SMT021_Ch SMT027_Ch SMT001_Vf SMT003_Vf SMT004_Vf SMT006_Vf SMT010_Vf SMT015_Vf SMT020_Vf SMT026_Vf SMT027_Vf SMT006_Ch SMT011_Ch SMT012_Ch SMT016_Ch SMT017_Ch SMT019_Ch SMT020_Ch SMT022_Ch SMT023_Ch SMT024_Ch SMT025_Ch SMT008_Vf SMT012_Vf SMT013_Vf SMT016_Vf SMT018 Vf SMT019_Vf SMT021_Vf Staphylococcus_hominis rel_abun_sum SMT013_(SMT026_ SMT010_ SMT018_ SMT015_ Staphylococcus_warneri Malassezia_furfur Malassezia_globosa community community Malassezia_obtusa Vf Ch Malassezia_restricta 100 100 Malassezia_sympodialis others 75 75 unclassified at species level 50 50 25 25 SMT013_Ch 5 SMT021_Ch SMT026_Ch SMT005_Ch SMT006_Ch SMT011_Ch SMT012_Ch SMT014_Ch SMT015_Ch SMT016_Ch SMT017_Ch SMT019_Ch SMT020_Ch SMT022_Ch SMT023_Ch SMT024_Ch SMT025_Ch SMT027_Ch SMT001_Vf SMT003_Vf SMT004_Vf SMT006_Vf SMT008_Vf SMT010_Vf SMT012_Vf SMT013_Vf SMT015_Vf SMT016_Vf SMT018 Vf SMT019_Vf SMT020_Vf SMT021_Vf SMT026_Vf SMT027_Vf SMT010_(SMT018_(