

Modelos de Poblaciones

Claudia Yetlanezi Meneses Ramírez - 154221

El modelo Ricker es un modelo de población discreto clásico que da el número esperado N_{t+1} (o densidad) de individuos en la generación $t + 1$ en función del número de individuos en la generación anterior.

$$N_{t+1} = N_t e^{r(1 - \frac{N_t}{K})}$$

Donde r se interpreta como una tasa de crecimiento intrínseca y K como la capacidad de carga del medio ambiente.

El modelo posee dos puntos de equilibrio: $N = 0$ y $N = 100$, cuya estabilidad depende del valor de r . En particular, para $N^* = 100$ se tiene:

(i) $r < 2$, hay equilibrio estable.

(ii) $r = 2$, hay una bifurcación en un 2-ciclo.

(iii) $r = 2.5$, hay una bifurcación en un 4-ciclo.

(iv) luego hay una serie de doblamiento en 8-ciclos, 16-ciclos, etc.

(v) $r = 2.692$, hay una caída al caos.

(vi) $r > 2.7$ hay algunas regiones en donde la dinámica vuelva a tener ciclos límites.

A continuación se ilustra el comportamiento dinámico descrito anteriormente. Suponiendo que $K = 100$.

```
: import numpy as np
from matplotlib import pyplot as plt
%matplotlib inline

: def model(n,t0,m0,dt,r,K):
    # n : número de iteraciones +1
    #t0 : tiempo inicial
    #m0 : población inicial
    #dt : cambio de tiempo
    #r : parámetro del modelo *parámetro que determina la bifurcación
    #K : Capacidad de carga

    rickter = np.zeros((n,2))
    rickter[0,0] = t0
    rickter[0,1] = m0
    for i in range(n-1):
        rickter[i+1,0] = rickter[i,0] + dt
        rickter[i+1,1] = rickter[i,1]*( np.exp( r*( 1- rickter[i,1]/K ) ) )

    plt.plot(rickter[:,0],rickter[:,1],"ko")
    plt.title("Crecimiento de Rickter")
    plt.xlabel("Tiempo")
    plt.ylabel("Población")
    plt.show()

    step = ( np.max(rickter[:,1]) - min(rickter[:,1]) ) / n

    for i in range(n-2):
        plt.plot(rickter[i,1],rickter[i+1,1],'ko')
        plt.plot(rickter[0,1] + (i+1)*step, rickter[0,1] + (i+1)*step,'b*')

    plt.title("Diagrama fase")
    plt.xlabel(" N(t) ")
    plt.ylabel(" N(t+1) ")
    plt.show()
```

```

: #Parámetros de prueba

#número de iteraciones +1
n= 90
#tiempo inicial
t0=0
#población inicial
m0=20
#cambio entre tiempos
dt = 0.05
#capacidad de carga
K = 100

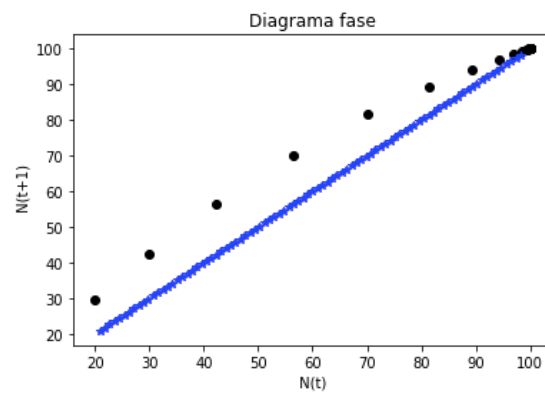
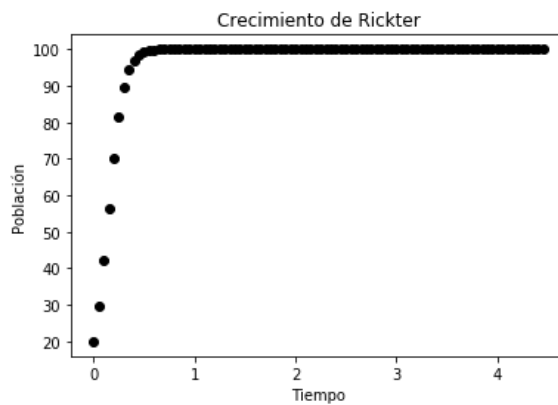
```

Para $r = 0.5$

```

: model(n,t0,m0,dt,0.5,K)

```

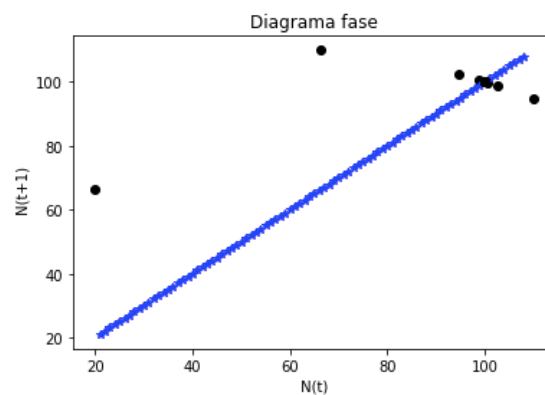
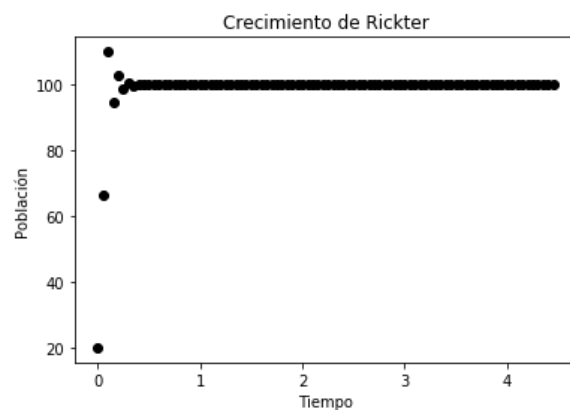


Para $r = 1.5$

```

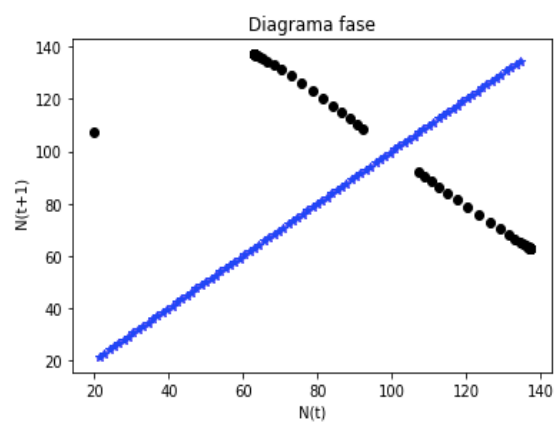
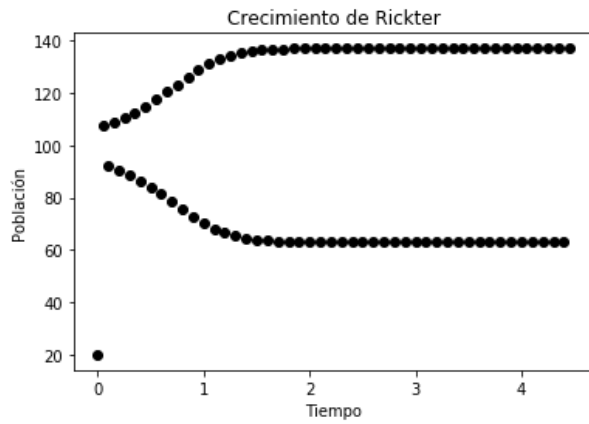
: model(n,t0,m0,dt,1.5,K)

```



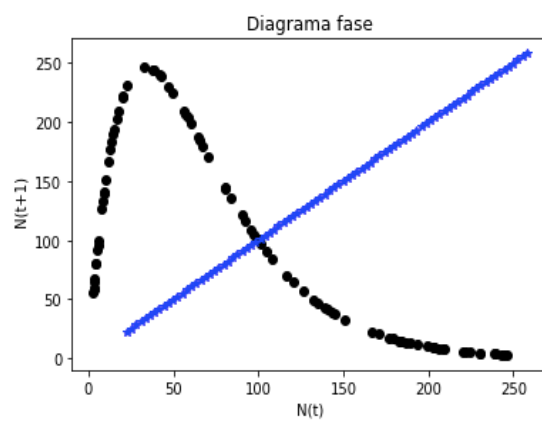
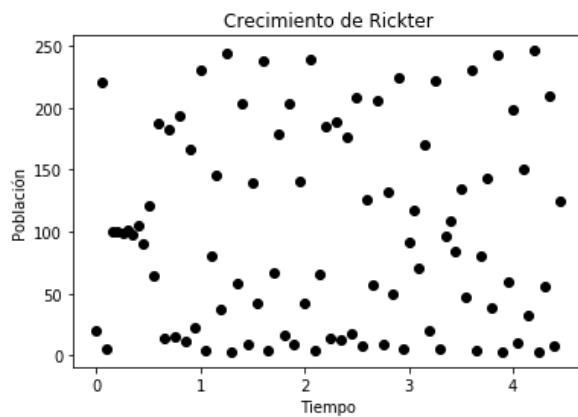
Para $r = 2.1$

```
model(n,t0,m0,dt,2.1,K)
```



Para $r = 3$

```
model(n,t0,m0,dt,3,K)
```



A continuación se presenta el diagrama de bifurcación de r . Se tomó $0 < r < 4.2$

```
def f(c,x): return x*( np.exp( c*( 1- x/100 ) ) )

ax = plt.subplot(1,1,1)
ax.set_xlim(0,4.2)
ax.set_ylim(0,200)
c_data = []
x_data = []
for c in np.linspace(0,4.2,800):
    x = 1
    for i in range(50):
        x = f(c,x)
    for i in range(100):
        x = f(c,x)
        c_data.append(c)
        x_data.append(x)

plt.plot(c_data,x_data,'b*', alpha=0.7, markersize=0.3)
plt.title("Diagrama de bifurcación")
plt.xlabel(" r ")
plt.ylabel(" N-infinito")

fig = ax.figure
fig.set_figwidth(13)
fig.set_figheight(8)
```

