Lunes 28	Martes 29	Miércoles 30	Jueves 31	Viernes 1
	 Conceptos básicos 	One-way ANOVA	• LM Simples	
	• T-test	• Two-way ANOVA		
Lunes 4	Martes 5	Miércoles 6	Jueves 7	Viernes 8
		• LM múltiples con interacción	 Resolución de práctica 	
		• LM múltiples sin interacción	• GLMs	

Preguntas y respuestas:

ANOVA con covarianza en Statgraphics:
 ANCOVA (Análisis de Covarianzas) == modelo lineal con interacción

http://www.differencebetween.net/science/mathematics-statistics/difference-between-ancova-and-regression/

Tipos de ANOVA:

"Importante" cuando los datos están desequilibrados.

Type I: sequential sum of squares: mira primero los efectos de los factores (var. explicativas) y su interacción independientemente.

Type II: Asume que no existe interacción entre factores

- para cuando NO haya interacción significativa

Type III: mira primero la interacción y después el efecto de cada factor independientemente

<- para cuando la interacción sea significativa

http://www.differencebetween.net/science/mathematics-statistics/difference-between-ancova-and-regression/

• Jueves 7 → ¿Datos propios?

Repaso de Conceptos básicos y T-test

T-test

Comparar dos grupos
 H0= las medias de los dos grupos son iguales
 Ha= las medias de los dos grupos son distintas
 >t.test(Y ~ X)

ANOVA (One-way)

Comparar más de dos grupos

H0= La media de los grupos no difiere

Ha= La media de los grupos difiere al menos entre dos grupos

>aov(Y ~ X) %>%summary()

ANOVA (Two-way)

Comparar el efecto de la combinación de varios factores

H0= La media de los grupos no difiere

Ha= La media de los grupos difiere al menos entre dos grupos

>aov(Y ~ X1* X2) %>%summary()



Estadística aplicada en R Modelos Lineales:

Regresión simple Regresión múltiple sin interacción Regresión múltiple con interacción

-Marzo 2022-

Carlota Solano carlota.solano.udina@upm.es



1. ¿Qué es?

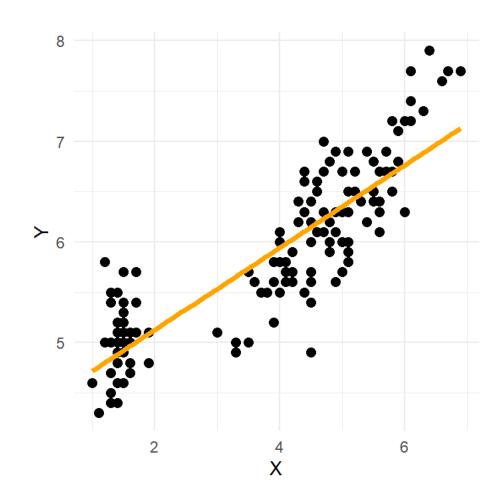
Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres definir cómo se relacionan dos elementos.

Correlación no implica causalidad



1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

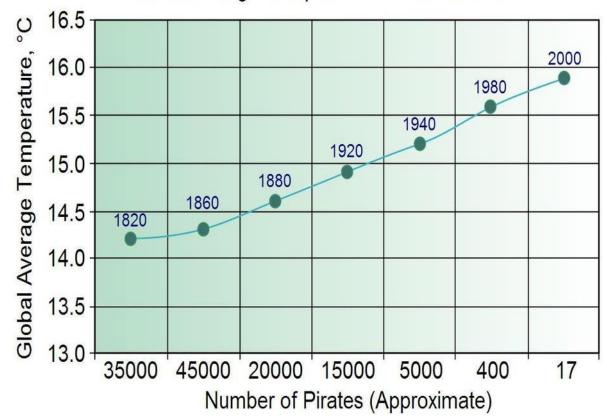
→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

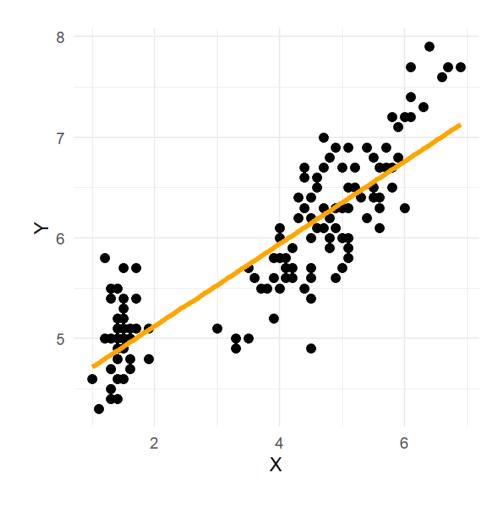
2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres definir cómo se relacionan dos elementos.

Correlación no implica causalidad

Global Average Temperature vs. Number of Pirates





1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

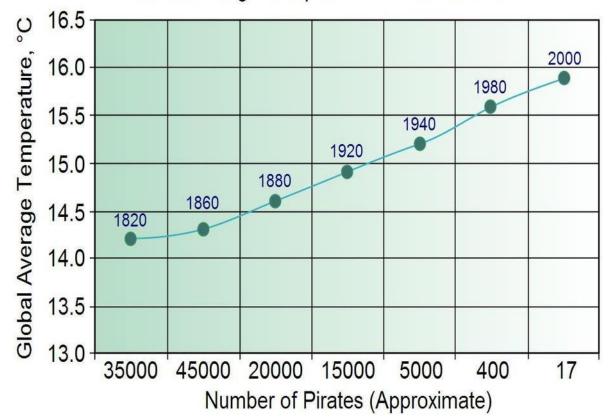
→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

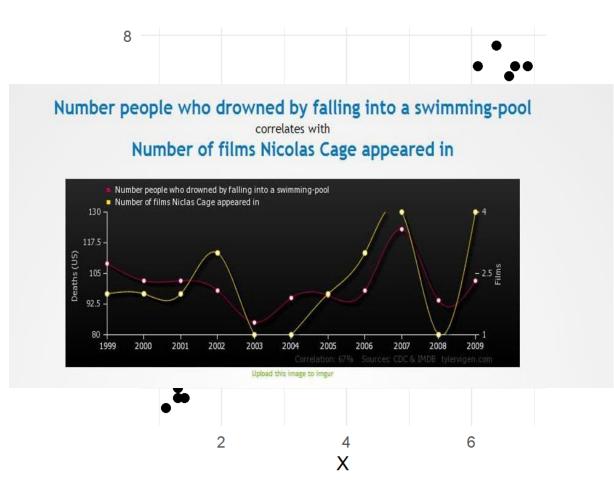
2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres definir cómo se relacionan dos elementos.

Correlación no implica causalidad

Global Average Temperature vs. Number of Pirates





1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres definir cómo se relacionan dos elementos.

Correlación no implica causalidad

3. ¿Qué tipo de datos se necesitan?

Variable respuesta (dep.; y) → Numérica y continua

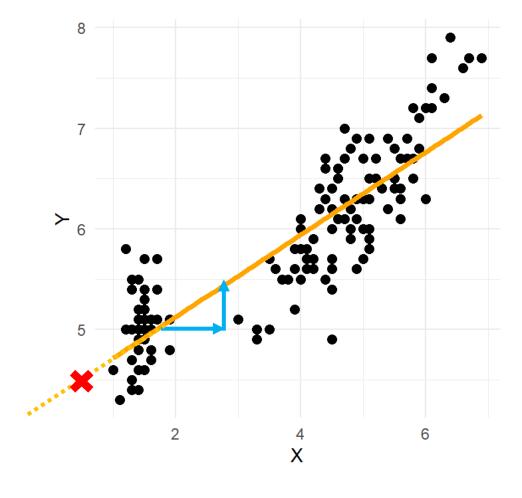
Variable explicativa (indep.; x) → Numérica y continua

$$y = a + m x$$

$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$

Intercepto Pendiente Error o residuo





1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres definir cómo se relacionan dos elementos.

Correlación no implica causalidad

3. ¿Qué tipo de datos se necesitan?

Variable respuesta (dep.; y) → Numérica y continua

Variable explicativa (indep.; x) → Numérica y continua

$$y = a + m x$$

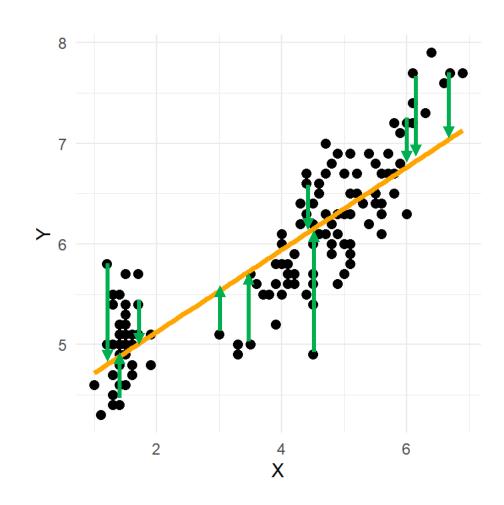
$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$

Intercepto Pendiente Error o residuo





 $\varepsilon = valor \ real - predicho \ por \ modelo$

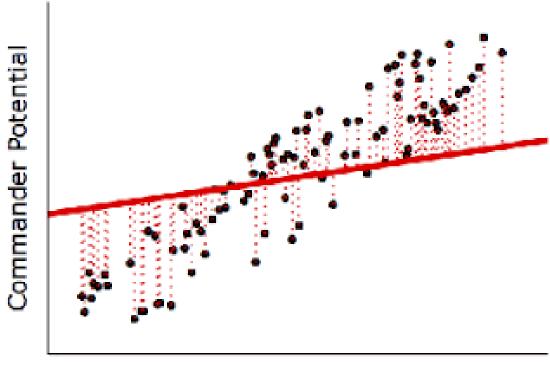


1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

→ El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos**

$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$



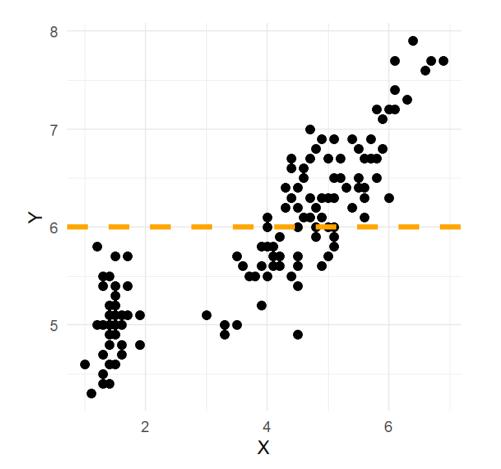
1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

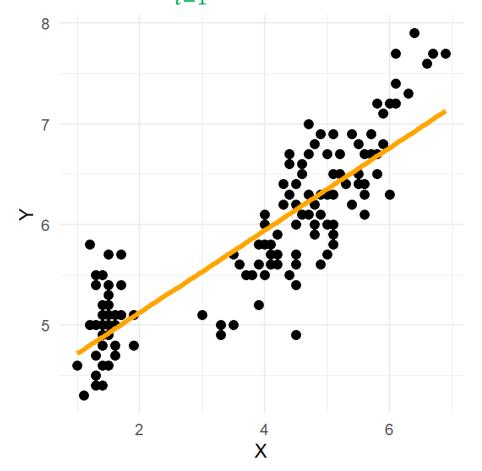
→ El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos**

permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos

$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$



$$SSres = \sum_{i=1}^{N} (\boldsymbol{\varepsilon_i})^2$$



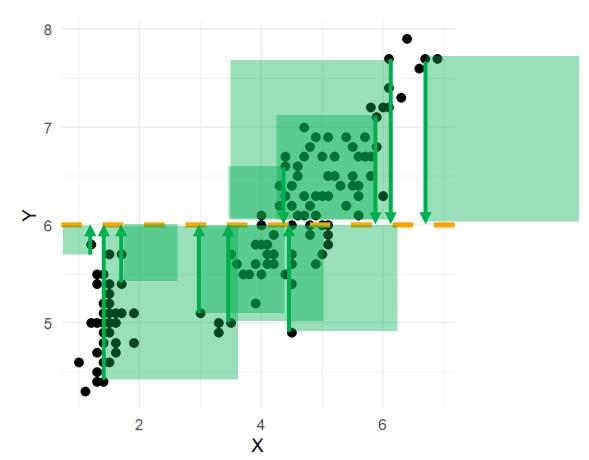
1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

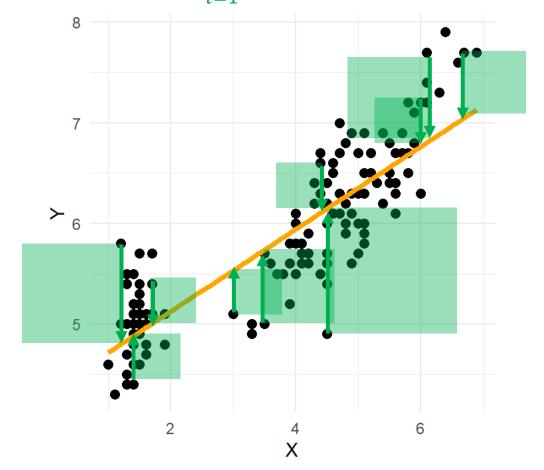
→ El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos**

permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos

$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$



$$SSres = \sum_{i=1}^{\infty} (\boldsymbol{\varepsilon_i})^2$$



1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

→ El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos**

$$SSres = \sum_{i=1}^{n} (\varepsilon_i)^2 \rightarrow Mide la varianza no explicada por el modelo$$

$$SStotal = \sum_{i=1}^{n} (y_i - \bar{y})^2 \rightarrow Mide la varianza del modelo$$

$$R^2 = 1 - \frac{SSres}{SStotal} \rightarrow \text{proporción de varianza de}$$

la var. respuesta que está explicada por el modelo

1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y otra independiente.

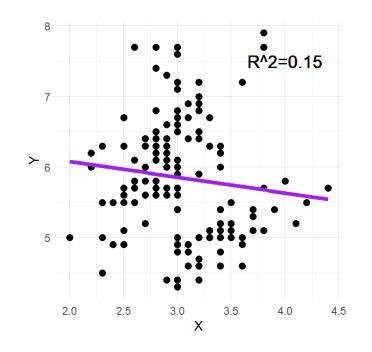
→ El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos**

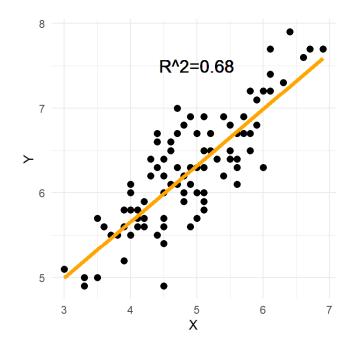
$$SSres = \sum_{i=1}^{n} (\varepsilon_i)^2 \rightarrow Mide la varianza no explicada por el modelo$$

$$SStotal = \sum_{i=1}^{n} (y_i - \bar{y})^2 \rightarrow Mide la varianza del modelo$$

$$R^2 = 1 - \frac{\mathit{SSres}}{\mathit{SStotal}} o \mathsf{proporción} \, \mathsf{de} \, \mathsf{varianza} \, \mathsf{de}$$

la var. respuesta que está explicada por el modelo



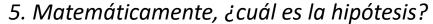


4. ¿Qué asunciones tiene?

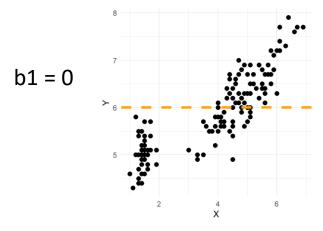
- La relación entre variables es lineal.
- Distribución **normal** de los residuos (o de las variables) del modelo.
- Igualdad de varianza de los residuos en torno a la línea de la regresión.
- **Independencia** de las observaciones (i.e. de los datos).

- 4. ¿Qué asunciones tiene?
- La relación entre variables es lineal.
- Distribución **normal** de los residuos (o de las variables) del modelo.
- Igualdad de varianza de los residuos en torno a la línea de la regresión.
- **Independencia** de las observaciones (i.e. de los datos).

¡Ojo con los outliers → valores atípicos!

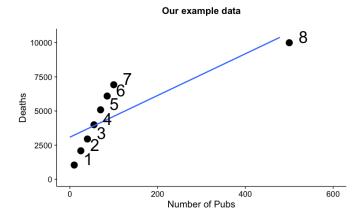


H0: No existe una relación entre las variables estudiadas

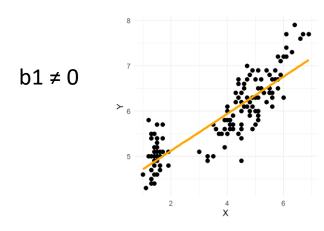


6. ¿Cómo se corre en R?





Ha: Existe una relación lineal entre las variables



7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$volume~trees$Height)
                                             Estimación de coeficientes que definen la línea de regresión
> summary(1mtree)
                                             - (Intercept) = intercepto = b0: Valor de y cuando x=0
call:
                                              - Var. explicativa = pendiente = b1: Por cada incremento en una
lm(formula = trees$volume ~ trees$Height)
                                                                         unidad en la var. explicativa, la var.
Residuals:
                                                                         respuesta varía b1
             10 Median
    Min
                                     Max
-21.274 -9.894 -2.894
                                  29.852
Coefficients:
             Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
             -87.1236
                          29.2731 -2.976 0.005835 **
trees$Height
                           0.3839
               1.5433
                                    4.021 0.000378 ***
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3579,
                               Adjusted R-squared: 0.3358
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$Volume~trees$Height)
                                              Estimación de coeficientes que definen la línea de regresión
> summary(1mtree)
                                              - (Intercept) = intercepto = b0: Valor de y cuando x=0
call:
                                               - Var. explicativa = pendiente = b1: Por cada incremento en una
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                                          unidad en la var. explicativa, la var.
Residuals:
                                                                          respuesta varía b1
             10 Median
    Min
                                      Max
-21.274 -9.894
                 -2.894
                                   29.852
                                                                      (Poco valor biológico) Cuando un árbol tiene
Coefficients:
                                                                      una altura cero, su volumen es -87.12 dm^3
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
                                    -2.976 0.005835 **
             -87.1236
                          29.2731
                                                                      Por cada dm de altura más, el volumen del
trees$Height
                1.5433 -
                          0.3839
                                     4.021 0.000378 ***
                                                                      árbol incrementa 1.54 dm<sup>3</sup>.
                 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Signif. codes:
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3579,
                                Adjusted R-squared: 0.3358
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$Volume~trees$Height)
                                              Estimación de coeficientes que definen la línea de regresión
> summary(1mtree)
                                              - (Intercept) = intercepto = b0: Valor de y cuando x=0
call:
                                              - Var. explicativa = pendiente = b1: Por cada incremento en una
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                                         unidad en la var. explicativa, la var.
Residuals:
                                                                         respuesta varía b1
    Min
             10 Median
                                     Max
-21.274 -9.894 -2.894
                                  29.852
                                                           Std. Error = Error estándar: precisión de la media estimada
                                                            (!) \pm 1.96* s.e.= 95%Cl
Coefficients:
             Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                          29.2731 -2.976 0.005835 **
(Intercept)
             -87.1236
trees$Height
                           0.3839 4.021 0.000378
               1.5433
                0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Signif. codes:
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3579,
                               Adjusted R-squared: 0.3358
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$Volume~trees$Height)
                                               Estimación de coeficientes que definen la línea de regresión
> summary(1mtree)
                                               - (Intercept) = intercepto = b0: Valor de y cuando x=0
call:
                                               - Var. explicativa = pendiente = b1: Por cada incremento en una
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                                           unidad en la var. explicativa, la var.
Residuals:
                                                                           respuesta varía b1
    Min
              10 Median
                                       Max
-21.274 -9.894 -2.894
                                   29.852
                                                             Std. Error = Error estándar: precisión de la media estimada
                                                              (!) \pm 1.96* s.e.= 95%Cl
Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                                                                  \rightarrow T- value: estimación/s.e. --> \uparrow t value= \downarrow s.e.
                                    -2.976 0.005835 **
(Intercept)
             -87.1236
                           29.2731
trees$Height
                            0.3839
                                     4.021 0.000378 ***
               1.5433
                 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Signif. codes:
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3579,
                                Adjusted R-squared: 0.3358
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$Volume~trees$Height)
                                               Estimación de coeficientes que definen la línea de regresión
> summary(1mtree)
                                               - (Intercept) = intercepto = b0: Valor de y cuando x=0
call:
                                                - Var. explicativa = pendiente = b1: Por cada incremento en una
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                                           unidad en la var. explicativa, la var.
Residuals:
                                                                           respuesta varía b1
              10 Median
    Min
                                       Max
-21.274 -9.894
                  -2.894
                                   29.852
                                                             Std. Error = Error estándar: precisión de la media estimada
                                                              (!) ±1.96* s.e.= 95%CI
Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                                                                  → T- value: estimación/ s.e. --> ↑ t value= ↓ s.e.
                                    -2.976 0.005835
(Intercept)
              -87.1236
                           29.2731
trees$Height
                            0.3839
                                     4.021 0.000378
                1.5433
                 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1
Signif. codes:
                                                                     Pr(>|t|)= p-valor y significancia \rightarrow Valores
                                                                      estadísticamente distintos (o no) de cero.
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3579,
                                  Adjusted R-squared: 0.3358
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$volume~trees$Height)
                                                    Residual standard error: desviación estándar de residuos.
> summary(1mtree)
                                                             Cuanto menor sea el valor, mejor es la predicción
call:
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
Residuals:
    Min
             10 Median
                                    Max
-21.274 -9.894 -2.894 12.068
                                 29.852
Coefficients:
             Estimate Std. Error t va(lue Pr(>|t|)
(Intercept) -87.1236
                         29.2731
                                  -2.976 0.005835
trees$Height 1.5433
                          0.3839
                                   4.021 0.000378
                        0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
                               Adjusted R-squared: 0.3358
Multiple R-squared: 0.3579,
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$volume~trees$Height)
                                                     Residual standard error: desviación estándar de residuos.
> summary(1mtree)
                                                              Cuanto menor sea el valor, mejor es la predicción
call:
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                        Degrees of freedom: grados de libertad:
Residuals:
    Min
             10 Median
                                     Max
-21.274 -9.894 -2.894 12.068
                                  29.852
Coefficients:
             Estimate Std. Error t va/lue Pr(//
(Intercept)
             -87.1236
                          29.2731
                                   -2.976 \ 0.005835
trees$Height
               1.5433
                          0.3839
                                    4.021 0.000378
                        0.001 '/**'
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
                                Adjusted R-squared: 0.3358
Multiple R-squared: 0.3579,
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

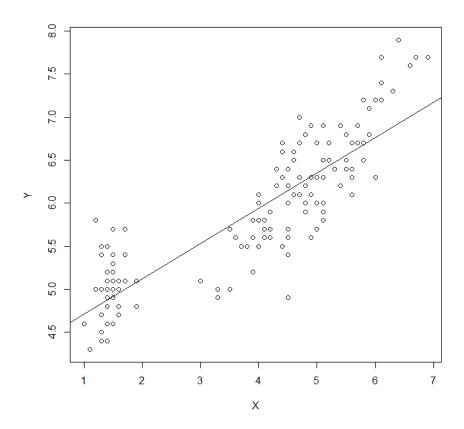
7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

```
> lmtree<-lm(trees$volume~trees$Height)
                                                      Residual standard error: desviación estándar de residuos.
> summary(1mtree)
                                                               Cuanto menor sea el valor, mejor es la predicción
call:
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                         Degrees of freedom: grados de libertad
Residuals:
    Min
             10 Median
                                     Max
-21.274 -9.894 -2.894 12.068
                                  29.852
                                                             (...) R-squared: R^2: proporción de la varianza
                                                             explicada por el modelo.
Coefficients:
             Estimate Std. Error t va(lue Pr(/>|t|)
             -87.1236
                                    -Z. 976 0 \do 00583\fo
(Intercept)
                          29.2731
                                    4.021 0.000378
trees$Height
               1.5433
                           0.3839
                                              0.05 '.' 0.1 ' '1
                   '***' 0.001 '/**'
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
                               Adjusted R-squared: 0.3358
Multiple R-squared: 0.3579,
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

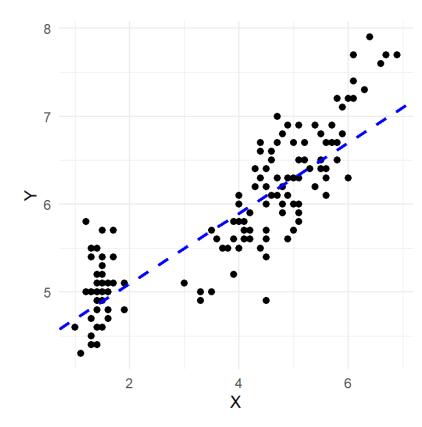
```
> lmtree<-lm(trees$Volume~trees$Height)
                                                       Residual standard error: desviación estándar de residuos.
> summary(1mtree)
                                                                Cuanto menor sea el valor, mejor es la predicción
call:
lm(formula = trees$Volume ~ trees$Height)
                                                          Degrees of freedom: grados de libertad:
Residuals:
             10 Median
                                      Max
-21.274 -9.894 -2.894 12.068
                                   29.852
                                                              (...) R-squared: R^2: proporción de la varianza
                                                              explicada por el modelo.
Coefficients:
              Estimate Std. Error t va(lue Pr(/>|t|)
                                    -Z.976 0/005835
(Intercept)
             -87.1236
                          29.2731
                                     4.021 0.000378
trees$Height
               1.5433
                           0.3839
                                              0.05 '.' 0.1 ' '1
                         0.001
                                                                     F-stats & p-value: Test general para comprobar
Residual standard error: 13.4 on 29 degrees of freedom
                                                                     la H0 \rightarrow Todos los coeficientes del modelo son
                               Adjusted R-squared: 0.3358
Multiple R-squared: 0.3579,
                                                                     igual a cero.
F-statistic: 16.16 on 1 and 29 DF, p-value: 0.0003784
```

8. ¿Cómo se puede representar?



- > plot(data\$y ~ data\$x)
- > abline(a=intercepto, b=pendiente)

R



4.1. Ejemplo all together



¿Existe relación entre el tamaño corporal de los renacuajos y el tamaño de su intestino?

4.2. Ejercicios de Modelos Lineales

Ejercicio: 4. Ejer_LMs (primera parte)

Lunes 28	Martes 29	Miércoles 30	Jueves 31	Viernes 1
	 Conceptos básicos 	One-way ANOVA	LM Simples	
	• T-test	• Two-way ANOVA		
Lunes 4	Martes 5	Miércoles 6	Jueves 7	Viernes 8
		LM múltiples con interacciónLM múltiples	Resolución de prácticaGLMs	

Preguntas y respuestas

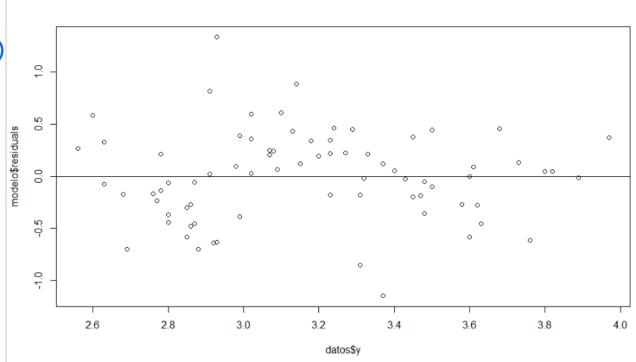
- Generar informes directamente desde Rstudio.

R markdown: interfaz que permite salvar y ejecutar código, pero tb generar documentación ".Rmd" https://rmarkdown.rstudio.com/lesson-1.html

- ¿Homocedasticidad en modelos lineales?
 - si los residuos son constantes a lo largo de los valores de la variable dependiente (y)

→ ¿Cómo? → Plot residuals vs. v
>modelo<-lm(datos\$y~datos\$x)
>plot(datos\$y~modelo\$residuals)
>abline(h=0)

- ANOVA vs. Levene-test (homocedasticidad) ANOVA : comprueba si H0: μ 1= μ 2 ; Ha:

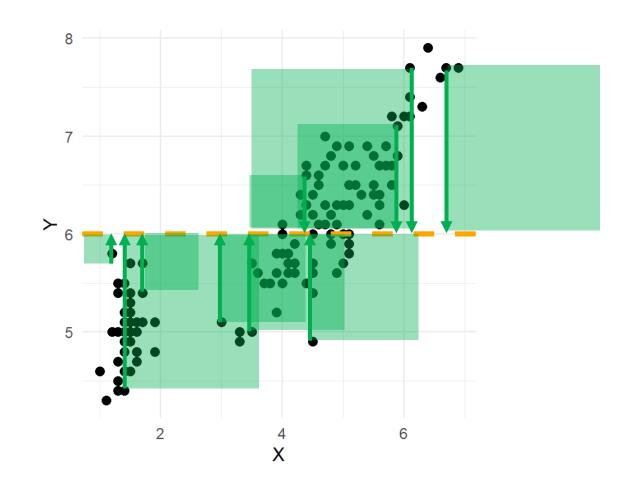


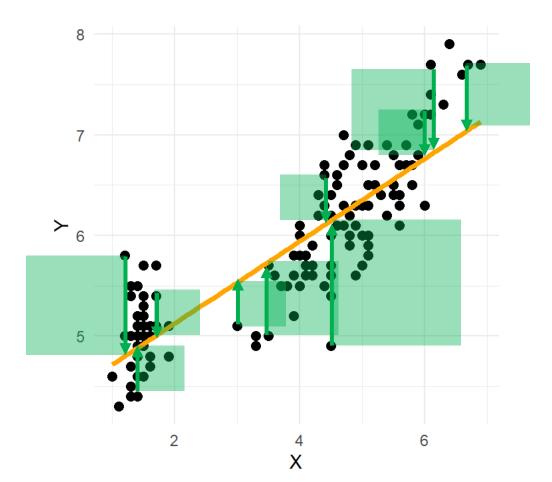
Earlier this week...

Modelos lineales → El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los** valores de b0 y b1 que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos

$$y_i = b_0 + b_1 x_i + \varepsilon_i$$

$$SSres = \sum_{i=1}^{n} (\boldsymbol{\varepsilon_i})^2$$





Earlier this week...

Modelos lineales → El **objetivo** es encontrar la línea que mejor defina los datos = **Encontrar los valores de b0 y b1 que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos**

$$SSres = \sum_{i=1}^{n} (\varepsilon_i)^2 \rightarrow Mide la varianza no explicada por el modelo$$

$$SStotal = \sum_{i=1}^{n} (y_i - \bar{y})^2 \rightarrow Mide la varianza del modelo$$

$$R^2 = 1 - \frac{\mathit{SSres}}{\mathit{SStotal}} o \mathsf{proporción} \, \mathsf{de} \, \mathsf{varianza} \, \mathsf{de}$$

la var. respuesta que está explicada por el modelo

Asunciones en Modelos Lineales: CON LOS RESIDUOS

Para obtener residuos necesitamos tener un modelo

```
>Modelito<-lm(y^x)
```

- >resid(Modelito)
- >hist(resid(Modelito)

Earlier this week...

T-test

```
    Comparar dos grupos
        H0= las medias de los dos grupos son iguales
        Ha= las medias de los dos grupos son distintas
        >t.test( Y ~ X )
```

ANOVA (One-way)

Comparar más de dos grupos

H0= La media de los grupos no difiere

Ha= La media de los grupos difiere al menos entre dos grupos

>aov(Y ~ X) %>%summary()

ANOVA (Two-way)

Comparar el efecto de la combinación de varios factores

H0= La media de los grupos no difiere

Ha= La media de los grupos difiere al menos entre dos grupos

>aov(Y ~ X1* X2) %>%summary()

Modelo Lineal Simple

Determinar cómo se relacionan dos variables continuas

H0= No existe relación entre variables \rightarrow b1 = 0

Ha= Existe relación entre variables \rightarrow b1 \neq 0

>lm(y ~ x) %>%summary()



Estadística aplicada en R Modelos Lineales:

Regresión simple Regresión múltiple sin interacción Regresión múltiple con interacción

-Marzo 2022-

Carlota Solano carlota.solano.udina@upm.es



4.2. Modelo lineal múltiple con interacción

1. ¿Qué es?

y = a + mx

Es un modelo que relaciona una variable dependiente con varias variables independientes.

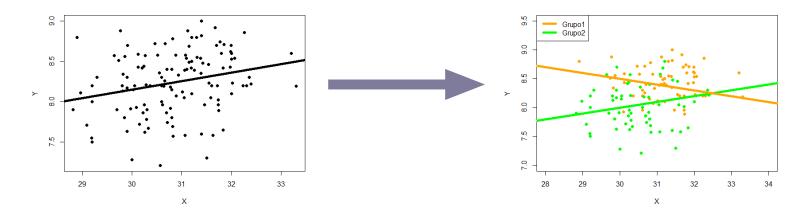
→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos = *Encontrar los valores de intercepto* y pendiente que nos permiten minimizar la suma de los cuadrados de los residuos

2. ¿Cuándo se puede utilizar?

Cuando quieres evaluar la influencia que tienen múltiples variables independientes sobre una variable respuesta. Correlación no implica causalidad

¿Cómo difiere del modelo lineal simple? Incluimos más de una variable explicativa para estudiar cómo todas afectan a nuestra variable respuesta

$$y_i = b_0 + b_1 x_{i1} * b_2 x_{i2} + \varepsilon_i$$
Intercepto Efecto de x1 Efecto de x2 Residuo



3. ¿Qué tipo de datos se necesitan?

Variable respuesta (dep.; y) \rightarrow Numérica continua Variables explicativas (indep.; x) \rightarrow Continuas y categóricas

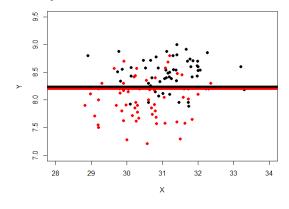
Variables continuas → pendiente: efecto del incremento de una unidad de x sobre y Variables categóricas → efecto del cambio de grupo de x sobre y

4. ¿Qué asunciones tiene?

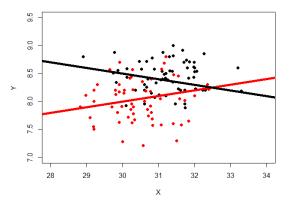
- Variables explicativas no deben ser colineales No correlación entre variables explicativas
- Principio de parsimonia (Navaja de Ockham)
- **Relación lineal** entre variables respuesta y explicativas
- Distribución normal de los residuos del modelo.
- Igualdad de varianza de los residuos en torno a la línea de la regresión.
- **Independencia** de las observaciones (i.e. de los datos).
- ¡Ojo con los **outliers**!

5. ¿Cuál es la hipótesis?

H0: Las vars. explicativas no afectan a la var. respuesta



Ha: Las vars. explicativas afectan a la var. respuesta



6. ¿Cómo se corre en R?

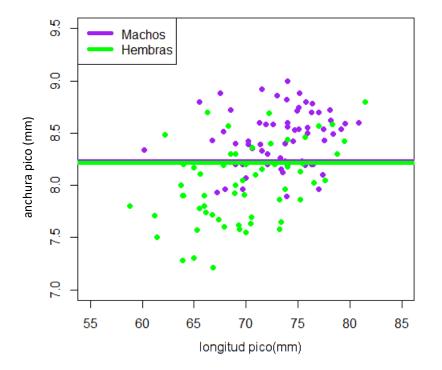
- R
- > aguacate<-1m (y \sim x1 * x2)
- > summary(aguacate)

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

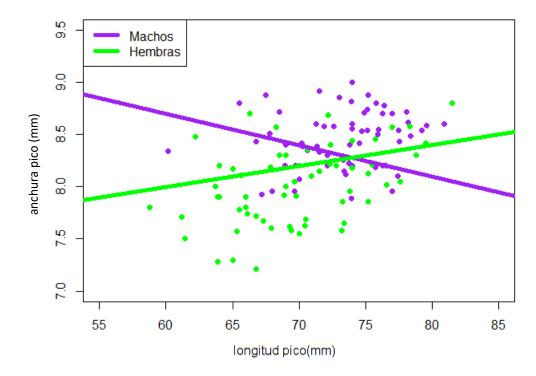
E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



H0: La anchura y la longitud del pico no están relacionado ni en hembras ni en machos



Ha: La anchura y la longitud del pico están relacionadas, y esta relación difiere entre machos y hembras



7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.

Grupos: Female & Male (Hembras y machos)



```
> lm(BJ$BillDepth~BJ$BillLength*BJ$KnownSex)%>%summary()
call:
lm(formula = BJ$BillDepth ~ BJ$BillLength * BJ$KnownSex)
Residuals:
    Min
            1Q Median
                           3Q
                                 Max
-0.67412 -0.19634 0.00585 0.23708 0.65073
Coefficients:
                      Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
                              0.98028 3.618 0.000437 ***
                       3.54664
BJ$BillLength
                      BJ$KnownSexM
                       3.38540 1.37280 2.466 0.015086 *
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.4221, Adjusted R-squared: 0.4076
F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14
```

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

Estimación de coeficientes que definen las líneas de regresión

- Intercepto de grupo de referencia: Valor de "y" cuando x=0

```
> lm(BJ$BillDepth~BJ$BillLength*BJ$KnownSex)%>%summary()
```

Call:

lm(formula = BJ\$BillDepth ~ BJ\$BillLength * BJ\$KnownSex)

Residuals:

Min 1Q Median 3Q Max -0.67412 -0.19634 0.00585 0.23708 0.65073

Coefficients:

	Estimate	Std.	Error	t	val	ue	Pr	(>	t)
--	----------	------	-------	---	-----	----	----	----	---	---

(Intercept)	3.54664	0.98028	3.618	0.000437	***
BJ\$BillLength	0.18465	0.04050	4.559	1.25e-05	***
BJ\$KnownSexM	3.38540	1.37280	2.466	0.015086	*
BJ\$BillLength:BJ\$KnownSexM	-0.12525	0.05534	-2.263	0.025438	*

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.4221, Adjusted R-squared: 0.4076 F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

```
> lm(BJ$BillDepth~BJ$BillLength*BJ$KnownSex)%>%summary()
Call:
lm(formula = BJ$BillDepth ~ BJ$BillLength * BJ$KnownSex)
Residuals:
    Min    1Q    Median    3Q    Max
-0.67412 -0.19634    0.00585    0.23708    0.65073
```

Estimación de coeficientes que definen las líneas de regresión

- Intercepto de grupo de referencia: Valor de "y" cuando x=0
- Var. Explicativa continua = pendiente de grupo de referencia: efecto del incremento de una unidad de "x" sobre "y" para el grupo de referencia

Coefficients:

	Estimate	Std. Error t	value	Pr(> t)	
(Intercept)	3.54664	0.98028	3.618	0.000437	***
BJ\$BillLength	0.18465	0.04050	4.559	1.25e-05	***
BJ\$KnownSexM	3.38540	1.37280	2.466	0.015086	×
BJ\$BillLength:BJ\$KnownSexM	-0.12525	0.05534	-2.263	0.025438	×
Signif. codes: 0 '***' 0.	001 '**' (0.01 '*' 0.05	'.' 0.	1 ' ' 1	
Residual standard error: 0 Multiple R-squared: 0.422 F-statistic: 28.98 on 3 an	1, Adju	ısted R-squar	ed: 0.	4076	

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

```
> lm(BJ$BillDepth~BJ$BillLength*BJ$KnownSex)%>%summary()
Call:
lm(formula = BJ$BillDepth ~ BJ$BillLength * BJ$KnownSex)
Residuals:
    Min    1Q    Median    3Q    Max
-0.67412 -0.19634    0.00585    0.23708    0.65073
Coefficients:
```

Estimación de coeficientes que definen las líneas de regresión

- Intercepto <u>de grupo de referencia</u>: Valor de "y" cuando x=0
- Var. Explicativa continua = pendiente de grupo de referencia: efecto del incremento de una unidad de "x" sobre "y" para el grupo de referencia
- Var. Explicativa <u>categórica</u> = <u>intercepto del segundo grupo</u>: efecto del cambio de grupo <u>respecto al grupo de referencia</u>

	ESCIMACE	Sta. Error	t varue	Pr(> L)	
(Intercept)	3.54664	0.98028	3.618	0.000437	***
BJ\$BillLength	0.18465	0.04050	4.559	1.25e-05	***
BJ\$KnownSexM	3.38540	1.37280	2.466	0.015086	*
BJ\$BillLength:BJ\$KnownSexM	-0.12525	0.05534	-2.263	0.025438	*

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.4221, Adjusted R-squared: 0.4076 F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

> lm(BJ\$BillDepth~BJ\$BillLength*BJ\$KnownSex)%>%summary()

call:

lm(formula = BJ\$BillDepth ~ BJ\$BillLength * BJ\$KnownSex)

Residuals:

Min 1Q Median 3Q Max -0.67412 -0.19634 0.00585 0.23708 0.65073

Coefficients:

Estimate Std. Error t value Pr(> t	I))

(Intercept)	3.54664	0.98028	3.618	0.000437	***
BJ\$BillLength	0.18465	0.04050	4.559	1.25e-05	***
BJ\$KnownSexM	3.38540	1.37280	2.466	0.015086	×
BJ\$BillLength:BJ\$KnownSexM	-0.12525	0.05534	-2.263	0.025438	×

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.4221, Adjusted R-squared: 0.4076 F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14

Estimación de coeficientes que definen las líneas de regresión

- Intercepto <u>de grupo de referencia</u>: Valor de "y" cuando x=0
- Var. Explicativa continua = pendiente de grupo de referencia: efecto del incremento de una unidad de "x" sobre "y" para el grupo de referencia
- Var. Explicativa <u>categórica</u> = <u>intercepto del segundo grupo</u>: efecto del cambio de grupo <u>respecto al grupo de referencia</u>
 - Interacción entre vars. explicativas= pendiente del segundo grupo: efecto del incremento de una unidad de "x" sobre "y" para el segundo grupo

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

> lm(BJ\$BillDepth~BJ\$BillLength*BJ\$KnownSex)%>%summary()

call:

lm(formula = BJ\$BillDepth ~ BJ\$BillLength * BJ\$KnownSex)

Residuals:

Min 1Q Median 3Q Max -0.67412 -0.19634 0.00585 0.23708 0.65073

Coefficients:

Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)

(Intercept)	3.54664	0.98028	3.618 0.000437 ***
BJ\$BillLength	0.18465	0.04050	4.559 1.25e-05 ***
BJ\$KnownSexM	3.38540	1.37280	2.466 0.015086 *
BJ\$BillLength:BJ\$KnownSexM	-0.12525	0.05534	-2.263 0.025438 *

- Las *hembras* tienen una anchura. de pico de 3.54 mm cuando tienen un pico de longitud de 0 mm
- El pico de las *hembras* incrementa 0.18 mm anchura al incrementar 1 mm de longitud
- Los *machos* tienen una anchura de pico de 3.54+3.38 mm cuando tienen un pico de longitud de 0 mm
 - El pico de los *machos* incrementa en 0.18-0.12 mm de anchura al incrementar 1 mm de longitud

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.4221, Adjusted R-squared: 0.4076 F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14

Ecuaciones

Anchura pico hembras= 3.54 +0.18*Long. pico Anchura pico machos= (3.54+3.38)+(0.18-0.12)*Long. pico

7. ¿Cómo se interpreta el resultado de R?

E.g. Queremos estudiar la morfología del pico de los arrendajos azules, concretamente si cuanto más ancho es el pico, su longitud también es mayor. Además, queremos ver si esta relación morfológica difiere entre machos y hembras.



Grupos: Female & Male (Hembras y machos)

```
> lm(BJ$BillDepth~BJ$BillLength*BJ$KnownSex)%>%summary()
call:
lm(formula = BJ$BillDepth ~ BJ$BillLength * BJ$KnownSex)
Residuals:
    Min
              1Q Median
                                3Q
                                        Max
-0.67412 -0.19634 0.00585 0.23708 0.65073
Coefficients:
                          Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
                           3.54664
                                      0.98028 3.618 0.000437
BJ$BillLength
                                      0.04050 4.559 1.25e-05
                           0.18465
BJ$KnownSexM
                                      1.37280 2.466 0.015086
                           3.38540
BJ$BillLength:BJ$KnownSexM -0.12525
                                      0.05534 -2.263 0.025438 *
                 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
Signif. codes:
Residual standard error: 0.3003 on 119 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.4221,
                               Adjusted R-squared: 0.4076
```

F-statistic: 28.98 on 3 and 119 DF, p-value: 3.876e-14

P-valor:

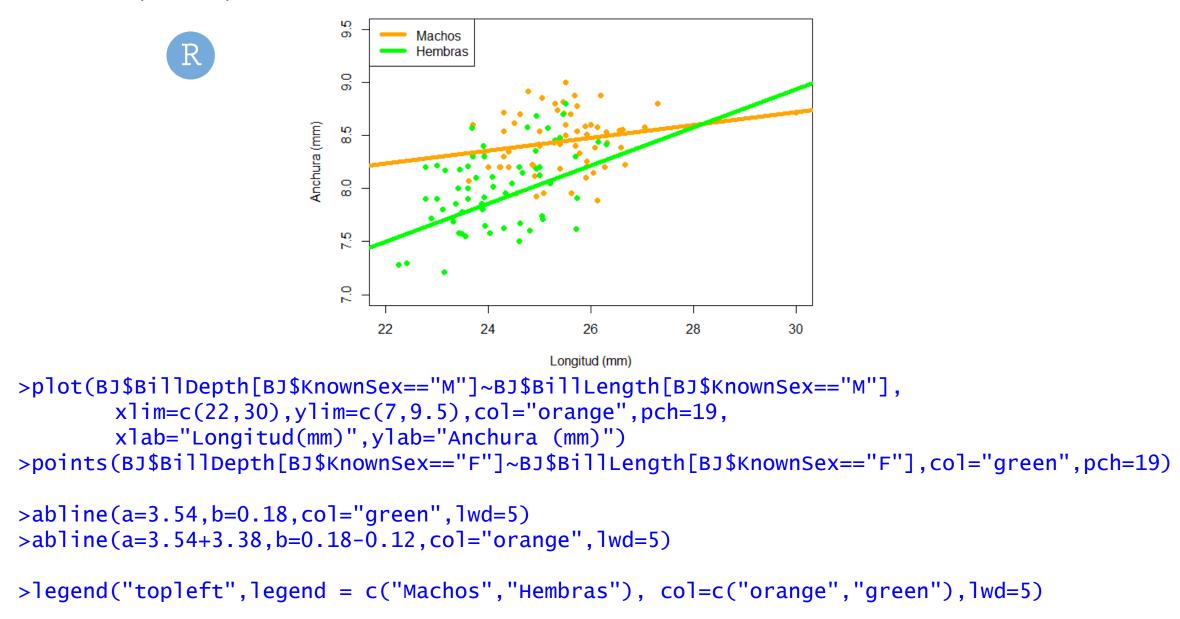
Significancia de los valores en el grupo de ref: Valor distinto de cero

Significancia de los valores en otros grupos: Valor distinto del de grupo de referencia

> El intercepto de las líneas de regresión es distinto

La pendiente de las líneas de regresión es distinta == La relación entre las variables estudiadas difiere entre grupos

8. ¿Cómo se puede representar?



4.2. Regresión lineal múltiple (aditiva)

1. ¿Qué es?

Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y varias variables independientes.

→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

2. ¿Cómo difiere del modelo lineal múltiple con interacción?

Los efectos que tienen los grupos de la var. explicativa categórica sobre la var. respuesta no difieren entre sí

$$y_i = b_0 + b_1 x_{i1} + b_2 x_{i2} + \cdots + \varepsilon_i$$
Intercepto

Efecto de x1

Fror o residuo

3. ¿Qué tipo de datos se necesitan?
 Variable respuesta (dep.; y) → Numérica y continua
 Variables explicativas (indep.; x) → Continuas y/o categóricas

Variables continuas → pendiente: efecto del incremento de una unidad de x sobre y Variables categóricas → intercepto: efecto del cambio de grupo de x sobre y

4.2. Regresión lineal múltiple (aditiva)

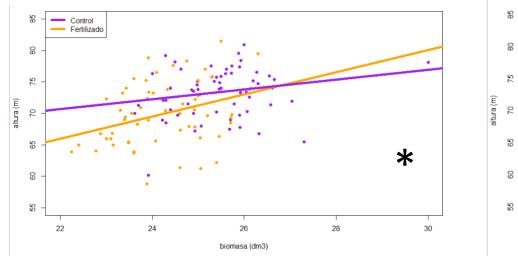
1. ¿Qué es?

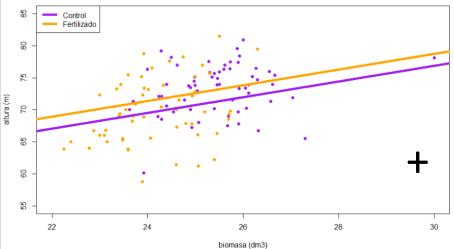
Es un método de estimación de la relación entre una variable dependiente y <u>varias</u> variables independientes.

→ El objetivo es encontrar la línea que mejor defina los datos

2. ¿Cómo difiere del modelo lineal múltiple con interacción?

Los efectos que tienen los grupos de la var. explicativa categórica sobre la var. respuesta no difieren entre sí





3. ¿Qué tipo de datos se necesitan?

Variable respuesta (dep.; y) → Numérica y continua

Variables explicativas (indep.; x) → Continuas y/o categóricas

Variables continuas → pendiente: efecto del incremento de una unidad de x sobre y Variables categóricas → intercepto: efecto del cambio de grupo de x sobre y

4.2. Regresión lineal múltiple (aditiva)

- 4. ¿Qué asunciones tiene?
- Variables indeps. (x) **no correlacionadas**
- Principio de parsimonia
- Relación lineal entre vars. respuesta y explicativas
- Distribución normal de los residuos del modelo (o de las variables numéricas)
- Igualdad de varianza de los residuos en torno a la línea de la regresión
- Independencia de las observaciones ¡Ojo con los outliers!

$$y_i = b_0 + b_1 cont. x_{i1} + b_2 cat. x_{i2} + \varepsilon_i$$

5. Matemáticamente, ¿cuál es la hipótesis?

HO: No existe una relación entre las variables estudiadas

$$b1 = 0$$

H0: Los distintos grupos de la var. categórica no difieren en la variable respuesta

$$b0 = b2$$

Ha: Existe una relación lineal entre las variables b1 ≠ 0

Ha: Los distintos grupos de la var. categórica no difieren en la variable respuesta

6. ¿Cómo se corre en R?



- > guisante<-lm(data=db, y ~ xcont + xcat)</pre>
- > summary(guisante)

4.1. Ejercicios de Modelos Lineales

Ejercicio: 4. Ejer_LMs (segunda parte)

Ejercicio: 5. Ejer_LMConInteracción