OXFORD

Sequence analysis

MUSET: set of utilities for constructing abundance unitig matrices from sequencing data

Riccardo Vicedomini[1],*, Francesco Andreace [iD][2,3], Yoann Dufresne [iD][2,3], Rayan Chikhi [iD][2], Camila Duitama González [iD][2],*

[1]GenScale, Université de Rennes, Inria RBA, CNRS UMR 6074, F-35000 Rennes, France
[2]Institut Pasteur, Université Paris Cité, Sequence Bioinformatics Unit, F-75015 Paris, France
[3]Sorbonne Université, Collège Doctoral, F-75005 Paris, France

*Corresponding authors. Camila Duitama González, Sequence Bioinformatics Unit, Institut Pasteur, Université Paris Cité, F-75015 Paris, France.
E-mail: cduitama@pasteur.fr; Riccardo Vicedomini, GenScale, Université de Rennes, Inria RBA, CNRS UMR 6074, F-35000 Rennes, France.
E-mail: riccardo.vicedomini@irisa.fr.