## Trabajo 1

## Estudiantes

# Juan Camilo Gutierrez Martinez Maria Fernanda Calle Agudelo Jaider Castañeda Villa

Equipo 8

Docente

## Julieth Veronica Guarin Escudero

Asignatura

Estadística II



Sede Medellín 30 de marzo de 2023

# ${\bf \acute{I}ndice}$

1.	Pre	gunta 1	3			
	1.1.	Modelo de regresion	3			
	1.2.	Significancia de la regresión	3			
	1.3.	Significancia de los parámetros	4			
	1.4.	Interpretación de los parámetros	5			
	1.5.	Coeficiente de determinación múltiple $\mathbb{R}^2$	5			
2.	Pre	Pregunta 2				
	2.1.	Planteamiento pruebas de hipótesis y modelo reducido	6			
	2.2.	Estadístico de prueba y conclusión	6			
3.	Pre	gunta 3	7			
	3.1.	.1. Prueba de hipótesis y prueba de hipótesis matricial				
	3.2.	Estadístico de prueba	7			
4.	Pre	gunta 4	8			
	4.1.	Supuestos del modelo	8			
		4.1.1. Normalidad de los residuales	8			
		4.1.2. Varianza constante	9			
	4.2.	Verificación de las observaciones	10			
		4.2.1. Datos atípicos	10			
		4.2.2. Puntos de balanceo	11			
		4.2.3. Puntos influenciales	12			
	43	Conclusión	13			

# Índice de figuras

1.	Gráfico cuantil-cuantil y normalidad de residuales	8
2.	Gráfico residuales estudentizados vs valores ajustados	9
3.	Identificación de datos atípicos	10
4.	Identificación de puntos de balanceo	11
5.	Criterio distancias de Cook para puntos influenciales	12
6.	Criterio Dffits para puntos influenciales	13
<b>Índi</b>	ce de cuadros  Valores coeficientes	3
2.	Tabla ANOVA para el modelo	4
3.	Resumen de los coeficientes	5
4.	Resumen tabla de todas las regresiones posibles	6
5.	Puntos influenciales	11
6	Puntos influenciales	13

Se toma la base de datos 8, en la cual hay 5 variables regresoras, denominadas como:

Y: Riesgo de infección

 $X_1$ : Duración de la estadía

 $X_2$ : Rutina de cultivos

 $X_3$ : Número de camas

 $X_4$ : Censo promedio diario

 $X_5$ : Número de enfermeras

A partir de ello se plantea el siguiente modelo incial:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_{1i} + \beta_2 X_{2i} + \beta_3 X_{3i} + \beta_4 X_{4i} + \beta_5 X_{5i} + \varepsilon_i; \ \varepsilon_i \stackrel{iid}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \le i \le 65$$

#### 1.1. Modelo de regresion

Al realizar el ajuste al modelo con el fin de obtener la relacion de la variable respuesta con las variables regresoras obtenemos los siguientes coeficientes respectivamente:

Cuadro 1: Valores coeficientes

	Valor del parametro
$\beta_0$	-0.7194
$\beta_1$	0.0986
$\beta_2$	0.0274
$\beta_3$	0.0628
$\beta_4$	0.0146
$\beta_5$	0.0024

La ecuacion de la regresion ajustada es:

$$\hat{Y}_i = -0.7194 + 0.0986X_{1i} + 0.0274X_{2i} + 0.0628X_{3i} + 0.0146X_{4i} + 0.0024X_{5i}; \ 1 \le i \le 65X_{1i} + 0.0024X_{2i} + 0.0024X_{2$$

## 1.2. Significancia de la regresión

Se realizara un análisis de varianza para probar la significancia de los parametros, el cual se establece con el siguiente juego de hipotesis:

$$\begin{cases} H_0: \beta_1=\beta_2=\beta_3=\beta_4=\beta_5=0\\ H_a: \text{Algún } \beta_j \text{ distinto de 0 para j=1, 2,..., 5} \end{cases}$$

Cuyo estadístico de prueba es:

$$F_0 = \frac{MSR}{MSE} \stackrel{H_0}{\sim} f_{5,59} \tag{1}$$

Se hace la comparacion con la distribucion f debido a que  $F_0$  es un analisis de significancia globlal del modelo, o sea, que tanto cambia el modelo segun las variables regresoras, la distribucion f es un analisis de varianza segun la cantidad de parametros y datos, si  $f \leq F_0$  significa que el modelo tiene una varianza mayor, por lo que, tiene alguna relacion con al menos una de las variables regresoras.

Ahora, se presenta la tabla Anova:

Cuadro 2: Tabla ANOVA para el modelo

	Sumas de cuadrados	Grados de libertad	Cuadrado medio	$F_0$	P-valor
Regresión Error	57.1974 58.4204	5 59	11.439480 0.990177	11.553	8.42693e-08

De la tabla Anova, se observa un valor P casi igual a 0, lo que permite rechazar la hipótesis nula en la que  $\beta_j = 0$  con  $1 \le j \le 5$ , aceptando la hipótesis alternativa en la que algún  $\beta_j \ne 0$ , esto nos dice que hay al menos una relacion entre las variable respuesta y las regresoras permitiendonos asi concluir la significancia del modelo.

## 1.3. Significancia de los parámetros

Antes se realizo una prueba general del modelo con el fin de saber si nos proporcionaba alguna informacion, ahora se realizara una prueba de hipotesis sobre los coeficientes individuales del modelo con el fin de saber cuales son significativos o no, se establece primero el juego de hipotesis:

$$\begin{cases} H_0: \beta_j = 0 \\ H_a: \beta_j \neq 0 \ j = 1, 2, ..., 5 \end{cases}$$

El estadistico es el siguiente:

$$T_{j,0} = \frac{\hat{\beta}_j}{se(\hat{\beta}_j)} \stackrel{H_0}{\sim} t_{59} \tag{2}$$

En el siguiente cuadro se presenta información de los parámetros:

	$\hat{eta}_j$	$se(\hat{\beta}_j)$	$T_{0j}$	P-valor
$\beta_0$	-0.7194	1.5430	-0.4662	0.6428
$\beta_1$	0.0986	0.0791	1.2462	0.2176
$\beta_2$	0.0274	0.0286	0.9580	0.3419
$\beta_3$	0.0628	0.0153	4.1097	0.0001
$\beta_4$	0.0146	0.0075	1.9512	0.0558
$\beta_5$	0.0024	0.0008	2.9449	0.0046

Cuadro 3: Resumen de los coeficientes

Usando el criterio de rechazo del valor-P  $\alpha > Val - P$  determinaremos que valores son significativos y cuales no, dado que no nos dan un valor especifico para  $\alpha$  diremos que  $\alpha = 0.05$  viendo la tabla solo hay dos valores significativos, o sea, que rechazamos su hipotesis nula que son  $\beta_3$  y  $\beta_5$  ya que sus P-valores son menores que  $\alpha$ ,  $\beta_0$  no hubiera sido interpretable en caso de que fuera significativa debido a que ninguna de las  $X_{i,i}$  contiene al 0 en sus datos.

#### 1.4. Interpretación de los parámetros

 $\hat{\beta}_3$ : Significa que por cada unidad que aumente  $X_3$  la variable respuesta estimada  $\hat{Y}_i$  aumenta en 0.0628 unidades cuando las demas variables se mantienen constantes, esto en otras palabras es que a medida que hayan mas camas mas aumenta la riesgo de infeccion.

 $\hat{\beta}_5$ : Significa que por cada unidad que aumente  $X_5$  la variable respuesta estimada  $\hat{Y}_i$  aumenta en 0.0024 unidades cuando las demas variables se mantienen constantes, aqui nos dice que segun el aumento de la cantidad de enfermeras aumenta el riesgo de infeccion.

## 1.5. Coeficiente de determinación múltiple $R^2$

El modelo tiene un coeficiente de determinación múltiple  $R^2 = 0.4947$ , lo que significa que aproximadamente el 49.47 % de la variabilidad de Y es explicada por el modelo de regresion ajustado debido a las variables independientes, el resto de la variabilidad es explicada por la variabilidad residual, o sea, $1 - R^2$ .

## 2.1. Planteamiento pruebas de hipótesis y modelo reducido

Según el Cuadro 3, las covariables que tienen el valor-P más alto en el modelo son  $X_1, X_2, X_4$ . Por medio de la tabla de todas las regresiones posibles se quiere hacer la siguiente prueba de hipótesis que permita concluir si el subconjunto de variables es significativo:

$$\begin{cases} \mathbf{H}_0: \beta_1=\beta_2=\beta_4=0\\ \mathbf{H}_1: \mathbf{Algún}\ \beta_j\ \mathrm{distinto}\ \mathrm{de}\ 0\ \mathrm{para}\ j=1,2,4 \end{cases}$$

Cuadro 4: Resumen tabla de todas las regresiones posibles

	Suma cuadratica de error	Covariables en el modelo
Modelo completo	58.420	X1 X2 X3 X4 X5
Modelo reducido	69.028	X3 X5

Un modelo reducido para la prueba de significancia del subconjunto es:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_3 X_{3i} + \beta_5 X_{5i} + \varepsilon; \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \le i \le 65$$

## 2.2. Estadístico de prueba y conclusión

Se construye el estadístico de prueba:

$$F_{0} = \frac{(SSE(\beta_{0}, \beta_{3}, \beta_{5}) - SSE(\beta_{0}, \dots, \beta_{5}))/3}{MSE(\beta_{0}, \dots, \beta_{5})} \stackrel{H_{0}}{\sim} f_{3,59}$$

$$= \frac{[69.028 - 58.420]/3}{0.990177}$$

$$= 3.5711$$
(3)

Si se compara el  $F_0$  con  $f_{0.95,3,59} = 2.7608$ , se puede ver que  $F_0 > f_{0.95,3,59}$ .

Usando  $\alpha = 0.05$ :

Como  $F_0 > f_{0.95,3,59}$ , entonces se rechaza  $H_0$ , por lo tanto, el subconjunto es significativo, en presencia de los demás parámetros.

Por lo anterior, llegamos a la conclusión que las variables no se pueden descartar del modelo porque el riesgo promedio de infección depende de al menos una de las variables presentes en el subconjunto.

#### 3.1. Prueba de hipótesis y prueba de hipótesis matricial

Queremos probar si:

$$2\beta_1 = \beta_2$$
;  $5\beta_3 = \beta_4$ ;  $\beta_4 = \beta_5$ 

Para esto tenemos la siguiente prueba de hipótesis:

$$\begin{cases} H_0: 2\beta_1 = \beta_2; \ 5\beta_3 = \beta_4; \ \beta_4 = \beta_5 \\ H_1: 2\beta_1 \neq \beta_2 \ \text{\'o} \ 5\beta_3 \neq \beta_4 \ \text{\'o} \ \beta_4 \neq \beta_5 \end{cases}$$

Podemos reescribirlas de la siguiente manera:

$$\begin{cases}
H_0: 2\beta_1 - \beta_2 = 0; 5\beta_3 - \beta_4 = 0; \beta_4 - \beta_5 = 0 \\
H_1: 2\beta_1 - \beta_2 \neq 0; 5\beta_3 - \beta_4 \neq 0; \beta_4 - \beta_5 \neq 0
\end{cases}$$

Y ahora en términos matriciales:

$$\begin{cases} H_0 : \mathbf{L}\underline{\beta} = \underline{\mathbf{0}} \\ H_1 : \mathbf{L}\beta \neq \underline{\mathbf{0}} \end{cases}$$

Donde la matriz L está dada por:

$$L = \begin{bmatrix} 0 & 2 & -1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 5 & -1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 & -1 \end{bmatrix}$$

Para obtener el modelo reducido operamos:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_{1i} + 2\beta_1 X_{2i} + \beta_3 X_{3i} + 5\beta_3 X_{4i} + 5\beta_3 X_{5i} + \varepsilon_i, \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \le i \le 65$$

Agrupando, el MR estará dado por:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_{1,2i}^* + \beta_3 X_{3,4,5i}^* + \varepsilon_i, \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \le i \le 65$$

Donde 
$$X_{1,2i}^* = X_{1i} + 2X_{2i}$$
 y  $X_{3,4,5i}^* = X_{3i} + 5X_{4i} + 5X_{5i}$ 

## 3.2. Estadístico de prueba

El estadístico de prueba  $F_0$  es el siguiente:

$$F_0 = \frac{(SSE(MR) - SSE(MF))/3}{MSE(MF)} \stackrel{H_0}{\sim} f_{3,59}$$
 (4)

Reemplazando el SSE(MF) y el MSE(MF) conocidos:

$$F_0 = \frac{(SSE(MR) - 58.420)/3}{0.990177} \stackrel{H_0}{\sim} f_{3,59}$$
 (5)

## 4.1. Supuestos del modelo

#### 4.1.1. Normalidad de los residuales

Para validar el supuesto de normalidad, se plante la prueba de hipótesis Shapiro-Wilk, seguida de un gráfico cuantil-cuantil:

$$\begin{cases} \mathbf{H}_0 : \varepsilon_i \sim \text{Normal} \\ \mathbf{H}_1 : \varepsilon_i \nsim \text{Normal} \end{cases}$$

#### Normal Q-Q Plot of Residuals

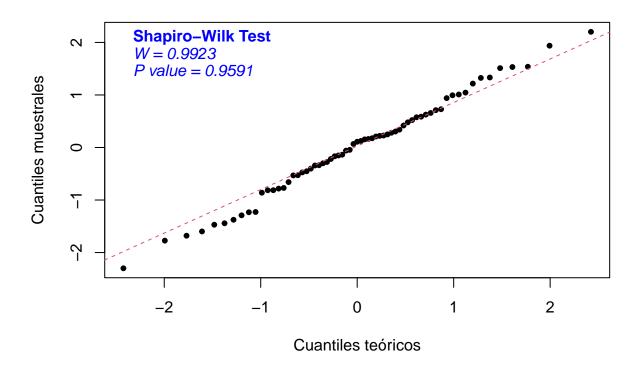


Figura 1: Gráfico cuantil-cuantil y normalidad de residuales

Analizando en un principio el valor-P de la prueba Shapiro-Wilk utilizando un nivel de significancia  $\alpha=0.05$ , podemos observar que este valor-P es superior pues 0.9591>0.05, por lo que no se cumple el criterio de rechazo, no rechazaríamos la hipótesis nula y se cumpliría el supuesto de normalidad. No obstante, en la gráfica de cuantiles...

#### 4.1.2. Varianza constante

Para validar el supuesto de varianza constante analizaremos el gráfico de los residuales estudentizados va los valores ajustados:

$$\begin{cases} \mathbf{H}_0 : V[\varepsilon_i] = \sigma^2 \\ \mathbf{H}_1 : V[\varepsilon_i] \neq \sigma^2 \end{cases}$$

#### Residuales Estudentizados vs Valores Ajustados

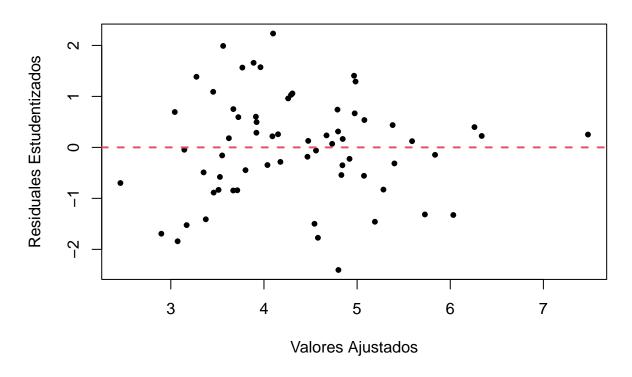


Figura 2: Gráfico residuales estudentizados vs valores ajustados

Del análisis de la gráfica encontramos que el patrón de los puntos indica un aumento de la dispersión hasta poco antes del centro de la gráfica y después hay un decrecimiento de la dispersión. En base a esto podemos concluir que el supuesto de varianza constante no se cumple. Es posible que algunas observaciones extremas estén afectando nuestro análisis.

## 4.2. Verificación de las observaciones

#### 4.2.1. Datos atípicos

## Residuales estudentizados

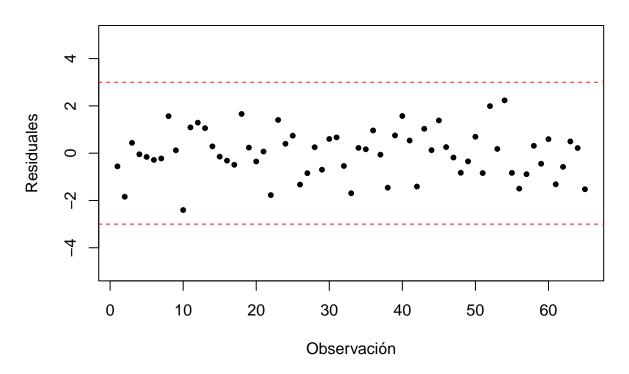
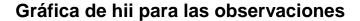


Figura 3: Identificación de datos atípicos

Tal como nos los muestra la gráfica anterior, no se observa ningún dato atípico en el conjunto de datos que tenemos, esto porque ningún residual estudentizado sobrepasa el criterio correspondiente  $|r_{estudentizados}| > 3$ .

#### 4.2.2. Puntos de balanceo



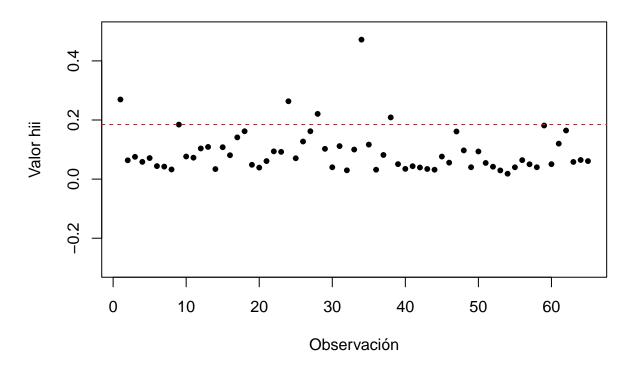


Figura 4: Identificación de puntos de balanceo

Cuadro 5: Puntos influenciales

	Residuales estudentizados	Valores $h_{ii}$
1	-0.5574	0.2694
24	0.3979	0.2634
28	0.2521	0.2207
34	0.2242	0.4719
38	-1.4588	0.2088

Analizando la gráfica, concluimos que tenemos 5 puntos de balanceo (los dos que están exactamente en la linea son menores al valor  $h_{ii}=2\frac{p}{n}=2\frac{6}{65}=0.1846$  que representa la linea punteada roja). Las 5 observaciones 1,24,28,34 y 38 ,como se muestra en la tabla, cumplen con el criterio correspondiente  $h_{ii}>2\frac{p}{n}$ 

#### 4.2.3. Puntos influenciales

## Gráfica de distancias de Cook

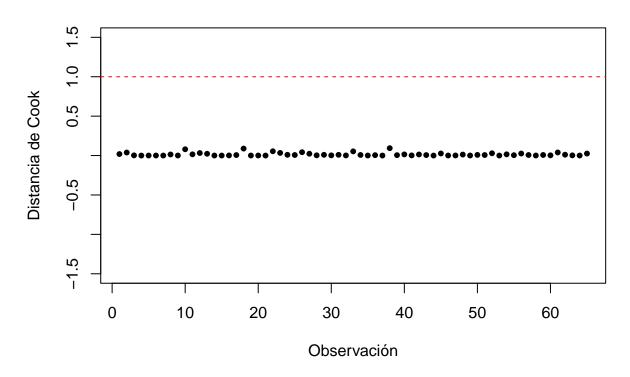


Figura 5: Criterio distancias de Cook para puntos influenciales

Con el criterio Cook que nos indica que para que sea un punto influencial  $D_i > 1$ , observamos que ningun punto cumple, tal cual como se ve en la gráfica ya que ninguno sobrepasa la linea roja punteada.

## Gráfica de observaciones vs Dffits

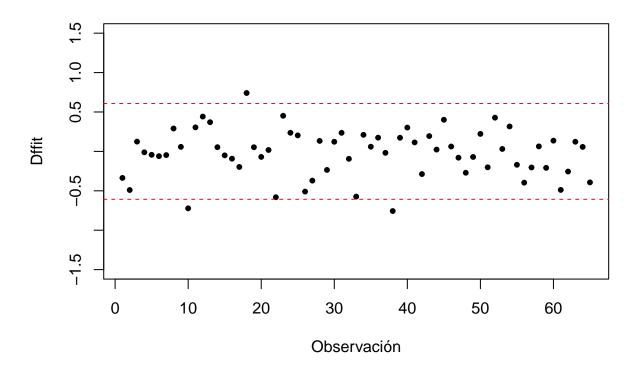


Figura 6: Criterio Dffits para puntos influenciales

Cuadro 6: Puntos influenciales

	Residuales estudentizados	Dffits
10	-2.4046	-0.7226
18	1.6588	0.7406
38	-1.4588	-0.7567

Tal como nos lo muestra la gráfica y la tabla, tenemos 3 puntos influenciales que cumplen el criterio del diágnostico DFFITS el cual establece que es un punto influencial si  $|D_{ffit}| > 2\sqrt{\frac{p}{n}}$ , para este conjunto de datos en particular  $|D_{ffit}| > 2\sqrt{\frac{6}{56}} = 0.6076$ .

## 4.3. Conclusión