Estructuras de datos en R

Carlos C.

2022-08-02

Vectores y tipos de datos en R

Un vector es una secuencia ordenada de datos. R dispone de muchos tipos de datos, por ejemplo:

• logical: valores lógicos (TRUE o FALSE)

• integer: números enteros, $\mathbb Z$

• numeric: números reales, $\mathbb R$

• complex: números complejos, $\mathbb C$

• character: palabras

En los vectores de R, todas las entradas deben ser del mismo tipo: todas números, todas palabras, etc. Cuando queramos usar vectores formados por objetos de diferentes tipos de datos tendremos que usar *listas generalizadas* (lists).

R va a definir la class del vector de acuerdo a la siguiente jerarquia:

character complex numeric integer logical

(vgr) Supongamos que tenemos el siguiente vector que tiene diferentes tipos de datos

```
vector<-c(27, TRUE, 3.5, "Carlos")
class(vector)</pre>
```

[1] "character"

Básico

Para crear/manipular vectores podemos hacer uso de las siguientes líneas:

• c(): para definir un vector. Significa concatenar.

```
# (vgr)
c(1,2,3,4,5)
```

[1] 1 2 3 4 5

Es posible concatenar varios vectores con la misma sentencia.

```
# (vgr)
x<-c(1,3,5,7,9)
y<-c(0,2,4,6,8)

vector<-c(x,y)</pre>
```

[1] 1 3 5 7 9 0 2 4 6 8

- scan(): para definir un vector, entrada por entrada, en la consola. Se introducen las entradas del vector separándolas por un espacio y para terminar se da un doble "Enter". Con la función scan() podemos definir parámetros como sep="" y dec="." para especificar si nuestros datos están separados por algún otro valor que no sea un espacio o si los decimales de los datos que estamos leyendo vienen representados por una coma. Esta función nos permite leer datos de páginas web o archivos locales.
- $\mathbf{fix}(\mathbf{x})$: para modificar visualmente el vector x desde una ventana en RStudio. Se modifica de forma "manual" las entradas del vector.
- rep(a,n): para definir un vector constante que contiene el dato a repetido n veces. Es una función muy útil para hacer simulaciones.

```
# (vgr)
rep("Act",7)
```

```
[1] "Act" "Act" "Act" "Act" "Act" "Act" "Act"
```

Progresiones y Secuencias

Una **progresión aritmética** es una sucesión de números tales que la diferencia, d, de cualquier par de términos sucesivos de la sucesión es constante

$$a_n = a_1 + (n-1) d$$

• seq(a, b, by=d): para agregar una progresión aritmética de diferencia d que empieza en a hasta llegar a b. Es posible definir la d < 0 para indicar que es una progresión aritmética decreciente.

```
# (vgr)
seq(5,60,5)
```

[1] 5 10 15 20 25 30 35 40 45 50 55 60

```
# (vgr)
seq(5,60, 3.5)
```

```
[1] 5.0 8.5 12.0 15.5 19.0 22.5 26.0 29.5 33.0 36.5 40.0 43.5 47.0 50.5 54.0 [16] 57.5
```

• seq(a, b, length.out=n): define una progresión aritmética de longitud n que va de a a b con diferencia d. Por lo tanto, d = (b-a)/(n-1). En este caso estamos especificando que queremos n entradas en el vector.

```
# (vgr)
seq(4,35,length.out=7)
```

- [1] 4.000000 9.166667 14.333333 19.500000 24.666667 29.833333 35.000000
 - seq(a, by=d, length.out=n): define la progresión aritmética de longitud n y diferencia d que empieza en a. Con esto logramos un vector con n entradas, la primera será a y cada entrada aumentará en a unidades.

```
# (vgr)
seq(4,by=3, length.out=7)
```

[1] 4 7 10 13 16 19 22

1:10

• a:b: define la secuencia de números enteros consecutivos entre dos números a y b.

[1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10

Funciones

Cuando queremos aplicar una función a cada uno de los elementos de un vector de datos, la función sapply nos ahorra tener que programar con bucles en R:

• sapply(nombre_de_vector , FUN=nombre_de_función): para aplicar dicha función a todos los elementos del vector.

```
x<-1:5
# Definimos la función dentro de sapply
sapply(x, FUN=function(elemento){elemento^2})</pre>
```

[1] 1 4 9 16 25

```
x<-1:5
# Definimos la función aparte
cuadrado<-function(elemento){elemento^2}
sapply(x,FUN=cuadrado)</pre>
```

[1] 1 4 9 16 25

Dado un vector de datos x podemos calcular muchas medidas estadísticas acerca del mismo:

- length(x): calcula la longitud del vector x
- max(x): calcula el máximo del vector x
- min(x): calcula el mínimo del vector x
- sum(x): calcula la suma de las entradas del vector s
- prod(x): calcula el producto de las entradas del vector x
- mean(x): calcula la media aritmética de las entradas del vector x
- diff(x): calcula el vector formado por las diferencias sucesivas entre entradas del vector original x

```
x < -c(1,3,7,12,20,30)
diff(x)
```

[1] 2 4 5 8 10

• **cumsum(x)**: calcula el vector formado por las sumas acumuladas de las entradas del vector original x. Permite definir sucesiones descritas mediante sumatorios. Cada entrada es la suma de las entradas de x hasta su posición.

```
x<-1:10
cumsum(x)
```

[1] 1 3 6 10 15 21 28 36 45 55

Orden

• sort(x): ordena el vector en orden natural de los objetos que lo forman: el orden numérico creciente, orden alfabético, etc. Podemos definir el parámetro decrease=TRUE para que los ordene de forma decreciente.

```
v<-c(1,7,5,2,4,6,3)
sort(v)
```

[1] 1 2 3 4 5 6 7

```
# De forma decreciente
sort(v, decreasing = TRUE)
```

[1] 7 6 5 4 3 2 1

• rev(v): invierte el orden de los elementos del vector v

```
# v<-c(1,7,5,2,4,6,3)
rev(v)
```

[1] 3 6 4 2 5 7 1

 ${f NOTA}:$ no es necesario volver a llamar al vector v para usarlo en otro chunk, se queda guardado en la memoria de R.

Ejercicio

Producto notable

La fórmula del producto notable es

$$(a+b)^2 = a^2 + 2ab + b^2$$

Función con R

```
binomioNewton2<-function(a,b){
   a^2+2*a*b+b^2
}
binomioNewton2(2,1)</pre>
```

[1] 9

Binomio de Newton

$$(a+b)^n = \sum_{k=0}^n \binom{n}{k} a^{n-k} \cdot b^k$$

Función con R

```
binomioNewton=function(a,b,n){
   cumsum(choose(n,(0:n))*a^{n-(0:n)}*b^{(0:n)})[n+1]
}
binomioNewton(2,1,2)
```

[1] 9

La función cumsum regresa un vector, por lo que le estamos pidiendo que nos regresa la entrada n+1.