

# 1. Modelo

## 1.1. Descripción del Entorno Biológico.

Consideremos un organismo que tiene que proporcionan energía (tales recursos se denominan sustituyibles). Sean  $S_1$  y  $S_2$  las concentraciones de estos dos recursos contenidos en un quimiostato. Entonces el vector:

$$I = \begin{pmatrix} S_1 \\ S_2 \end{pmatrix}, \quad (1)$$

constituye la condición ambiental [7,8].

Los organismos pueden caracterizarse por diversos grados de consumir. Describimos estos rasgos por  $x$  y varían continuamente entre 0 y 1. Si el rasgo toma el valor 0, sólo se consume el recurso  $S_2$  y cuando el rasgo toma el valor de 1 solo se consume el recurso  $S_1$ . El efecto general en el cual contribuyen los dos rasgos se describe a partir de los coeficientes  $\eta(x)$  y  $\xi(x)$ , en el cual la cantidad promedio que consume un organismo con el rasgo  $x$  para los recursos 1 y 2 viene dado como:  $\eta(x) S_1$  y  $\xi(x) S_2$  respectivamente.

En el caso de una población consumidora monomórfica, la dinámica ecológica está gobernada por el siguiente sistema de ecuaciones diferenciales:

$$\begin{aligned} \frac{dS_1}{dx} &= S_{01} - S_1 - \eta(x)S_1X \\ \frac{dS_2}{dx} &= S_{02} - S_2 - \xi(x)S_2X \\ \frac{dX}{dx} &= -X + \eta(x)S_1X - \xi(x)S_2X \end{aligned} \quad (2)$$

Donde  $X$  representa la densidad de la población consumidora y  $S_{0i}$  es la concentración del recurso  $i$  en el medio de entrada. El sistema ecuaciones (2) tiene siempre que cumplir:

$$\eta(x)S_1X - \xi(x)S_2X > 1, \quad (3)$$

y la tasa de crecimiento poblacional de los consumidores con el rasgo  $X$ , bajo condiciones ambientales constantes  $I$ , está dada por:

$$r(x, I) = -1 + \eta(x)S_1X + \xi(x)S_2X. \quad (4)$$

Ahora, el análogo de (2) para la competencia de dos poblaciones consumidoras, una con el rasgo  $x$  y la otra con el rasgo  $y$ , está dado por el siguiente sistema:

$$\begin{aligned} \frac{dS_1}{dt} &= S_{01} - S_1 - \eta(x)S_1X_1 - \eta(y)S_1X_2 \\ \frac{dS_2}{dt} &= S_{02} - S_2 - \xi(x)S_2X_1 - \xi(y)S_2X_2 \\ \frac{dX_1}{dx} &= -X_1 + \eta(x)S_1X_1 + \xi(x)S_2X_1 \\ \frac{dX_2}{dx} &= -X_2 + \eta(y)S_1X_2 + \xi(y)S_2X_1 \end{aligned} \quad (5)$$

En el estado estacionario, tanto como  $r(x,I)$  y  $r(y,I)$  son iguales a cero. Estas son dos ecuaciones lineales con dos incógnitas,  $S_1$  y  $S_2$ . La solución se expresa como:

$$\begin{pmatrix} S_1 \\ S_2 \end{pmatrix} = \frac{1}{\eta(x)\xi(y) - \eta(y)\xi(x)} \begin{pmatrix} \xi(y) - \xi(x) \\ \eta(y) - \eta(x) \end{pmatrix} \quad (6)$$

A continuación, las dos relaciones de retroalimentación pueden utilizarse para deducir que las densidades en estado estacionario de las dos poblaciones consumidoras son:

$$\begin{pmatrix} X_1 \\ X_2 \end{pmatrix} = \frac{1}{\eta(x)\xi(y) - \eta(y)\xi(x)} \begin{pmatrix} \frac{\xi(y)S_{01}}{\xi(y) - \xi(x)} - \frac{\eta(y)S_{02}}{\eta(x) - \eta(y)} - \frac{\eta(y) - \xi(y)}{\eta(x)\xi(y) - \eta(y)\xi(x)} \\ \frac{-\xi(x)S_{01}}{\xi(y) - \xi(x)} - \frac{\eta(x)S_{02}}{\eta(x) - \eta(y)} - \frac{\xi(x) - \eta(x)}{\eta(x)\xi(y) - \eta(y)\xi(x)} \end{pmatrix} \quad (7)$$

De acuerdo con el Principio de Exclusión Competitiva, tres o más poblaciones consumidoras no pueden coexistir en estado estacionario utilizando solo dos recursos. De hecho, si  $r(x,I)$ ,  $r(y,I)$  y  $r(z,I)$  se igualan a cero, obtendremos tres ecuaciones lineales con solo dos incógnitas, lo que implica que, en general, no existe solución.

## 1.2. Sistemas de Ecuaciones de Selección-Mutación y Paso al Límite para Mutaciones.

Si la reproducción no es completamente fiel, un consumidor con el rasgo  $y$  puede generar descendencia con el rasgo  $x$ . Sea  $K(x,y)$  la densidad de probabilidad correspondiente. En ese caso, se espera encontrar, con el tiempo, consumidores con todos los rasgos posibles. Sea  $n(t,x)$  la densidad de consumidores en el tiempo  $t$ . El sistema queda descrito por:

$$\begin{aligned} \frac{dS_1(t,x)}{dt} &= S_{01} - S_1(t) + S_1(t) \int_0^1 \eta(y)n(t,x)dy \\ \frac{dS_2(t,x)}{dt} &= S_{02} - S_2(t) + S_2(t) \int_0^1 \xi(x)n(t,x)dx \\ \frac{dn(t,x)}{dt} &= -n(t,x) + \int_0^1 K(x,y)[S_1(t)\eta(y) + S_2(t)\xi(x)]n(t,y)dy, \end{aligned} \quad (8)$$

describe la interacción, a través de los recursos, de los diversos tipos de consumidores, así como el efecto de la mutación. Por lo tanto, se le denomina ecuación de selección-mutación (o sistema de ecuaciones). Por simplicidad, en la situación en la que la descendencia de un individuo con el rasgo  $x$  tiene una distribución de rasgos descrita por la densidad  $K(x,.)$ .

Ahora, sea  $K(x,y)$  dependiente de un pequeño parámetro  $\epsilon$ ; la idea es que las mutaciones son necesariamente pequeñas, lo cual incorporamos asumiendo que  $K_\epsilon$  es insignificamente pequeño para  $x$  fuera de un vecindario de radio  $\epsilon$  alrededor de  $y$  [9].

Reescalamos el tiempo sustituyendo  $\tau = \epsilon t$  (este escalamiento ajusta la escala temporal de modo que, al hacer  $\epsilon$  desaparecer, la escala de tiempo se adapte para observar el efecto de las mutaciones). Al escribir nuevamente  $t$  como  $\tau$ , ahora podemos reescribir la última ecuación de (4) como:

$$\frac{\epsilon}{n(t,x)} \frac{dn(t,x)}{dt} = -1 + \int_0^1 K(x,y)[S_1(t)\eta(y) + S_2(t)\xi(x)] \frac{n(y,t)}{n(t,x)} dy. \quad (9)$$

podemos luego realizar la siguiente transformación

$$\varphi(t, x) = \epsilon \ln[n(t, x)], \quad (10)$$

mientras que el segundo término en el lado derecho puede escribirse como:

$$\int_0^1 K_\epsilon(x, y) [S_1(t)\eta(y) + S_2(t)\xi(x)] e^{\frac{\varphi(t, y) - \varphi(t, x)}{\epsilon}} dy \quad (11)$$

Ahora supongamos que  $K_\epsilon(x, y)$  es lo suficientemente pequeño para la variable  $y$  fuera de un vecindario de radio  $\epsilon$  alrededor de  $x$ . Luego, realizamos el cambio de variable de integración  $y = x + \epsilon z$  y aproximamos:

$$\frac{\varphi(t, y) - \varphi(t, x)}{\epsilon} \rightarrow \frac{d\varphi(t, x)}{dx} z \quad (12)$$

Además, asumimos que la probabilidad de aparición de un nuevo rasgo como resultado de una mutación depende únicamente de la distancia al rasgo original. Por lo tanto, reemplazamos el kernel  $K_\epsilon$  por un kernel de convolución  $\tilde{K}$  y aproximamos:

$$K_\epsilon(x, y) dy \rightarrow \tilde{K}(z) dz \quad (13)$$

Donde  $\tilde{K}$  es una función no negativa y par definida, cuya integral es igual a 1. Al tomar formalmente el límite cuando  $\epsilon$  tiende a 0 en (9), obtenemos:

$$\frac{d\varphi(t, x)}{dx} = -r(x, I) + [S_1(t)\eta(y) + S_2(t)\xi(x)] H\left(\frac{\partial\varphi(t, x)}{\partial x}\right) \quad (14)$$

donde  $r$  se define como en (4) y  $H$  se define por:

$$H(p) = \int_{-\infty}^{\infty} \tilde{K}(z) e^{-pz} dz - 1 \quad (15)$$

Note que  $H(0)=0$  y que, para una función par  $\tilde{K}$ , se tiene  $H'(0) > 0$ ; por lo tanto,  $H$  es convexa. Llamamos a  $H$  el Hamiltoniano correspondiente a  $\tilde{K}$ .