Doble Grado en Ingeniería Informática y Matemáticas

APRENDIZAJE AUTOMÁTICO (E. Computación y Sistemas Inteligentes)

TRABAJO-2: Programación



Carlos Santiago Sánchez Muñoz

Grupo de prácticas 3 - Lunes

Email: carlossamu7@correo.ugr.es

30 de marzo de 2020

$\mathbf{\acute{I}ndice}$

1.	Ejercicio sobre la complejidad de ${\mathcal H}$ y el ruido	2
	Apartado 1	2
	Apartado 2	4
	Modelos Lineales	10
	Apartado 1	10
	Apartado 2	13
	Bonus	17
	Apartado 1	17
	Apartado 2	17

1. Ejercicio sobre la complejidad de \mathcal{H} y el ruido

En este ejercicio debemos aprender la dificultad que introduce la aparición de ruido en las etiquetas a la hora de elegir la clase de funciones más adecuada. Haremos uso de tres funciones ya programadas:

- simula_unif (N, dim, rango), que calcula una lista de N vectores de dimensión dim. Cada vector contiene dim números aleatorios uniformes en el intervalo rango.
- simula_gaus(N, dim, sigma), que calcula una lista de longitud N de vectores de dimensión dim, donde cada posición del vector contiene un número aleatorio extraído de una distribución Gaussiana de media 0 y varianza dada, para cada dimensión, por la posición del vector sigma.
- simula_recta(intervalo), que simula de forma aleatoria los parámetros, v = (a, b) de una recta, y = ax + b, que corta al cuadrado $[-50, 50] \times [-50, 50]$.

Apartado 1

Dibujar una gráfica con la nube de puntos de salida correspondiente.

a) Considere N = 50, dim = 2, rango = [-50, 50] con simula_unif (N, dim, rango).

En este ejercicio sólo tenemos que llamar a la función simula_unif con los parámetros del enunciado. Después pintaremos los puntos obtenidos usando pyplot.scatter.

```
print("a) simula_unif(N, dim, rango) con N=50, dim=2 y rango=[-50,50].")
x_unif = simula_unif(50, 2, [-50, 50])
plt.scatter(x_unif[:, 0], x_unif[:, 1])
plt.title("Nube de puntos con simula_unif")
plt.gcf().canvas.set_window_title('Ejercicio 1 - Apartado 1a)')
plt.show()
```

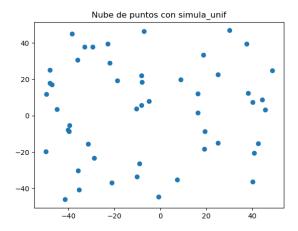


Figura 1: Nube de puntos con simula_unif

La Figura 1 es el resultado de la implementación en donde encontramos 50 puntos distribuidos uniformemente en el intervalo [-50, 50].

b) Considere N = 50, dim = 2 y sigma = [5, 7] con simula_gaus(N, dim, sigma).

Este apartado es idéntico al anterior, llamaremos a la función simula_gauss con los parámetros indicados. Posteriormente pintamos los puntos.

```
print("\nb) simula_gaus(N, dim, sigma) con N=50, dim=2 y sigma=[5,7].")
x_gaus = simula_gaus(50, 2, np.array([5, 7]))
plt.scatter(x_gaus[:, 0], x_gaus[:, 1])
plt.title("Nube de puntos con simula_gaus")
plt.gcf().canvas.set_window_title('Ejercicio 1 - Apartado 1b)')
plt.show()
```

El resultado de la implementación debe ser una gráfica donde están representados 50 puntos 2D en la que cada punto ha sido extraído de una distribución gaussiana de media μ =(0,0) y varianza (σ_x^2, σ_y^2)=(5,7). Resultado:

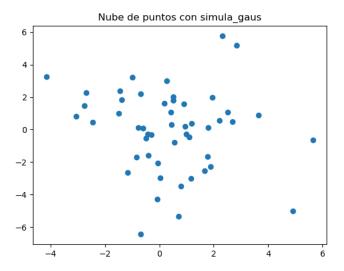


Figura 2: Nube de puntos con simula_gaus

Efectivamente como resultado de la distribución Gaussiana los puntos están agrupados entorno a la media.

Apartado 2

Con ayuda de la función simula_unif(100, 2, [-50, 50]) generar una muestra de puntos 2D a los que vamos añadir una etiqueta usando el signo de la función f(x,y) = y - ax - b, es decir el signo de la distancia de cada punto a la recta simulada con simula_recta().

Voy a utilizar los parámetros N=100 puntos 2D e intervalo [-50, 50] para llamar a simula_unif y generar la muestra. Para las etiquetas utilizo la función simula_recta con el mismo intervalo como parámetro y me devuelve la pendiente y la ordenada en el origen.

A partir de aquí utilizo una función **signo** implementada por mí con la peculiaridad de que para el valor 0 me devuelve 1 (signo positivo). Del mismo modo implementamos la función f(x,y) = y - ax - b. Por último, las etiquetas son el signo de evaluar f con los parámetros adecuados, las primeras y segundas componentes de cada punto de la muestra junto con **a** y **b** (ver abajo). Sólo voy a mostrar en la memoria el código de la llamada:

```
print ("\n### Apartado 2 ###\n")
N = 100
x = simula_unif(N, 2, [-50, 50])
a, b = simula_recta([-50, 50])
y = np.empty((N, ))
for i in range(N):
    y[i] = signo(f(x[i,0], x[i,1], a, b))
```

 a) Dibujar una gráfica donde los puntos muestren el resultado de su etiqueta, junto con la recta usada para ello. (Observe que todos los puntos están bien clasificados respecto de la recta)

Pintamos adecuadamente los puntos con su etiqueta correspondiente $\{1, -1\}$. Usaremos colores distintos para cada etiqueta y del mismo modo añadimos la gráfica de la recta usada para el cálculo de las etiquetas.

A continuación tenemos la gráfica resultante. En ella todos los puntos están bien clasificados respecto de la recta en rojo que es la que ha servido para etiquetar todos los puntos.

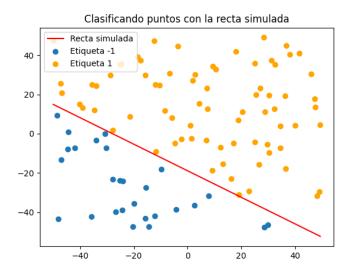


Figura 3: Clasificando puntos con la recta simulada

El resultado es lo esperado y comentado anteriormente. Como es la recta que los clasifica tiene un $100\,\%$ de acierto.

b) Modifique de forma aleatoria un 10% etiquetas positivas y otro 10% de negativas y guarde los puntos con sus nuevas etiquetas. Dibuje de nuevo la gráfica anterior. (Ahora hay puntos mal clasificados respecto de la recta)

Lo primero que vamos a hacer va a ser añadir ruido a las etiquetas. Más concretamente cambiaremos el signo a un 10 % de las etiquetas elegidas aleatoriamente. A continuación pintamos los resultados (con ruido) de nuevo. He usado una semilla con valor 1 al principio de cada fichero *.py y el valor de la semilla es importante porque influye en los resultados y porcentajes de acierto/error.

La gráfica que obtenemos ya no tiene todos los puntos bien clasificados respecto de la recta en rojo. En concreto, como eran N=100 puntos y hemos cambiado un 10%, existen 10 puntos mal clasificados. Veamos:

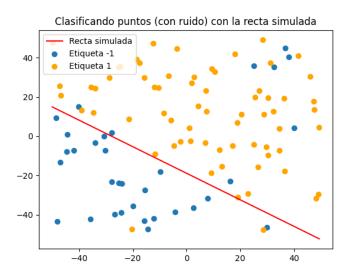


Figura 4: Clasificando puntos (con ruido) con la recta simulada

Como predecíamos hay 2 puntos amarillos con los azules y 8 azules en la zona de los amarillos.

c) Supongamos ahora que las siguientes funciones definen la frontera de clasificación de los puntos de la muestra en lugar de una recta.

- $f(x,y) = (x-10)^2 + (y-20)^2 400$
- $f(x,y) = 0.5(x+10)^2 + (y-20)^2 400$
- $f(x,y) = 0.5(x-10)^2 (y+20)^2 400$
- $f(x,y) = y 20x^2 5x + 3$

Visualizar el etiquetado generado en 2b junto con cada una de las gráficas de cada una de las funciones. Comparar las regiones positivas y negativas de estas nuevas funciones con las obtenidas en el caso de la recta. ¿Son estas funciones más complejas mejores clasificadores que la función lineal? Observe las gráficas y diga que consecuencias extrae sobre la influencia del proceso de modificación de etiquetas en el proceso de aprendizaje. Explicar el razonamiento.

Como para cada función deseamos visualizar la muestra de los puntos, con su etiquetado y la gráfica de las funciones voy a implementar una función print_graf que realice este trabajo. De esta manera pintaremos cómodamente los resultados de cada clasificador.

```
""" Para cada funcion pasada por argumento visualiza los puntos con sus
etiquetas y la grafica de la funcion como frontera de clasificacion.
- x: vector de puntos 2D que son las características.

    y: vector de etiquetas.

- fun: funcion a representar.
- title: titulo de la funcion."""
def print_graf(x, y, fun, title=""):
    plt.scatter(x[y = -1][:, 0], x[y = -1][:, 1], label="Etiqueta -1")
    \begin{array}{c} plt.scatter(x[y =\!\!\! = 1][:, \ 0], \ x[y =\!\!\! = 1][:, \ 1], \\ c="orange", \ label="Etiqueta 1") \end{array}
    #Generamos el contorno de fun
    x1, y1 = np.meshgrid(np.linspace(-50, 50, 100), np.linspace(-50, 50, 100))
    contorno = fun(x1, y1)
    plt.contour(x1, y1, contorno, [0], colors='red')
    plt.title("Clasificando puntos (con ruido) con la " + title)
    plt.gcf().canvas.set_window_title('Ejercicio 1 - Apartado 3')
    plt.legend()
    plt.show()
```

En segundo lugar he implementado una función get_porc que devuelve el porcentaje de puntos bien clasificados para los puntos datos, las etiquetas labels y la función fun. Para cada función llamaremos a get_porc y así manejaremos este dato también.

```
""" Calcula el porcentaje de puntos bien clasificados

- datos: datos.

- labels: etiquetas.

- fun: funcion clasificadora."""

def get_porc(datos, labels, fun):
    aciertos = labels*fun(datos[:, 0], datos[:, 1])
    return 100*len(aciertos[aciertos >= 0])/len(labels)
```

Provistos de todo lo anterior la ejecución de lo pedido es sencillo. Una vez tengamos definidas las funciones clasificadoras, las cuales he denominado f1, f2, f3 y f4, llamo para cada función a print_graf y muestro el procentaje de acierto con get_porc.

```
""" Funcion en dos variables que representa una elipse
- x: primera variable de la funcion.
- y: segunda variable de la funcion."""
def f1(x, y):
    return (x-10)**2 + (y-20)**2 - 400
# El resto de funciones son análogas.
""" Ejecucion del apartado 2c """
print ("\n### Apartado 3 ###\n")
print_graf(x, y, f1, "Elipse1")
print("Acierto para '{} ': {} %".format("Elipse1", get_porc(x, y, f1)))
print_graf(x, y, f2, "Elipse2")
print("Acierto para '{}': {}%".format("Elipse2", get_porc(x, y, f2)))
print_graf(x, y, f3, "Elipse3")
print("Acierto para '{}': {}%".format("Elipse3", get_porc(x, y, f3)))
print_graf(x, y, f4, "áParbola")
print("Acierto para '{}': {}%".format("áParbola", get_porc(x, y, f4)))
          – Pulsar tecla para continuar –
```

Podemos observar las cuatro gráficas obtenidas.

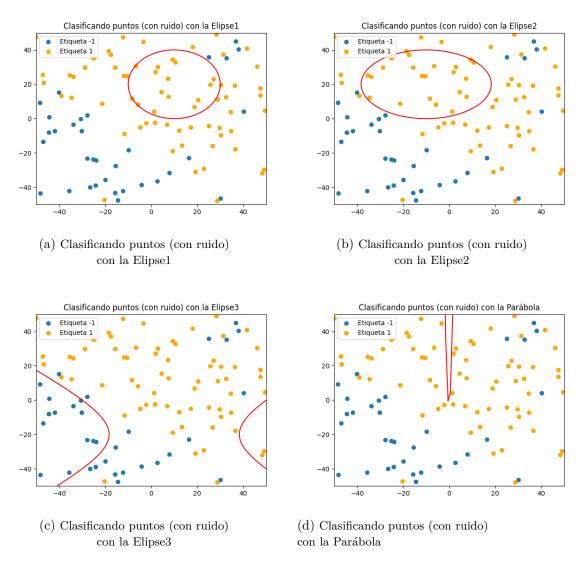


Figura 5: Usando diferentes clasificadores

Para mostrar los porcentajes de acierto de los clasificadores y poder dar un análisis he organizado los datos en una tabla en donde a parte de <code>get_porc</code> también he realizado un conteo manual para comprobar.

Clasificador	Bien clasificados	Mal clasificados	get_porc
f_1	53	47	53%
f_2	45	55	45%
f_3	22	78	22%
f_4	33	67	33%

Tabla 1: Porcentaje de acierto de cuatros clasificadores

Podemos observar que los porcentajes son muy variados y cambian entre los distintos

clasificadores. Eso sí, todos son bajos y no se ajustan nadie bien a los datos aunque sea por el efecto del "azar".

Si probamos diferentes semillas obteniendo otros 100 puntos nuevos con diferentes clasificaciones el porcentaje de acierto de los cuatro clasificadores varía bastante, pero casi siempre para mal.

La explicación es que aunque estos clasificadores sean complejos y puedan ser muy buenos clasificando nubes de puntos distintas, ésta no. Porque las etiquetas de esta han sido generadas y mediante una recta y posteriormente se les ha metido ruido. De este modo, es imposible que los clasificadores propuestos tuviesen acierto.

En conclusión, estas funciones no son mejores clasificadores que la función lineal para estos datos.

2. Modelos Lineales

Apartado 1

Algoritmo Perceptron: Implementar la función

```
ajusta_PLA(datos, label, max_iter, vini)
```

que calcula el hiperplano solución a un problema de clasificación binaria usando el algoritmo PLA. La entrada datos es una matriz donde cada item con su etiqueta está representado por una fila de la matriz, label el vector de etiquetas (cada etiqueta es un valor +1 o -1), max_iter es el número máximo de iteraciones permitidas y vini el valor inicial del vector. La función devuelve los coeficientes del hiperplano.

En primer lugar programo la función ajusta_PLA teniendo en cuenta el número máximo de iteraciones y el vector de pesos inicial. La condición de parada es fundamental, a parte del número máximo de iteraciones también pararemos cuando después de pasar por todos los datos no se ha actualizado ninguna componente del vector de pesos.

La actualización del vector de pesos la realizaremos cuando para un punto y su etiqueta (x_i, y_i) ocurra que signo $(w^T x_i) \neq y_i$ y actualizaremos w haciendo $w = w + y_i x_i$.

```
""" Calcula el hiperplano solucion a un problema de clasificacion binaria.
Devuelve el vector de pesos y el numero de iteraciones.
- datos: matriz de datos.
- labels: etiquetas.
- max_iters: numero maximo de iteraciones.
- vini: valor inicial."""
def ajusta_PLA(datos, labels, max_iters, vini):
   w = vini.copy()
    for it in range(1, max_iters + 1):
        w_{old} = w. copy()
        for dato, label in zip (datos, labels):
            if signo(w.dot(dato)) != label:
                w += label*dato
        if np.all(w == w_old): # No hay cambios
            return w, it
    return w. it
```

a) Ejecutar el algoritmo PLA con los datos simulados en los apartados 2a de la sección 1. Inicializar el algoritmo con: a) el vector cero y, b) con vectores de números aleatorios en [0,1] (10 veces). Anotar el número medio de iteraciones necesarias en ambos para converger. Valorar el resultado relacionando el punto de inicio con el número de iteraciones.

Para poder saber el acierto obtenido y valorar adecuadamente los resultados usaré la función get_porc() que había preparado en el ejercicio anterior. Aunque construyamos los datos de igual manera y con la misma semilla que en el ejercicio anterior es posible

que éstos sean distintos, ya que intervienen otros factores en la aleatoriedad.

He implementado una función ejecuta_PLA que me será útil para las ejecuciones del Algoritmo del Perceptrón de la forma pedida a lo largo de este Apartado.

```
""" Ejecuta ajusta_PLA() con vini un vector de ceros y luego 10 aleatorios
- datos: matriz de datos.
- labels: etiquetas.
- max iters: numero maximo de iteraciones.
def ejecuta_PLA(datos, labels, max_iters):
             Vector inicial cero")
   w, it = ajusta_PLA(datos, labels, max_iters, np.zeros(3))
            Num. iteraciones: {} ".format(it))
              Acierto: {} %".format(get_porc(datos, labels, w)))
               Diez vectores iniciales aleatorios")
    print ("\n
    iters = np.empty((10, ))
    percs = np.empty((10, ))
    for i in range (10):
       w, it = ajusta_PLA(datos, labels, max_iters, np.random.rand(3))
        iters[i] = it
       percs[i] = get_porc(datos, labels, w)
    print(" N. iteraciones: {}".format(np.mean(iters)))
              Aciertos: {} %".format(np.mean(percs)))
    print (
```

Así, para el resolver a) simplemente:

Los resultados son los que esperabamos, un 100% de acierto tanto cuando v_ini es el vector cero como para 10 vectores aleatorios. Cuando digo que son los esperados es porque sabemos que los datos eran linealmente separables y en ese caso tenemos asegurado que el algoritmo del Perceptrón es capaz de encontrar un vector w de manera que $h(x_i) = \text{signo}(w^T x_i) = y_i$ para cada i del conjunto de datos/etiquetas.

La única diferencia es que cuando w_ini es el vector cero las iteraciones que necesita son 34 y la media del número de iteraciones de las diez ejecuciones con w_ini aleatorio es 124,2. Por tanto, es mejor la primera elección.

b) Hacer lo mismo que antes usando ahora los datos del apartado 2b de la sección 1. ¿Observa algún comportamiento diferente? En caso afirmativo diga cual y las razones para que ello ocurra.

Construimos los datos con ruido de la misma manera que lo hacíamos en el ejercicio anterior y ejecutamos ejecuta_PLA sobre ellos.

```
print("\nb) Ejecutar PLA con los datos del ejercicio 1.2b).\n")
y_noise = np.copy(y)  # Introducimos ruido en el 10 %
ind = np.random.choice(N, size=int(N/10), replace=False)
for i in ind:
    y_noise[i] = -y[i]
ejecuta_PLA(x, y_noise, 1000)
```

He preparado una tabla que recoge los resultados del apartado anterior y los de éste.

	w_ini	get_porc	N° iteraciones
Datos sin ruido	Ceros	100%	34
	Aleatorio ($\times 10$)	100%	124,2
Datos con ruido	Ceros	84%	1000
	Aleatorio $(\times 10)$	75%	1000

Tabla 2: Acierto y número de iteraciones de PLA

En este caso la parada del algoritmo ha sido porque se ha alcanzado el número máximo de iteraciones ya que no consigue separar todos lo datos. De hecho es que no se puede porque hay un ruido del $10\,\%$. El porcentaje de acierto que el algoritmo del Perceptrón obtiene sobre estos datos es bueno ($\geq 75\,\%$). El mayor porcentaje que puede conseguir es del $90\,\%$ así que es muy bueno. Nuevamente, tal y como sucedió antes para w_ini con ceros el acierto es mayor, del $84\,\%$.

Aunque no nos lo pidan voy a mostrar el resultado de PLA en el caso con ruido para un vector inicial de ceros, donde tenemos un $84\,\%$ de acierto.

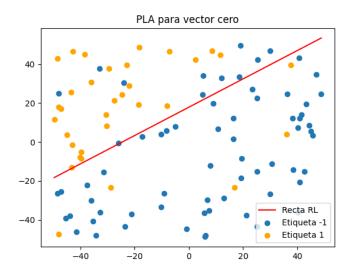


Figura 6: Algoritmo del Perceptrón para w_ini de ceros

Apartado 2

Regresión Logística: En este ejercicio crearemos nuestra propia función objetivo f (una probabilidad en este caso) y nuestro conjunto de datos \mathcal{D} para ver cómo funciona regresión logística. Supondremos por simplicidad que f es una probabilidad con valores 0/1 y por tanto que la etiqueta y es una función determinista de x.

Consideremos d=2 para que los datos sean visualizables, y sea $\mathcal{X}=[0,2] \times [0,2]$ con probabilidad uniforme de elegir cada $x\in X$. Elegir una línea en el plano que pase por X como la frontera entre f(x)=1 (donde y toma valores +1) y f(x)=0 (donde y toma valores -1), para ello seleccionar dos puntos aleatorios del plano y calcular la línea que pasa por ambos. Seleccionar N=100 puntos aleatorios $\{x_n\}$ de $\mathcal X$ y evaluar las respuestas y_n de todos ellos respecto de la frontera elegida.

- a) Implementar Regresión Logística (RL) con Gradiente Descendente Estocástico (SGD) bajo las siguientes condiciones:
 - Inicializar el vector de pesos con valores 0.
 - Parar el algoritmo cuando $\left\|w^{(t-1)} w^{(t)}\right\| < 0,01$, donde $w^{(t)}$ denota el vector de pesos al final de la época t. Una época es un pase completo a través de los N datos.
 - Aplicar una permutación aleatoria, 1,2,...,N, en el orden de los datos antes de usarlos en cada época del algoritmo.
 - Usar una tasa de aprendizaje de $\eta = 0.01$.

La estructura que vamos a seguir es inicializar w a cero y escoger una permutación de índices en cada época. A partir de ahí seleccionaremos minibatches que en este caso van a ser de tamaño 1. La actualización de w con tasa de aprendizaje μ es así:

$$\mathbf{w}^{(t+1)} = \mathbf{w}^{(t)} - \mu \nabla E_{in}(\mathbf{w}^{(t)}).$$

La condición de parada nos indica el enunciado que ha de ser $\left\|\mathbf{w}^{(t+1)} - \mathbf{w}^{(t)}\right\| < 0.01$. El error en el caso de Regresión Logística es:

$$E_{in} = \frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N} \log(1 + e^{-y_i w^T x_i})$$
 (1)

y el gradiente

$$\nabla E_{in} = \frac{1}{N} \sum_{i=0}^{N} \frac{-y_i x_i}{1 + e^{y_i w^T x_i}}$$

en donde se ha simplificado. En código

```
""" Calcula el gradiente de la Regresion Logistica.
- dato: un solo vector de características.
- label: etiqueta del vector.

    w: vector de pesos.

def grad_RL(dato, label, w):
    return -label*dato/(1 + np.exp(label*w.dot(dato)))
""" Algoritmo de regresion logistica con SGD.
- datos: matriz de datos.
- labels: etiquetas.
- eta: tasa de aprendizaje.
def sgd_RL(datos, labels, eta):
    w = np. zeros(len(datos[0]))
    ind_set = np.arange(len(datos))
    changed = True
                             # indica si ha habido cambios en una época
    while changed:
        w_old = w. copy()
        ind_set = np.random.permutation(ind_set)
        for ind in ind_set:
            w = w - eta*grad_RL(datos[ind], labels[ind], w)
        changed = np. linalg.norm(w - w_old) >= 0.01
    return w
```

Después de lo anterior, lo relacionado al apartado a) es:

```
print ("a) Implementar RL con SGD. Mostramos grafica con el resultado.")
# Calculamos datos y labels
N = 100; intervalo = [0, 2]
a, b = simula_recta([0, 2])
datos = np.hstack((np.ones((N, 1)), simula\_unif(N, 2, intervalo)))
labels = np.empty((N, ))
for i in range(N):
    labels [i] = signo(f(datos[i, 1], datos[i, 2], a, b))
# Calculamos el vector de pesos usando RL+SGD
w = sgd_RL(datos, labels, 0.01)
# Representamos la recta obtenida
plt.scatter(datos[labels = -1][:, 1], datos[labels = -1][:, 2],
            label = "Etiqueta -1")
plt.scatter(datos[labels = 1][:, 1], datos[labels = 1][:, 2],
            c="orange", label="Etiqueta 1")
points = np.array([np.min(datos[:, 1]), np.max(datos[:, 1])])
plt.plot(points, (-w[1]*points - w[0])/w[2], c="red", label="Recta RL")
plt.legend()
plt.title("Regresion Logistica con SGD")
plt.gcf().canvas.set_window_title('Ejercicio 2 - Apartado 2a)')
plt.show()
```

La recta hallada con la Regresión Logística usando Gradiente Descendente Estocástico separa muy bien los datos. Veamos la gráfica:

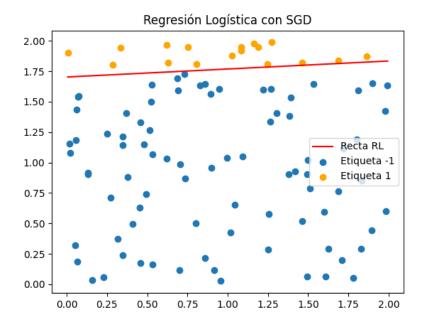


Figura 7: Regresión Logística con SGD

b) Usar la muestra de datos etiquetada para encontrar nuestra solución g y estimar E_{out} usando para ello un número suficientemente grande de nuevas muestras (> 999).

La función de error que vamos a usar es la de la Ecuación 1. Como es sencilla no muestro el código para no extender más. El código que recoge el Apartado b) es:

```
print("\nb) Encontrar solucion g y estimar Eout con nuevas muestras.\n")
# Calculamos datos y labels de test (uso el mismo N>999)
datos_test = np.hstack((np.ones((N, 1)), simula_unif(N, 2, intervalo)))
labels\_test = np.empty((N, ))
for i in range(N):
    labels_test[i] = signo(f(datos_test[i, 1], datos_test[i, 2], a, b))
# Representamos la recta y el conjunto de test
plt.scatter(datos test[labels test = -1][:, 1],
        datos\_test [ labels\_test == -1 ] [:, 2], label="Etiqueta -1")
plt.scatter(datos_test[labels_test == 1][:, 1],
        datos_test[labels_test == 1][:, 2], c="orange", label="Etiqueta 1")
points = np.array([np.min(datos\_test[:, 1]), np.max(datos\_test[:, 1])])
plt.plot(points, (-w[1]*points - w[0])/w[2], c="red", label="Recta RL")
plt.legend()
plt.title("Regresion Logistica con SGD (test)")
plt.gcf().canvas.set_window_title('Ejercicio 2 - Apartado 2b)')
plt.show()
# Mostramos cálculos de porcentaje de aciertos y Eout
          Aciertos (test): {}%".format(get_porc(datos_test, labels_test, w)))
print ("
          Eout: {} ".format(Err_RL(datos_test, labels_test, w)))
print (
```

El porcentaje de acierto de los 1000 puntos generados como test es del 99,0 % y el error de máxima verosimilitud explicado anteriormente es $E_{out}=0,10021174811552422$. Ambos son muy buenos, excelentes. Podemos concluir diciendo que la Regresión Logística con SGD ha sido exitosa. La gráfica del test es:



Figura 8: Regresión Logística con SGD (test)

3. Bonus

Clasificación de Dígitos. Considerar el conjunto de datos de los dígitos manuscritos y seleccionar las muestras de los dígitos 4 y 8. Usar los ficheros de entrenamiento (training) y test que se proporcionan. Extraer las características de intensidad promedio y simetría en la manera que se indicó en el ejercicio 3 del trabajo 1.

Apartado 1

Plantear un problema de clasificación binaria que considere el conjunto de entrenamiento como datos de entrada para aprender la función g.

El problema de clasificación binaria va a ser para clasificar dígitos manuscritos, en concreto los dígitos 4 y 8 representamos respectivamente por las etiquetas -1 y 1 a partir de sus características de intensidad promedio y simetría.

Leeremos los ficheros de la práctica anterior y modificamos la función de lectura de los datos que nos daban para leer los nuevos dígitos. Así obtendremos el conjunto de train y el test. Mediante la característica de intensidad promedio y los algoritmos que explicamos más adelante intentaremos clasificar los datos.

```
print("Leyendo los ficheros de datos de train y test.")
# Lectura de los datos de entrenamiento
x, y = readData('datos/X_train.npy', 'datos/y_train.npy')
# Lectura de los datos para el test
x_test, y_test = readData('datos/X_test.npy', 'datos/y_test.npy')
```

Apartado 2

Usar un modelo de Regresión Lineal y aplicar PLA-Pocket como mejora. Responder a las siguientes cuestiones.

El modelo de regresión Lineal que voy a usar es el de la Pseudoinversa (el código en el archivo Python) por su sencillez, el cual se obtenía w mediante el siguiente razonamiento:

$$\nabla E_{in}(w) = 0 \Rightarrow X^T X w = X^T y \Rightarrow w = X^{\dagger} y \text{ donde } X^{\dagger} = (X^T X)^{-1} X^T.$$

De esa forma obtendremos el vector de pesos inicial y luego usaremos el algoritmo PLA_Pocket que es como el del Perceptrón pero guardando la mejor solución encontrada hasta el momento.

```
"""Calcula el hiperplano que hace de clasificador binario.

Devuelve el vector de pesos y el numero de iteraciones.

- datos: matriz de datos.

- labels: etiquetas.

- max_iters: numero maximo de iteraciones.

- vini: valor inicial."""

def PLA_Pocket(datos, labels, max_iters, vini):
    w = vini.copy()
    w_best = w.copy()
```

```
err_best = Err(datos, labels, w_best)

for it in range(1, max_iters + 1):
    w_old = w.copy()

    for dato, label in zip(datos, labels):
        if signo(w.dot(dato)) != label:
            w += label*dato

    err = Err(datos, labels, w)
    if err < err_best:
        w_best = w.copy()
        err_best = err

    if np.all(w == w_old): # No hay cambios
        return w_best, it

return w_best, it</pre>
```

a) Generar gráficos separados (en color) de los datos de entrenamiento y test junto con la función estimada.

No muestro el código porque lo relevante es PLA_Pocket que ya se ha expuesto y explicado y el código de generación de gráficas está presente a lo largo de la práctica.

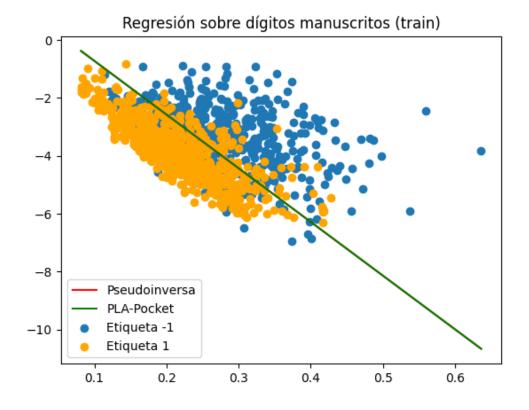


Figura 9: Imágenes sobre dígitos manuscritos (train)

La regresión es buena. Vemos la del conjunto de test y analizamos los datos. Observamos que el conjunto de train es mucho más numeroso que el de test.

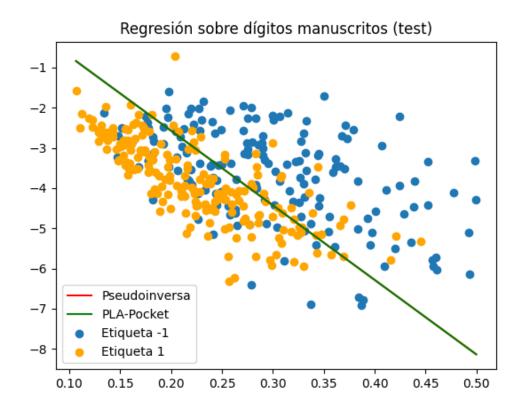


Figura 10: Imágenes sobre dígitos manuscritos (test)

Texto.

b) Calcular E_{in} y E_{test} (error sobre los datos de test).

He recogido los errores en la siguiente tabla:

Algoritmo	E_{in}	E_{out}
Pseudoinversa	0,6428532963367777	0,7087148141159978
PLA_Pocket	0,6428532963367777	0,7087148141159978

Tabla 3: E_{in} y E_{out} para Pseudoinversa y PLA_Pocket

Texto.

c) Obtener cotas sobre el verdadero valor de E_{out} . Pueden calcularse dos cotas una basada en E_{in} y otra basada en E_{test} . Usar una tolerancia $\delta=0,05$. ¿Que cota es mejor?

La fórmula de la cota del error es:

$$E_{out} \le E_{in} + \sqrt{\frac{1}{2N} \log\left(\frac{2|\mathcal{H}|}{\delta}\right)}$$

donde $\delta=0.05$ es la tolerancia, N el tamaño de la muestra (distinto en train y test) y falta por calcular $|\mathcal{H}|$. Como los flotantes son de 64 bits y tenemos tres parámetros entonces $|\mathcal{H}|=2^{64*3}$.

```
""" Calcula y devuelve la cota de Eout.

- ein: error estimado.

- N: tamanio de la muestra.

- delta: tolerancia."""

def cotaErr(ein, N, delta):
    return ein + np.sqrt(1/(2*N)*((3*64+1)*np.log(2) - np.log(delta)))
```

Las cotas obtenidas para E_{out} son de num usando E_{in} y num usando E_{out} . El resultado es entendible ya que E_{in} era más pequeño que E_{test} . Por tanto, es mejor la que usa E_{in} .